

S1 Table: Feature importance in principal component analysis. Listed are the top 10 genes that contribute the most to the indicated dataset and principal component.

	PC1	PC2
mRNA	<i>ompF</i>	<i>glpD</i>
	<i>lpp</i>	<i>glpX</i>
	<i>yfiA</i>	<i>garP</i>
	<i>ompA</i>	<i>glpT</i>
	<i>lpxC</i>	<i>glpF</i>
	<i>cspA</i>	<i>glpA</i>
	<i>ychH</i>	<i>menD</i>
	<i>fadE</i>	<i>ygfA</i>
	<i>icdA</i>	<i>mdlA</i>
	<i>tufA</i>	<i>nanA</i>
Protein	<i>groEL</i>	<i>mgIA</i>
	<i>tufA</i>	<i>glpD</i>
	<i>gapA</i>	<i>ydcS</i>
	<i>fusA</i>	<i>fadA</i>
	<i>dnaK</i>	<i>glpQ</i>
	<i>metE</i>	<i>fadE</i>
	<i>rpoC</i>	<i>fadB</i>
	<i>rpoB</i>	<i>cspA</i>
	<i>cysK</i>	<i>araF</i>
	<i>eno</i>	<i>acs</i>