

HACETTEPE ÜNIVERSITESI

İstatiksel Analiz





MEHMET ŞENEL 2210329077

ISTATİKSEL ANALİZ ÖDEVİ

İçindekiler

1.0 Kullanılan Paketler	2
1.1 Dbplyr	2
1.2 Ggiraph	2
1.3 E1071	2
1.4 Shiny	2
2.0 Veri Hakkında	3
2.1 Verinin Rstudioya aktarımı	3
2.2 Verinin görünümü	4
2.3 Veri Hakkında	4
3.0 Örneklem Oluşturma	5
3.1 Örneklem Oluşturma	5
3.2 Örneklem Çıktısı	5
4.0 Verinin Analizi	7
4.1 Temel Analizler	7
4.2 Creating One Scatter Plot for Each Group	8
4.2.1 Kullanılan Paketler	8
4.2.2 Grafiğin Oluşturulması	8
4.3 Creating One Boxplot for Each Factor Level	10
4.3.1 Kullanılan Paketler	10
4.3.2 Grafiğin Oluşturulması	11
4.3.3 Grafik Çıktıları ve Yorumlama	12
4.4 Creating a Histogram	13
4.4.1 Kullanılan Paketler	13
4.4.2 Grafiklerin Oluşturulması	13
4.4.3 Grafik Çıktıları ve Yorumlama	14
4.4.4 Adding a Density	14
	14
5.0 Changing the Type, Width, or Color of a Line	17
5.1 Line Type	17
5.2 Change width and color	
6.0 Writing Your Plot to a File	19
6.1 Uygulamadan Yazdırma	
6.2 Kod ile Yazdırma	20
Kaynakca	20

1.0 Kullanılan Paketler

```
11 library(shiny)
12 library(ggiraph)
13 library(e1071)
14 library(dbplyr)
```

Yapıcak olduğumuz ödevimizde sunumuzun tamamı R Studio programı ile hazırlanacak olup kullanılan temel paketler ve kütüphaneler görüldüğü gibidir.

1.1 Dbplyr

Dplyr'i, sözlük anlamıyla "veri işlemenin temel prensipleri" veya "veri işleme grameri" olarak çevirebiliriz. Hadley Wickham tarafından geliştirilen R'da sıklıkla kullanılan paketlerin koleksiyonundan oluşan <u>tidyverse</u> evreninin bir parçası.

Dplyr'a gramer denmesinin sebebi, veri setlerinin düzenlenmesi, filtrelenmesi, sıralanması ve belirli değişkenlerin hesaplanmasını mümkün kılan 6 ayrı fiile (fonksiyona) sahip olması. Bunlar: select (), mutate (), filter (), arrange (), summarize () ve group_by (). R programlama dilini öğrenmek bu fiilleri kullanmaktan geçiyor.

1.2 Ggiraph

Ggiph, dinamik ggplot grafikleri oluşturmanıza olanak tanıyan bir araçtır. Bu, grafiklere araç ipuçları, vurgulu efektler ve JavaScript eylemleri eklemenizi sağlar. Paket ayrıca parlak uygulamalarda kullanıldığında grafik öğelerin seçilmesine de olanak tanır.

1.3 E1071

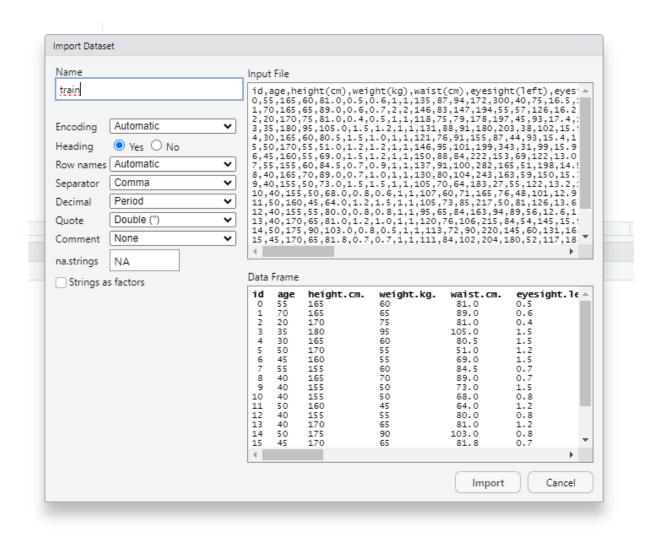
SVM'lerin hızlı ve kolay uygulanmasını sağlar. Doğrusal, polinom, RBF ve sigmoid dahil olmak üzere en yaygın çekirdekleri sağlar. Tahminler için karar ve olasılık değerleri için hesaplama gücü sunar. Ayrıca sınıflandırma modunda ve çapraz doğrulamada sınıfların ağırlıklandırılmasını sağlar.

1.4 Shiny

Shiny son yıllarda kullanımı oldukça yaygınlaşan açık kaynaklı bir R paketidir. Shiny ile R programlama dili kullanarak web tabanlı ara yüzlerin oluşturulması sağlanır. Bu sayede HTML, Java Script gibi programlama dillerini bilmeseniz bile analizlerinizi interaktif bir web uygulaması üzerinden gerçekleştirebilirsiniz. İlk versiyonu 28 Şubat 2011 yılında çıkan R shiny Winston Chang önderliğinde bir grup tarafından geliştirilmiştir. Winston'un yanı sıra Joe Cheng, JJ Allaire, Yihui Xie ve Jonathan McPherson R shiny geliştirme sürecinde önemli katkılar sunmuşlardır. Paketin güncelleme ve yeni versiyonlarının geliştirilmesi sürecinde ise pek çok kişinin katkısı vardır ve halen devam etmektedir.

2.0 Veri Hakkında

2.1 Verinin Rstudioya aktarımı



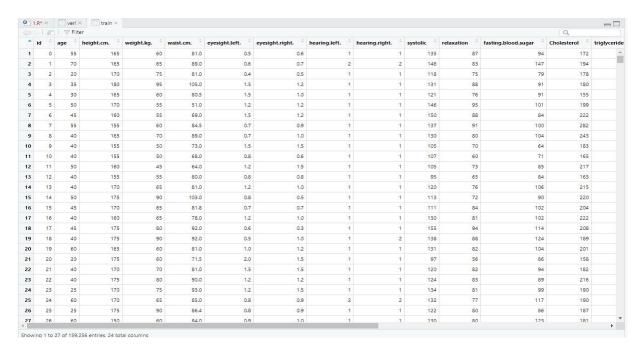
Rstudio uygulaması üzerinde sırasıyla File, dataset ve son olarak da Import Dataset seçeneği aracılığı ile ya da aşağıda yer alan kod aracılığı ile verimiz uygulamaya çekilir.

```
1:1 (Top Level) 

Console Terminal × Background Jobs ×

R 4.3.2 · ~/ 
> train <- read.csv("C:/Users/pc/Desktop/analiz ödev/train.csv")
> View(train)
> |
```

2.2 Verinin görünümü



Veri yukarıda belirtildiği şekilde uygulamaya aktarıldıktan sonra çıktısı yukarıdaki gibi olmaktadır.

2.3 Veri Hakkında

ata					
trai	in :	1592	56	obs. of 24 variables	
\$	id	: i	nt	0 1 2 3 4 5 6 7 8 9	
\$	age	: i	nt	55 70 20 35 30 50 45 55 40 40	
\$	height.cm.	: i	nt	165 165 170 180 165 170 160 155 165 155	
\$	weight.kg.	: i	nt	60 65 75 95 60 55 55 60 70 50	
\$	waist.cm.	: n	um	81 89 81 105 80.5 51 69 84.5 89 73	
\$	eyesight.left.	: n	um	0.5 0.6 0.4 1.5 1.5 1.2 1.5 0.7 0.7 1.5	
\$	eyesight.right.	: n	um	0.6 0.7 0.5 1.2 1 1.2 1.2 0.9 1 1.5	
\$	hearing.left.	: i	nt	121111111	
\$	hearing.right.	: i	nt	121111111	
\$	systolic	: i	nt	135 146 118 131 121 146 150 137 130 105	
\$	relaxation	: i	nt	87 83 75 88 76 95 88 91 80 70	
\$	fasting.blood.suga	r: i	nt	94 147 79 91 91 101 84 100 104 64	
\$	Cholesterol	: i	nt	172 194 178 180 155 199 222 282 243 183	
\$	triglyceride	: i	nt	300 55 197 203 87 343 153 165 163 27	
\$	HDL	: i	nt	40 57 45 38 44 31 69 51 59 55	
\$	LDL	: i	nt	75 126 93 102 93 99 122 198 150 122	
\$	hemoglobin	: n	um	16.5 16.2 17.4 15.9 15.4 15.9 13 14.5 15.7 13.2	
\$	Urine.protein	: i	nt	1111111111	
\$	serum.creatinine	: n	um	1 1.1 0.8 1 0.8 0.7 0.7 0.7 0.9 0.7	
\$	AST	: i	nt	22 27 27 20 19 24 17 16 24 22	
\$	ALT	: i	nt	25 23 31 27 13 42 12 15 21 16	
\$	Gtp	: i	nt	27 37 53 30 17 119 16 16 31 14	
\$	dental.caries	: i	nt	0 1 0 1 0 1 0 0 0 0	
\$	smoking	: i	nt	1010110010	

Rstudio uygulamamızın sağ tarafında yer alan kısımdan direkt olarak veri hakkında genel bilgi sahibi olabiliriz.

- Verimiz 24 değişkenden oluşmaktadır.
- Verimizde toplamda 159256 veri yer almaktadır.
- Verimizde yer alan değerler genel anlamda int ve num olarak yer almakta olup bu değerler sayısal ya da sınıflandırılmış verilerdir. (Örneğin smoking

değerinin 0 veya 1 olması gibi)

3.0 Örneklem Oluşturma

3.1 Örneklem Oluşturma

```
orneklem <- sample(1:nrow(train),2000)
veri <- train[orneklem,]
write.csv(veri,"C:/Users/pc/Desktop/analiz ödev/veri.csv", row.names = FALSE)
```

Yukarı görüldüğü üzere "Sample" fonksiyonu aracılığı ile örneklem oluşturma işlemi gerçekleştirilmekte olup, genel kullanımı;

Sample (baş: bitiş (veri kümesi), adet sayısı)

Şeklindedir.

2.adım olarak ise tanımlanmış olan örneklemin bir veri kümesi haline getirilmesi ve son olarak da kaybolmaması veya değişmemesi adına kaydedilmesi aşamaları yer alır.

Write.cvs (veri kümesi, "Bilgisayarda kaydedilmesini istediğin alan")

Şeklindedir.

3.2 Örneklem Çıktısı

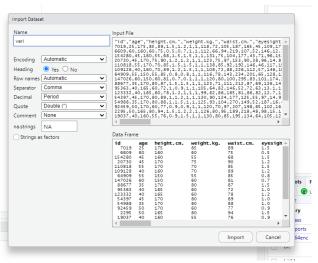
	Ø ⊽ Filter														
-	id ‡	age ‡	height.cm.	weight.kg.	waist.cm.	eyesight.left.	eyesight.right.	hearing.left.	hearing.right.	systolic	relaxation [‡]	fasting.blood.sugar	Cholesterol	triglyo	
7020	7019	25	175	85	89.0	1.5	1.2	1	1	118	72	105	187		
6610	6609	60	160	60	75.0	0.5	0.7	1	1	112	66	94	219		
54281	154280	45	160	55	68.0	1.5	1.5	1	1	131	75	104	177		
20731	20730	45	170	75	90.0	1.2	1.2	1	1	123	75	97	153		
10819	110818	55	170	70	85.0	1.5	1.5	1	1	138	85	92	192		
09129	109128	40	160	70	89.0	1.2	1.5	1	1	108	72	88	226		
54910	64909	55	150	55	85.0	0.8	0.8	1	1	116	78	143	234		
47027	147026	60	150	60	81.0	0.7	0.1	1	1	120	80	100	295		
88678	88677	35	170	80	87.0	1.5	1.5	1	1	123	71	111	212		
95364	95363	40	165	60	72.0	1.0	0.9	1	1	105	64	82	146		
23333	123332	40	165	60	78.0	1.2	1.0	1	1	99	62	86	185		
54398	54397	45	170	80	89.0	1.0	1.2	1	1	130	90	124	177		
54989	54988	35	170	80	88.0	1.0	1.5	1	1	125	93	104	270		
92460	92459	50	170	60	77.0	0.9	0.9	1	1	120	70	97	207		
2296	2295	50	165	80	94.0	1.5	1.2	2	1	126	80	95	189		
19038	19037	40	160	55	76.0	0.9	1.5	1	1	130	80	85	195		
129135	129134	40	160	55	72.0	1.0	1.2	1	1	119	73	101	222		
3744	3743	55	155	65	76.0	0.4	0.7	1	1	135	89	93	218		
32710	32709	40	175	85	98.0	1.0	1.2	1	1	124	80	100	194		
96803	96802	50	155	60	81.0	0.6	0.5	1	1	130	70	92	179		
14875	114874	45	165	60	75.0	1.2	1.2	1	1	107	67	94	158		
84030	84029	50	165	70	87.0	0.9	0.9	1	1	118	76	105	211		
44876	144875	35	170	50	69.0	1.0	1.0	1	1	128	81	83	200	1	
03000	103050	40	100		70.0	4.5				***		0.1	100	, ,	

Yazılan kodu çalıştırdıktan sonra yan da yer alan şekilde 2000 adet gözlem taşıyan rastgele seçilmiş bir örneklem kümemiz oluşmuş hale gelir.

⊙ veri	2000 obs. of 24 variables	
\$ id	: int 101269 150813 111186 74026 3909 126822 5150	6 427
\$ age	: int 40 50 55 60 60 50 40 30 65 40	
\$ height.cm.	: int 175 170 170 150 165 165 185 170 165 155	
\$ weight.kg.	: int 60 60 85 40 60 65 90 85 55 70	
\$ waist.cm.	: num 72 71 103.4 73 80.2	
<pre>\$ eyesight.left.</pre>	: num 1.5 0.8 1 0.8 1 1 1 1.2 0.7 1.5	
<pre>\$ eyesight.right.</pre>	: num 0.9 1 1.2 1 0.5 0.8 1.2 1.2 0.9 1.5	
<pre>\$ hearing.left.</pre>	: int 111111111	
<pre>\$ hearing.right.</pre>	: int 111111111	
<pre>\$ systolic</pre>	: int 130 94 106 130 120 125 130 134 134 104	
\$ relaxation	: int 70 59 74 82 80 81 80 94 74 62	
\$ fasting.blood.sug	gar: int 76 88 101 87 110 81 87 101 101 90	
<pre>\$ Cholesterol</pre>	: int 149 175 149 238 188 197 273 210 171 186	
<pre>\$ triglyceride</pre>	: int 80 148 91 65 37 85 214 329 147 189	
\$ HDL	: int 79 64 50 56 62 72 58 44 63 45	
\$ LDL	: int 54 80 82 170 118 108 173 91 80 104	
<pre>\$ hemoglobin</pre>	: num 15.4 14.3 15.3 13.9 15.2 16.7 15.6 16.2 13.	9 13
\$ Urine.protein	: int 111111111	
<pre>\$ serum.creatinine</pre>	: num 1.2 0.9 0.9 0.7 0.9 1.1 0.9 1 0.9 0.8	
\$ AST	: int 19 28 22 21 27 32 21 32 23 24	
\$ ALT	: int 18 17 14 14 22 36 26 60 15 24	
\$ Gtp	: int 23 14 29 17 28 77 54 99 44 47	
<pre>\$ dental.caries</pre>	: int 0000000010	
\$ smoking	: int 1010011000	
Values		
orneklem	int [1:2000] 101270 150814 111187 74027 3910 126823	5150

Böylece analizin sağlanması istenilen veri kümemizin incelemesi sağlanılacak olan Örneklemi hazır hale getirmiş bulunmaktayız.

Not:



Raporlamanın başında da belirtildiği gibi tekrar vurgulamak gerekirse örneklem kümesi oluşturduktan sonra "cvs" olarak kaydetmemizin temel sebebi projemiz anında bitmeyeceği için uygulama üzerinde kapama açma değişiklik gibi durumlarda sürekli yeni örneklem oluşturmadan mevcut yer alanla devam edebilmektir o yüzden yeniden giriş yapılınca erişim olmaması durumunda "import dataset "kısmında aynı örneklem yüklenerek devam edilir.

4.0 Verinin Analizi

4.1 Temel Analizler

```
11
12 grupped_cb_smoking <- group_by(veri, smoking)
13 grupped_cb_smoking
14
15 summarise(grupped_cb_smoking, mean(age))
16
```

Dbplyr kütüphanesinden faydalanarak verileri gruplayarak ortalama, toplam vb. birçok temel analizi gerçekleştirebilmekteyiz, örneğin yukarıda sigara içme durumuna göre sınıflandırmanın ardından sigara içen kişilerin ve içmeyen kişilerin yaş ortalamasın elde etmiş bulunmaktayız.

```
R 4.3.2 · ~/ €
> grupped_cb_smoking <- group_by(veri, smoking)</pre>
> grupped_cb_smoking
# A tibble: 200 x 24
          smoking [2]
      id age height.cm. weight.kg. waist.cm. eyesight.left. eyesight.right. hearing.left. hearing.right. systolic relaxation
                                                                                                               <int>
72
           25
                                                                   1.2
    7019
                                                     1.5
                               85
                                        89
  154280
           45
                    160
                               55
                                        68
                                                     1.5
                                                                   1.5
                                                                                                      131
                                                                                                                 75
75
                               75
   <u>20</u>730
           45
                                                                                                      123
  110818
                                                                                                                 85
72
           55
                    170
                               70
                                        85
                                                     1.5
                                                                                                      138
                               70
                                        89
  <u>109</u>128
                    160
                                                                                                      108
  64909
147026
                               55
60
                                        85
81
                                                                                                                 78
80
                    150
                                                                                                      116
                                                                                                      120
                    150
                                                     0.7
                                                                    0.1
                    170
                               80
                                        87
                                                     1.5
                                                                                                      123
10 95363
          40
smoking `mean(age)`
               44.7
       0
               42.5
```

```
Summarise_at(vars(id:smoking), mean, na.rn = IRUE)

Yanda yer

no_smoking <- filter(veri, smoking == 1)

no_smoking

Tibearu(chinu)

Yanda yer

aldığı gibi
filtreleme
yönetimi
```

aracılığı ile çeşitli verileri sıralayabilir ve kaydedebiliriz. Burada gördüğümüz örnekte "smoking "eşittir 1 olan veri kümesi çekilmiştir.

Bu gibi temel veri analizleri içeren Dbplyr kütüphanesi yardımı ile çoğaltabiliriz.

```
Console ~/R/ 
> yeni_tweet_verisi2 <- cbs_tweets %%
+ select(aday, tarih, cihaz, begenme, retweet, takipci_sayısı) %%
+ mutate(etkilesim_degeri =(begenme+retweet/2)/takipci_sayısı) %%
+ filter(aday %in% c("aksener", "demirtas", "erdogan", "ince")) %%
+ arrange(aday)
> identical(yeni_cbs_tweets, yeni_tweet_verisi2)
[1] TRUE
```

Yanda yer aldığı gibi "select, mutate, filter, arrange" bunların yanı sıra summerise, mean, gibi birçok fonksiyon ile temel analiz yapılabilir.

4.2 Creating One Scatter Plot for Each Group

4.2.1 Kullanılan Paketler

```
27
28 require(ggiraphExtra)
29 require(ggplot2)
30 require(ggiraph)
31 require(plyr)
32
```

grafikte yer alan kütüphanelerden faydalanacağız.

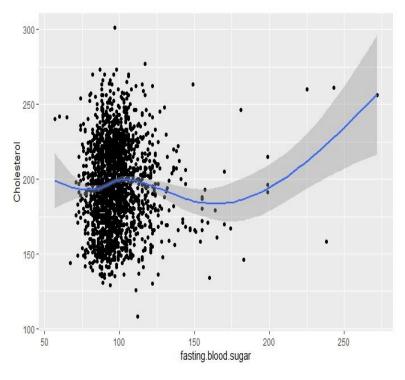
Yan taraftaki resimde yer alan Rstudio kütüphanelerinin temel kullanım amacı 2 ve 3 boyutlu grafiklerde destek ve olanak sağlamak olup oluşturacağımız çoğu

4.2.2 Grafiğin Oluşturulması

Rstudio uygulaması üzerinde one scatter grafiği oluşturma adına "ggplot" ya da "ggpoint" fonksiyonlarından faydalanmamız gerekecek.

```
32 | 33 | ggplot(veri,aes(fasting.blood.sugar,Cholesterol)) + geom_point() + geom_smooth() | 34 |
```

En temel One Scatter Plot grafiğinden başladığımızda yukarıda yer alan ggplot ya da alternatif olarak ggPoint fonksiyonu kullanılarak yanda yer alan grafiğe ulaşım sağlanılır.



- Grafiği inceleme aşamasına geldiğimizde ise Kolesterol değeri ve açlık şekeri diye de tabir edebileceğimiz iki değeri incelemiş oluyoruz.
- İncele sonucunda görüyoruz ki diğer kriterler bir kenara bırakıldığında her iki değerde de ekstrem bir değişim olmadığını ve birbirlerini de olumlu ya da olumsuz bir etkisi yer almamaktadır.

```
34

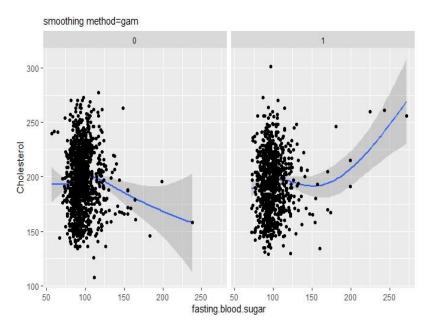
35 ggPoints(veri, aes(fasting.blood.sugar, Cholesterol)) +

36 geom_point() +

37 facet_wrap( ~ smoking)|

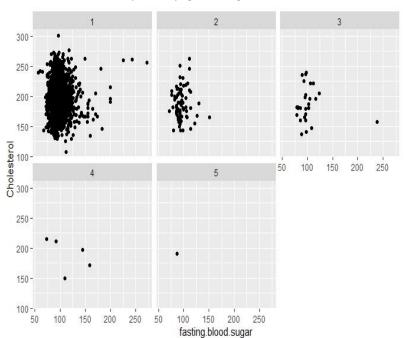
38
```

Burada yer alan kodlama aracılığı ile temel incelemesi sağlanacak olan numerik bir verinin çeşitli grafikleri üzerinden inceleme sağlanılacak olup yine aynı şekilde başta belirtilen kütüphanelerden faydalanılmıştır.



- Öncelikli olarak grafiğimize göz geçirdiğimizde x ekseninde açlık şekeri de diyebileceğimiz verilerimiz, y ekseninde ise Kolesterol verilerimiz yer almakla birlikte buradaki temel inceleme koşulumuz kişinin sigara tüketip tüketmemesi ile ilgilidir.
- Sigara tüketen bireyleri yani "1" olan bireyleri incelediğimizde oluşan grafik daha çok kolesterolün

değişkenlik gösterdiğini belirtir. Sigara tüketmeyen bireylere baktığımızda ise çok fazla bir değişkenlik olmaksızın hem kolesterol değerinin hem de açlık şekerinin belli düzeylerde sabit kaldığını görmekteyiz. Buradan sonuç olarak sigaranın bireylere kolesterol ve açlık şekeri bakımından aynı etkiyi gösterdiğini belirtmek mümkündür.



- İncelemesini sağlayacağımız bir diğer grafik ise yine aynı x ye y değerlerine istinaden insan vücudundaki bazı protein çeşitlerine etkisini inceleyeceğiz.
- İnceleme sonucunda direkt olarak ilgili protein çeşitlerinden genel olarak 1 numaralı proteinin insan vücudunda yer alması kaynaklı özellikle kolesterol bakımından farklı değerlere rahatlıkla ulaşabileceği kanısına ulaşırız

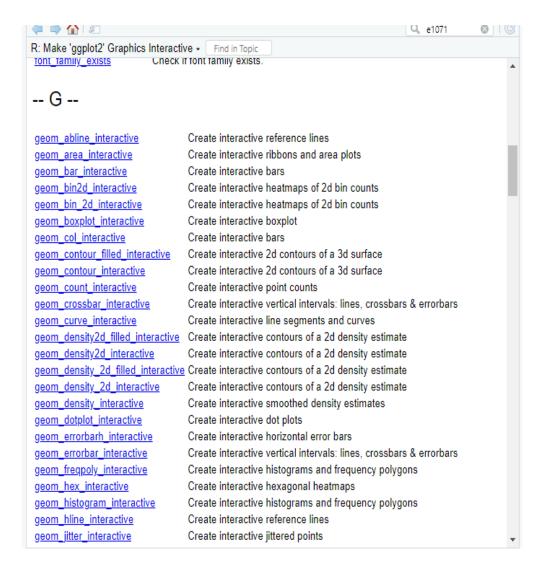
4.3 Creating One Boxplot for Each Factor Level

4.3.1 Kullanılan Paketler

```
43
44 require(ggiraphExtra)
45 require(ggplot2)
46 require(ggiraph)
47

47:1 (Top Level) $
```

 Yukarıdaki görselde de görüldüğü üzere kullanacağımız ve faydalanacağımız 3 adet kütüphane yer almakta olup aslında baktığımızda aynı kütüphanelerden bir önceki grafiğimizde de yararlandığımızı görmekteyiz.



Yukarıda görmüş olduğumuz ilgili ggiraph kütüphanesinin G harfi ile başlayan fonksiyonlarını göstermektedir. Burada bu kütüphanenin gösterilmesinin temel nedeni yapacak olduğumuz grafikte geom_ ile başlayan fonksiyondan faydalanacak olmamızın yanı sıra eğer bir kütüphane içerisinden fonksiyon bulmamız gerekiyor ise nasıl bulunacağı hakkında ufak gir gösterim olmasıdır.

4.3.2 Grafiğin Oluşturulması

```
47
48
49 ggplot(veri) +
50 aes(x = as.factor(Urine.protein), y = age) +
51 geom_boxplot() |
```

• Yukarıda yer alan "ggplot" fonksiyonu aracılığı ile grafiğe ait yer alan ve aktarım işlemlerini tamamlamış olup ardından bir önceki alanda da belirttiğimiz gibi;

Geom_boxplot ()

Fonksiyonu ile ggiraph kütüphanesinden faydalanıp grafiğimizi şekillendirmiş olduk.

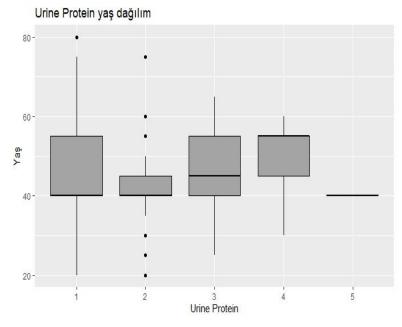
• Bunun yanı sıra ek olarak yukarıda belirtilen "labs" fonksiyonu aracılığı ile de grafiğimizin başlığı, x eksenin ismi ve y eksenin ismi gibi değişimler yapabilmekteyiz.

• Bir diğer özelliğimizde yine "geom_" fonksiyonu içerisinde yer alan "fill" ve" color" araçlarıdır. Renklendirme kısım ve aşamalarında çeşitli renk kodu ve isimleriyle görsel düzen sağlayabilmemize katkı sağlıyor.

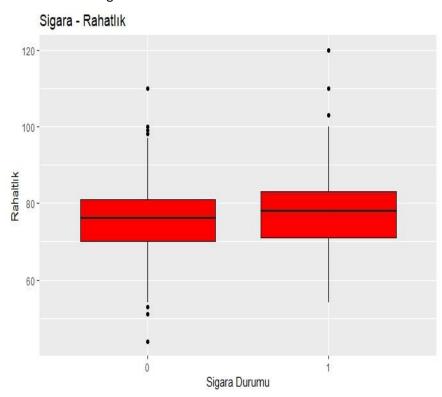
• Kaynakça

http://www.sthda.com/english/wiki/ggplot2-box-plot-quick-start-guide-r-software-and-data-visualization

4.3.3 Grafik Çıktıları ve Yorumlama



- Yukarıda kodlamalar aracılığı ile oluşturduğumuz grafik bu şekilde yer almaktadır.
- Grafiğimize genel anlamda baktığımızda Urine Protein miktarının yaş durumuna göre dağılımını baz almaktadır.
- Her beş protein türü içinde inceleme sağladığımızda geçtiğimiz grafiklerde de karşılaştığımız gibi 5 numaralı protein çeşidi az ve istisnai bir şekilde bulunuyor ve 40 yaş dolaylarında yer almaktadır.
- Diğer dört protein çeşidimizi incelediğimizde 1 ve 3 numaralı protein genelde 40-60 yaş aralığında görülmekte, 2 numaralı protein çeşidimiz ise daha çok 40 yaş arasındaki genç kesimde görülmektedir.



- İkinci bir örnek olarak sigara içme durumunun rahatlık seviyesini etkileme durumunu incelemek adına oluşturulmuştur.
- Grafiğimizi
 incelediğimizde sigara
 durumu olarak 0 =
 içmiyor,1 = içiyor
 anlamında bir kullanım
 mevcuttur.
- Grafiğimize aynı zamanda bir bütün olarak da göz gezdirdiğimizde direkt olarak aşırı

derecede bir fark yaratacak durum göze çarpmaz. Daha detaylıca kontrol edildiğinde ise sigara içmeyenlerin dağılımında birkaç ufak aykırı değer görmekle beraber daha ortalamaya yakın ve düzgün dağılmış olduğunu görmekteyiz.

 Sonuç olarak inceleme doğrultusunda sigara içip içmemenin rahatlığa çok büyük bir etken yaratmayacağını açığa kavuşturabiliriz

4.4 Creating a Histogram

4.4.1 Kullanılan Paketler

Kullanılan paketlerde herhangi bir değişim yoktur bir önceki 4.3.1 de ki paketler tamamen aynıdır.

4.4.2 Grafiklerin Oluşturulması

```
67
68
69 ggplot(veri, aes(x = age)) +
70 geom_histogram() |
71
```

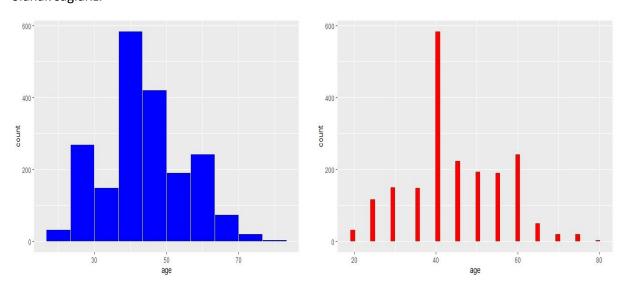
Diğer grafikler de olduğu gibi yine kullandığımız kütüphane kaynaklı "ggplot" ve "geom" fonksiyonlarını kullanmış bulunmaktayız.

```
67
68
69 ggplot(veri, aes(x = age)) +
70 geom_histogram(bins = 20)
71
72
```

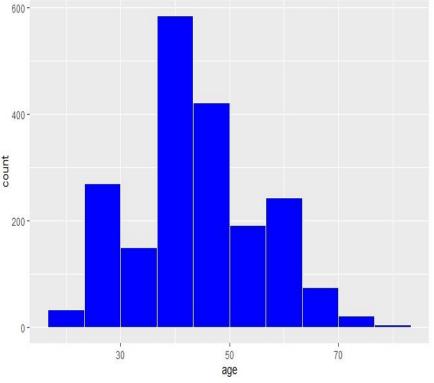
"Bins = "fonksiyonu aracılığı ile x ekseninin sayısal değerlerine düzenleme sağlanır.

```
72
73 ggplot(data = veri, aes(x = age)) +
74 geom_histogram(bins=10,color = "white", fill = "blue")
75
```

"Geom" fonksiyonu içerisinde color, fill gibi yapılarla oluşturduğumuz grafiğin renklendirilebilmesine olanak sağlarız.



4.4.3 Grafik Çıktıları ve Yorumlama



- Yanda yer alan grafiğimizde histogram üzerinde yer alan örneklemimizdeki kişilerin yaşlarının dağılımı yer almaktadır.
- Grafiğimizin dağılımını kontrol ettiğimizde daha çok orta yaş ağırlıklı dağılım olduğunu görmekteyiz.

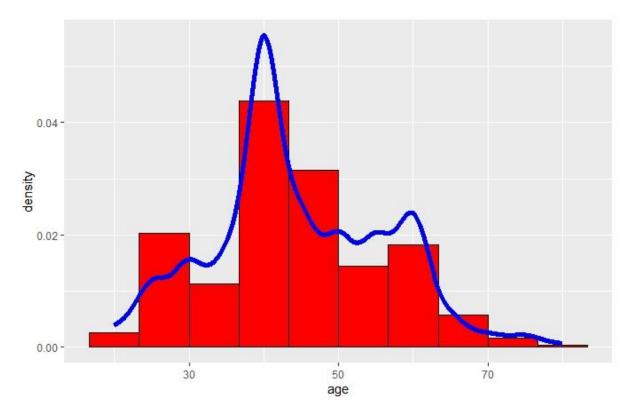
```
> mean(age)
[1] 43.625
> mode(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[1] "mean(age)
[
```

- Dağılımın çarpıklığını öğrenebilmek adına mod, medyan ve ortalama incelemesi yaparız
- Ortalama: 43.625
- Mod: 40
- Medyan: 40
- Bu sonuçlar doğrultusunda grafiğimizin sağa çarpık olduğu sonucuna ulaşabiliriz.

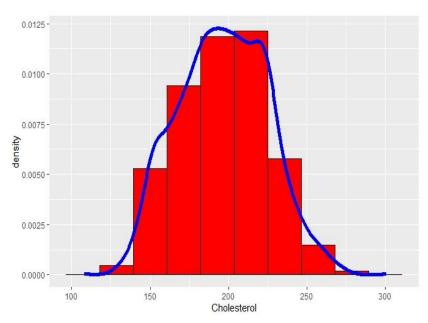
4.4.4 Adding a Density

```
ggplot(veri) +
   aes(x = age) +
   geom_histogram(aes(y = ..density..), bins = 10,color = "black", fill = "red") +
   geom_density(color = "blue", linewidth = 2)
   86
   87
```

Yukarıda yer alan kodlara ekstra olarak geom_density fonksiyonu eklenerek gerekli eklemeler yapılmakla beraber bu fonksiyonun içerisinde çizgi rengi, çizgi kalınlığı gibi ekstra eklemeler de yapılabilir.



- Yukarıda genel hatları ile verilen histogramın üzerine çizgi grafiği eklenmiştir.
- Bu oluşturulmuş olan çizgi grafiği özellikle dağılım çarpıklığı inceleme açısından daha verimli ve kullanışlı olmakla beraber bir önceki grafiğimizde mod, medyan ve ortalama hesaplamaları ile dağılımın sağa çarpık olduğunu tespit etmiştik. Şimdi oluşturduğumuz çizgi grafiği ile de sağa çarpıklık durumunu netleştirmiş bulunmaktayız.



- Farklı bir örnek de görebilmek açısından kolesterol değerlerini histogram ve çizgi grafiği incelemesine tabi tuttuğumuzda oransal ve eşit bir dağılım göze çarpmaktadır.
- Dağılım değerleri incelendiğinden;
- Ortalama :197
- Medyan: 200
- Olduğundan çok ufak da olsa bir fark ile bu dağılım sağa çarpık diyebiliriz.

NOT

```
94 install.packages("e1071")
95
```

Burada yer alan paket çağırılarak yukarıda yer alan incelemeler için çarpıklık ve basıklık katsayısı

hesaplaması sağlayabiliriz.

 Yukarıda görmüş olduğumuz hesaplama "age" yani yaş grafiğimize ait olup hesaplamalar doğrultusunda skewness> 0 olduğundan yukarıda yapmış olduğumuz sağa çarpık sonucumuzu kanıtlamış oluruz.

```
> skewness(Cholesterol,na.rm = FALSE, type = 3)
[1] 0.04549845
> kurtosis(Cholesterol, na.rm = FALSE, type = 3)
[1] -0.4868795
> |
```

- Aynı işlemi kolesterol grafiğimizi de kanıtlamak adına uygulayabilmekteyiz.
- Yukarıda görüldüğü üzere hesaplamalarımız doğrultusunda kolesterol grafiğmizinde yaş grafiğinde olduğu gibi sağa çarpık olduğunu kanıtlamış ve göstermiş oluruz.
- Sonuç olarak gördüğümüz gibi grafik üzerinden hesaplarken basit yollardan mod ,medyan ve ortalama gibi alanlar değerler kullanırken, aynı zamanda farklı kütüphanelerden daha kısa yollarla hesaplamalarımızda gerçekleştirebilmekteyiz.

5.0 Changing the Type, Width, or Color of a Line

5.1 Line Type

- Kullandığımız veri veya oluşturduğumuz grafikler üzerinde değiştirmek isteyeceğimiz birçok şey bulunabilir. Bunlardan birisi de çizgi şekli veya stili adını verdiğimiz kısımdır.
- Öncellikle olarak direkt uygulama kütüphanesi kaynaklı kullanabileceğimiz örnek stillere yer vereceğiz.

ggplot uses the linetype parameter for controlling the appearance of lines:

```
• linetype="solid" Or linetype=1 (default)
```

```
• linetype="dashed" Or linetype=2
```

- linetype="dotted" Or linetype=3
- linetype="dotdash" Or linetype=4
- linetype="longdash" Or linetype=5
- linetype="twodash" Or linetype=6
- linetype="blank" Or linetype=0 (inhibits drawing)

```
107

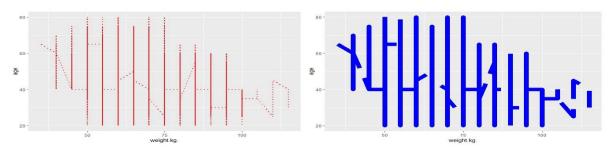
108 ggplot(veri, aes(weight.kg., age)) +

109 geom_line(linetype = 5,

110 size = 4,

111 col = "blue")_
```

 "geom_line" fonksiyonu içerisinde yukarıda ki resimde yer alan seçenekler üzerinden seçim yapıp aynı zamanda size, col gibi fonksiyonlarla da çeşitli boyut ve renklendirme işlemleri sağlayabiliriz.

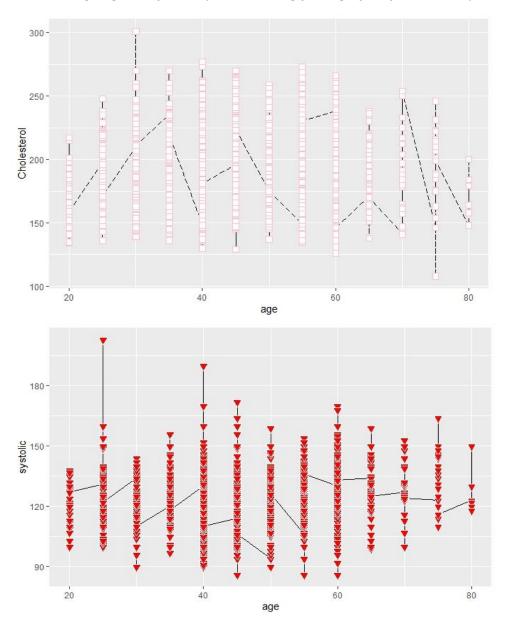


5.2 Change width and color

 Bir önceki 5.1 de gördüğümüz kısımda aynı zamanda çizgimizin boyut ve rengini de değiştirebildiğimizi görmüş olmakla beraber bu madde içerisinde ekstradan farklı yollarda boyut ve renk değiştirme işlemleri yapılacaktır.

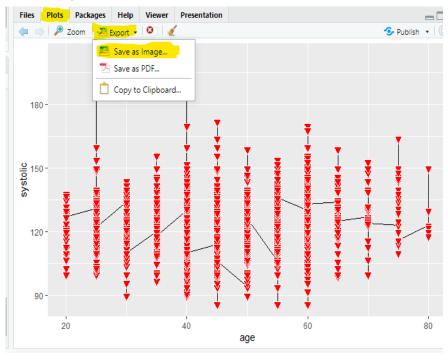
```
ggplot(veri,aes(x=age, y = Cholesterol)) +
geom_line(linetype = 5) +
geom_point(shape = 22, size = 3, fill = "white",color = "pink")
117
```

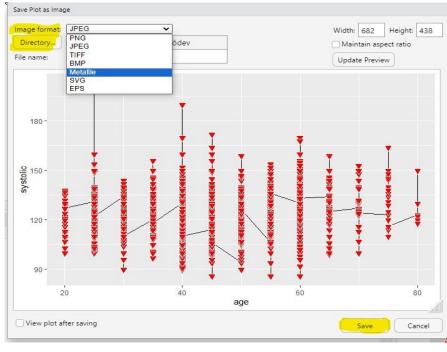
• Yer alan kodlamada da görüleceği üzeri Dbplyt kütüphanesi ve ggiraph kütüphanesi aracılığı ile geom_line, geom_point fonksiyonları aracılığı ile kolay bir şekilde oluşturulan grafiğimizin şekil, boyut ve renk değişimini gerçekleştirebilmekteyiz.



6.0 Writing Your Plot to a File

6.1 Uygulamadan Yazdırma





- İlk seçeneğimiz direkt olarak Rstudio uygulaması içerisindeki plots konsolu üzerinden ilerlemektir.
- Sırasıyla resimde de belirtildiği şekilde Export ve Save as Image seçenekleri takip etmemiz gerekmektedir.
- Ardından ise gelen ekran üzerinde önemli olan kısımlar özellikle sarı renk içerisine alınmış olup resmin formatı, kaydetmek istediğiniz dosya gibi alanlar seçerek ilerleyip sağ altta yer alan save seçeneği ile kaydetme işlemi başarılı bir şekilde gerçekleştirilir.

6.2 Kod ile Yazdırma

 Kod aracılığı ile yazdırma işleminde birçok şekil ve birçok kütüphane yer alabilir. Bunlardan birkaç örnek gösterimi sağlanılacak olup şu an gösterimi sağlanacak olan en temel kütüphane grafikte de faydalanmış olduğumuz ggiraph ve ggplot, ggplot2 kütüphanesinde yer alan "gg" fonksiyonu olacaktır.

```
119

120 ggsave("gg.jpg", plot = gg, units = "in", width = 5, height = 4)

121

122
```

• Ekran görüntüsünde de gördüğümüz üzere "ggsave" fonksiyonu aracılığı ile boyutu, kayıt türünü vb. bilgiler aracılığı ile grafiğimizi bilgisayarımıza kaydedebilmekteyiz.

Kaynakça

- https://rc2e.com/ (R Cookbook, 2nd Edition)
- http://www.sthda.com/english/wiki/ggplot2-box-plot-quick-start-guide-r-software-and-data-visualization
- https://cran.r-project.org/web/packages/dplyr/vignettes/dplyr.html
- https://medium.com/@darnelbolaos/interactive-line-plot-with-ggplot-and-ggiraph-in-r-606d655a1547

•