

# **Отчет по лабораторной работе №6**

**Дисциплина: Математическое моделирование**

Выполнил: Гаглыев Олег Мелорович

# Содержание

<b>1</b>	<b>Цель работы</b>	<b>5</b>
<b>2</b>	<b>Задание</b>	<b>6</b>
<b>3</b>	<b>Теоретическое введение</b>	<b>7</b>
<b>4</b>	<b>Выполнение лабораторной работы</b>	<b>9</b>
4.1	Первый случай $I(t) \leq I^*$ . . . . .	9
4.2	Второй случай $I(t) > I^*$ . . . . .	13
<b>5</b>	<b>Выводы</b>	<b>18</b>
	<b>Список литературы</b>	<b>19</b>

## Список иллюстраций

4.1	Графики изменения числа особей в каждой из трех групп - Julia .	12
4.2	Графики изменения числа особей в каждой из трех групп - OpenModelica . . . . .	13
4.3	Графики изменения числа особей в каждой из трех групп - Julia .	16
4.4	Графики изменения числа особей в каждой из трех групп - OpenModelica . . . . .	17

## Список таблиц

# 1 Цель работы

Смоделировать задачу об эпидемии по средством языков программирования Julia и OpenModelica.

## 2 Задание

- Построить графики изменения числа особей в каждой из трех групп
- Рассмотреть протекание эпидемия в двух различных случаях

### 3 Теоретическое введение

Перед нами простейшая модель эпидемии.

Предположим, что некая популяция, состоящая из  $N$  особей, (считаем, что популяция изолирована) подразделяется на три группы. **Первая группа** - это восприимчивые к болезни, но пока здоровые особи, обозначим их через  $S(t)$ . **Вторая группа** – это число инфицированных особей, которые также при этом являются распространителями инфекции, обозначим их  $I(t)$ . А **третья группа**, обозначающаяся через  $R(t)$  – это здоровые особи с иммунитетом к болезни.

До того, как число заболевших не превышает критического значения  $I^*$ , считаем, что все больные изолированы и не заражают здоровых. Когда  $I(t) > I^*$ , тогда инфицирование способны заражать восприимчивых к болезни особей.

Таким образом, скорость изменения числа  $S(t)$  меняется по следующему закону [3.1]:

$$\frac{dS}{dt} = \begin{cases} -\alpha S, & I(t) > I^* \\ 0, & I(t) \leq I^* \end{cases} \quad (3.1)$$

Поскольку каждая восприимчивая к болезни особь, которая, в конце концов, заболевает, сама становится инфекционной, то скорость изменения числа инфекционных особей представляет разность за единицу времени между заразившимися и теми, кто уже болеет и лечится, т.е.:

$$\frac{dI}{dt} = \begin{cases} \alpha S - \beta I, & I(t) > I^* \\ -\beta I, & I(t) \leq I^* \end{cases} \quad (3.2)$$

А скорость изменения выздоравливающих особей (при этом приобретающие иммунитет к болезни)

$$\frac{dR}{dt} = \beta I \quad (3.3)$$

Постоянные пропорциональности  $\alpha, \beta$ , - это коэффициенты заболеваемости и выздоровления соответственно.

Для того, чтобы решения соответствующих уравнений определялось однозначно, необходимо задать начальные условия. Считаем, что на начало эпидемии в момент времени  $t = 0$  нет особей с иммунитетом к болезни  $R(0) = 0$ , а число инфицированных и восприимчивых к болезни особей  $I(0)$  и  $S(0)$  соответственно. Для анализа картины протекания эпидемии необходимо рассмотреть два случая:  $I(0) \leq I^*$  и  $I(0) > I^*$ .

Группы обозначены как S, I, R - отсюда модель эпидемии называют SIR-моделью. Эта модель создана методом системной динамики. Есть также её вариант, реализованный с помощью агентного моделирования (там есть возможность запустить эксперименты варьирования параметров и Монте-Карло 1-го и 2-го порядка).

Разумеется, это очень упрощенная модель. Чтобы отражать действительность, модель должна основываться на реальных свойствах конкретной болезни и учитывать изменения системы под управленческими воздействиями – например, количество контактов можно снижать карантинными мерами.

Часто еще вспоминают SEIR модель, которую рассматривают как модификацию SIR.

SEIR модель учитывает инкубационный период (E – exposed, индивиды болеют, но не заразны и со временем полностью заболеют). В такой модели заражение восприимчивых происходит таким же способом как в модели SIR, но попадают такие особи не в группу I, а в группу E. А из E с определённой вероятностью ( $\alpha$ , число обратное длительности инкубационного периода) происходит переход уже в I.



## 4 Выполнение лабораторной работы

1. Вариант 38

2. Задача предложенного варианта состоит в следующем:

На одном острове вспыхнула эпидемия. Известно, что из всех проживающих на острове ( $N = 12700$ ) в момент начала эпидемии ( $t = 0$ ) число заболевших людей (являющихся распространителями инфекции)  $I(0) = 170$ , а число здоровых людей с иммунитетом к болезни  $R(0) = 57$ . Таким образом, число людей восприимчивых к болезни, но пока здоровых, в начальный момент времени  $S(0) = N - I(0) - R(0)$ .

Постройте графики изменения числа особей в каждой из трех групп. Рассмотрите, как будет протекать эпидемия в случае:

- если  $I(t) \leq I^*$
- если  $I(t) > I^*$

3. Коэффициенты возьму из примера:  $\alpha = 0.01, \beta = 0.02$ .

### 4.1 Первый случай $I(t) \leq I^*$

1. На языке Julia напишем код моделирующий изменение числа особей в каждой из трех групп - заболевших, здоровых с иммунитетом и здоровых, но восприимчивых:

```

using Plots
using DifferentialEquations
N=12700
I₀=170
R₀=57
S₀=N-I₀-R₀
T=(0.0,60)
u₀=[S₀,I₀,R₀]
a=0.01
b=0.02
function F!(du,u,p,t)
    du[1]=0
    du[2]=-b*u[2]
    du[3]=b*u[2]
end
prob=ODEProblem(F!,u₀,T)
sol=solve(prob,saveat=0.05)
const S=Float64[]
const I=Float64[]
const R=Float64[]
for u in sol.u
    s,i,r=u
    push!(S,s)
    push!(I,i)
    push!(R,r)
end
plt=plot(
    dpi=300,
    size=(800,600),

```

```

title="Модель эпидемии при  $I_0 \leq I^*$ "
)
plot!(
plt,
sol.t,
S,
color=:red,
xlabel="t",
ylabel="Численность",
label="В группе риска"
)
plot!(
plt,
sol.t,
I,
color=:black,
xlabel="t",
ylabel="Численность",
label="Распространители болезни"
)
plot!(
plt,
sol.t,
R,
color=:blue,
xlabel="t",
ylabel="Численность",
label="Люди с иммунитетом"
)

```

)

```
savefig(plt,"Julia_1.png")
```

В качестве результата у нас график изменения численности заболеваемости (рис. [4.1]):

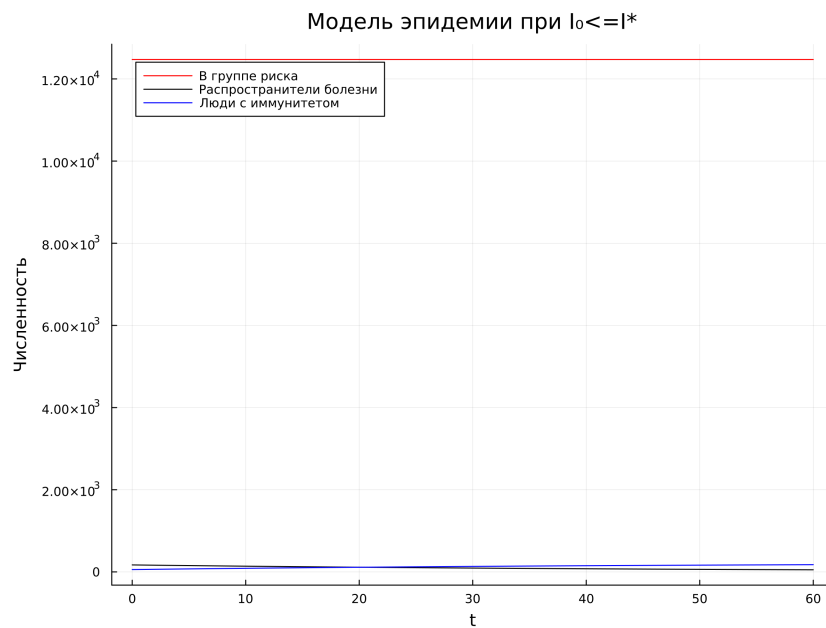


Рис. 4.1: Графики изменения числа особей в каждой из трех групп - Julia

#### 1. Напишем код на OpenModelica:

```
model Lab06_1
constant Integer N= 12700;
constant Integer I0=170;
constant Integer R0= 57;
constant Integer S0=N-I0-R0;
constant Real a=0.01;
constant Real b=0.02;
Real s(start=S0);
```

```

Real i(start=I0);
Real r(start=R0);
Real t=time;
equation
    der(s)=0;
    der(i)=-b*i;
    der(r)=b*i;
    annotation(experiment(StartTime = 0,StopTime = 100),Documentation);
end Lab06_1;

```

В качестве результата у нас график изменения численности численности заболеваемости (рис. [4.2]):

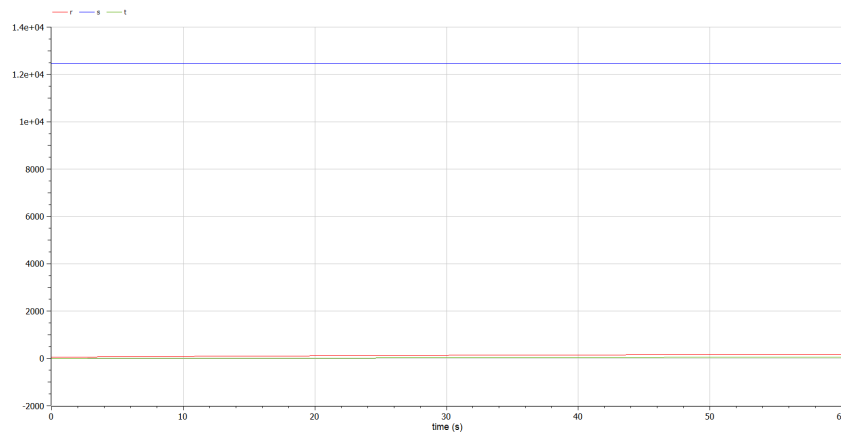


Рис. 4.2: Графики изменения числа особей в каждой из трех групп - OpenModelica

## 4.2 Второй случай $I(t) > I^*$

1. На языке Julia напишем код моделирующий изменение числа особей в каждой из трех групп - заболевших, здоровых с иммунитетом и здоровых, но восприимчивых:

```
using Plots
```

```

using DifferentialEquations
N=12700
I₀=170
R₀=57
S₀=N-I₀-R₀
T=(0.0,60)
u₀=[S₀,I₀,R₀]
a=0.01
b=0.02
function F!(du,u,p,t)
    du[1]=-a*u[1]
    du[2]=a*u[1]-b*u[2]
    du[3]=b*u[2]
end
prob=ODEProblem(F!,u₀,T)
sol=solve(prob,saveat=0.05)
const S=Float64[]
const I=Float64[]
const R=Float64[]
for u in sol.u
    s,i,r=u
    push!(S,s)
    push!(I,i)
    push!(R,r)
end
plt=plot(
    dpi=300,
    size=(800,600),
    title="Модель эпидемии при I₀>I*"

```

```

)
plot!(
plt,
sol.t,
S,
color=:red,
xlabel="t",
ylabel="Численность",
label="В группе риска"
)
plot!(
plt,
sol.t,
I,
color=:black,
xlabel="t",
ylabel="Численность",
label="Распространители болезни"

)
plot!(
plt,
sol.t,
R,
color=:blue,
xlabel="t",
ylabel="Численность",
label="Люди с иммунитетом"

```

)

```
savefig(plt,"Julia_2.png")
```

В качестве результата у нас график изменения численности численности заболеваемости (рис. [4.3]):

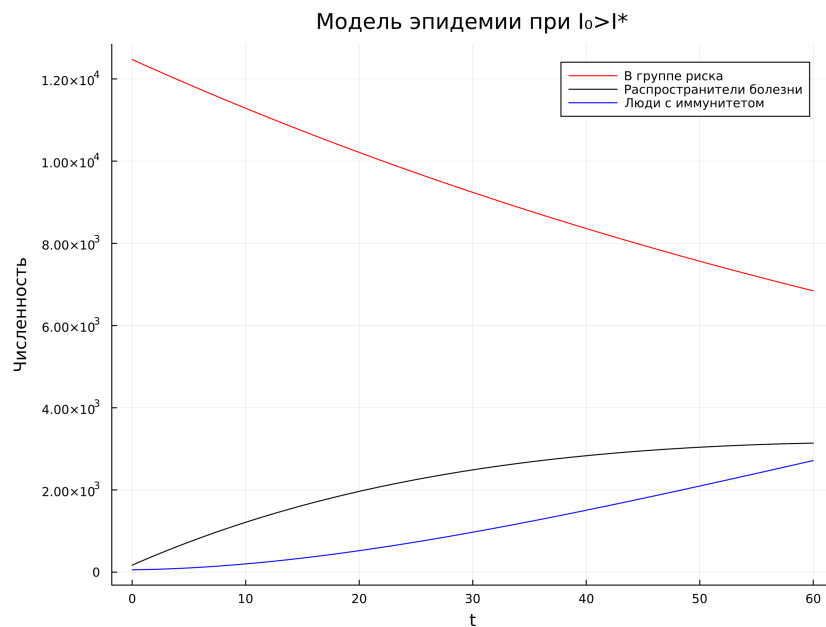


Рис. 4.3: Графики изменения числа особей в каждой из трех групп - Julia

#### 1. Напишем код на OpenModelica:

```
model Lab06_2
constant Integer N= 12700;
constant Integer I0=170;
constant Integer R0= 57;
constant Integer S0=N-I0-R0;
constant Real a=0.01;
constant Real b=0.02;
Real s(start=S0);
Real i(start=I0);
```



```

Real r(start=R0);
Real t=time;
equation
  der(s)=-a*s;
  der(i)=a*s-b*i;
  der(r)=b*i;
  annotation(experiment(StartTime = 0,StopTime = 100));
end Lab06_2;

```

В качестве результата у нас график изменения численности численности заболеваемости (рис. [4.4]):

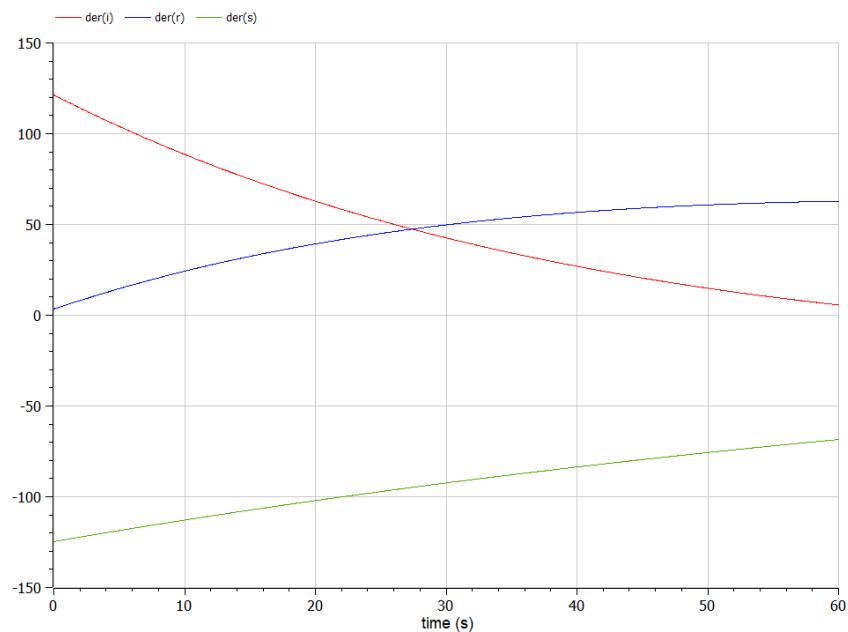


Рис. 4.4: Графики изменения числа особей в каждой из трех групп - OpenModelica

## 5 Выводы

- Мы смоделировали задачу об эпидемии по средством языков программирования Julia и OpenModelica
- Построили графики изменения числа особей в каждой из трех групп
- Рассмотрели протекание эпидемия в двух различных случаях

## **Список литературы**