# Εργασία Εξαμήνου:

# «Ανάλυση και Διαχείριση Μεγάλων και Πολυδιάστατων Δεδομένων 2023-2024»

Ιωάννης Τσάμπρας ΣΜΗΝ 1066584

#### Δομή Εργασίας:

- 1. Προεπεξεργασία Clinical
  - a. Αριθμιτικοποίηση
  - b. Καθαρισμός
  - c. Μέθοδοι Συμπλήρωσης Κενών
- 2. Κατηγοριοποίηση Clinical
  - a. Μέθδοι
  - b. Αποτελέσματα
- 3. Προεπεξεργασία Beacons
  - κανονικοποίηση
  - b. Εξαγωγή Χαρακτηριστηκών
- 4. Συνδιασμός Clinical και Beacons Features
- 5. Συσταδοποίηση τελικού Dataset
  - a. Συσταδοποίηση
  - b. PCA
  - c. Αποτελέσματα

# 1. Προεπεξεργασία Clinical

## a. Αριθμιτικοποίηση

Αρχικά φορτώνουμε το .csv αρχείο στη μνήμη ως δισιδιάστατό array. Παρατήρησα πως το αρχείο που μας δώθηκε χρησιμοποιούσε encoding "utf-8-sig». Ύστερα πραγματοποιούμε έλεγχο δομής (αν όλες οι γραμμές έχουν ίδιο αριθμό στηλών) και ξεχωρίζουμε header από body.

```
def load_to_memory(original_file_path):
    # Initialize an empty list to store the data
   data_2d_list = []
    # Open the CSV file
    with open(original_file_path, 'r', encoding="utf-8-sig", newline='') as csvfile:
       # Create a CSV reader object
       csv_reader = csv.reader(csvfile,delimiter=";")
       # Iterate over each row in the CSV file
       for row in csv_reader:
           # Append each row to the 2D list
          data_2d_list.append(row)
    return data_2d_list # Return the resulting 2D list representing the dataset
original file path = 'Project Desc/clinical dataset.csv'
#original_file_path = 'tasks/Part_A/task_1/test.csv
dataset=load_to_memory(original_file_path=original_file_path)
#print(dataset[1][0])
header=dataset[0]
entries=dataset[1:]
###
### Diagnostics
structure_test_result=check_csv_structure(header=header,entries=entries)
if (structure_test_result!=True):
  print(structure_test_result)
###
```

Η πρώτη μας σημαντική δοκιμασία είναι η αριθμιτικοποίηση των δεδομένων. Για αυτό τον σκοπό δημιουργούμε μια δομή πίνακα από «set», ένα για κάθε στήλη, και ελέγχοντας κάθε γραμμή προσθέτουμε τις τιμές του κάθε κελιού στο set της αντίστοιχης στήλης.

Αφού προσπελάσουμε όλο το dataset έχουμε για κάθε πεδίο το σχετικό σύνολο τιμών.

Έχοντας τα σύνολα τιμών διερευνούμε ποιά πεδία είναι αριθμητικά και ποιά όχι καθώς απαιτούν διαφορετική προεπεξεργασία. Εδώ είναι σημαντικό να πούμε πως αγνοούμε κενούς χαρακτήρες, οπότε αριθμητικές στήλες με κενά δεν θεωρούνται μη αριθμητικές.

```
#find which fields are non numerical
non_num_fields=[]
for i,range_of_field in enumerate(sets):
    if has_non_digit_elements(range_of_field):
        #print(header[i],range_of_field)
        #print(i,header[i])
        non_num_fields.append(i) #list of indexes corresponding to columns
```

Αφού εκτυπώσουμε τα μη αριθμητικά πεδία και τα σύνολα τιμών τους κατασκευάζουμε με το χέρι το παρακάτω λεξικό που αντιστοιχεί κάθε πιθανή σωστή είσοδο στην αντίστοιχη αριθμιτική τιμή της.

```
nom_dicts=[ #list indexes correspond to columns
   {"Frail":2,"Non frail":0,"Pre-frail":1},
   {"M":-1,"F":+1},
   {"No":0,"Yes":1},
   {'Sees well':0, 'Sees moderately':1, 'Sees poorly':2},
   {'Hears poorly':2, 'Hears well':0, 'Hears moderately':1},
   {"No":0,"Yes":1},
   {'<5 sec':0,'>5 sec':1},
   {'FALSE':0, 'TRUE':1},
   {"No":0,"Yes":1},
   {"No":0,"Yes":1},
   {"No":0,"Yes":1},
   {"No":0,"Yes":1},
   {'Permanent sleep problem':2, 'Occasional sleep problem':1, 'No sleep problem':0},
   {"No":0,"Yes":1},
   {"No":0,"Yes":1},
   {"No":0,"Yes":1},
   {"No":0,"Yes":1},
   {'2 - Bad':1, '4 - Good':3, '5 - Excellent':4, '3 - Medium':2, '1 - Very bad':0},
   {'2 - A little worse':1, '3 - About the same':2, '4 - A little better':3, '5 - A lot better':4, '1 - A lot worse':0},
   {'No':0, '< 2 h per week':1, '> 5 h per week':3, '> 2 h and < 5 h per week':2},
   {'Never smoked':0, 'Current smoker':2, 'Past smoker (stopped at least 6 months)':1},
```

Ύστερα προσπελνούμε το dataset εφαρμόζοντας το λεξικό για την αριθμητικοποίηση, όσες τιμές δεν συναύδουν με το πεδίο ορισμού του λεξικού (π.χ. κενά κελιά) αντικαθίστονται με "None".

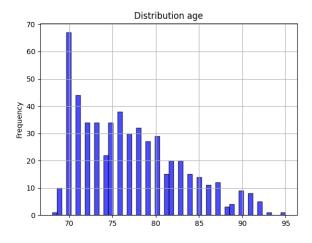
#### b. Καθαρισμός

Για τις αριθμητικές στήλες πρέπει να προχωρήσουμε σε καθαρισμό λανθασμένων τιμών, τις σκέτες κενές εισόδους τις αντικαθιστούμε με None. Κατά τη γνώμη μου είναι λάθος να διαγράψουμε εντελώς όλες τις «999» εγγραφές καθώς σε πολλά πεδία το «999» μπορεί να χρησημοποιείται από τους ερευνητές για να δηλώσουν «άπειρο» χρόνο.

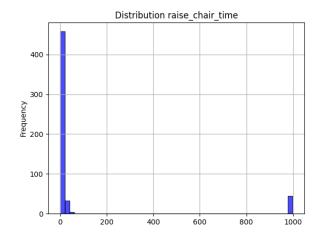
Π.χ. στην μέτρηση χρόνου σηκώματος, το 999 χρησημοποιείται αρκετά συχνά για να είναι απλό λάθος και μάλλον υποδεικνύει αδυναμία ολοκλήρωσης του τέστ (ο συμμετέχον μπορεί να μην μπορεί να σηκωθεί από το κρεββάτι). Αυτή η πληροφορία δεν πρέπει να χαθεί οπότε αντί της πλήρης διαγραφής της τιμής την αντικαθιστώ με ένα ανώτατο όριο που προκύπτει από τις υπόλοιπες μη «ακραίες» εγγραφές.

Για να αποκτήσουμε intuition για τα δεδομένα μας πριν προχωρήσουμε σε αλλαγές εκτελούμε γραφικές αναπαραστάσεις των κατανομών κάθε αριθμητικού πεδίου και ελέγχουμε για ακραίες τιμές (όχι μόνο τις «999») ενώ ταυτόχρονα με βάση τον αριθμό εμφάνισης εγγραφών «999» και την κατανομή των δεδομένων αποφασίζουμε τη διαγραφή ή εφαρμογή ανώτατου ορίου.

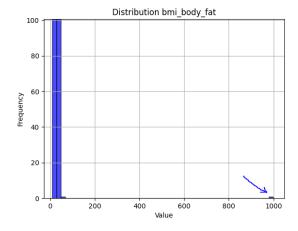
## Μερικές από τις κατανομές φαίνονται παρακάτω:



Παράδειγμα Καλής Κατανομής



Παράδειγμα Προβληματικής Κατανομής με Σημασιολογικής Βαρύτητας Λάθη



Παράδειγμα Προβληματικής Κατανομής με Καθαρά Λάθη

Για τον καθαρισμό ή την εφαρμογή ορίου στις αριθμητικές κατανομές κατασκευάστηκε η παρακάτω λίστα κανόνων όπου :

- None -> Καμία Αλλαγή
- '<T' -> Διαγραφή όσων κελιών είναι μεγαλύτερα του Τ
- '>T' -> Διαγραφή όσων κελιών είναι μικρότερα του Τ
- 'x<T' -> Αλλαγή όσων κελιών είναι μεγαλύτερα του Τ σε Τ
- 'x>T' -> Αλλαγή όσων κελιών είναι μικρότερα του T σε T

```
# from visualy inspecting the distributions plotted we establish the following thresholds and commen
# the added "x" in front indicates that we will be capping the values because although outliers they
thresholds=[
    None,
    None,
    None, ###but there are propably real but extreme outliers, maybe need to add log scale
    "x<15", ### maybe 999 represents living in hospital, 2 entries
    "x<55", ###maybe the 999 represents inability to lift, 40+ entries are not mistakes
    "x<65", ###maybe the 999 represents inability to get up, ~9 entries
    "x<50", ###maybe the 999 represents inability to run, ~6 entries
    "x<7", ###the 999 is propably just a mistake or inability to move in general, ~3 entries
    "<5", ###the 999 is propably just wrong/ clearly eronius
     "<45", ###the ~900 entry is physically impossible so clearly eronius
    "<65", ###the 999 entry is clearly eronius
    None, ###there is one outlier but it is propably real
    ">10", ###the ~ -400 entry is clearly eronius
    None,
    None,
    None.
    None,
    None,
    None.
     "<35", ###don't know how to interpet those, propably eronius but 4 entries
    "<200", ###don't know how to interpet those, propably eronius 2 entries
    "x<200", ###maybe not eronius , it may signify something 10+ entries. there are also outliers
    "x<200", ###maybe not eronius , it may signify something 10+ entries. there are also outliers
    None,
    None,
    None.
    "x<65", ###maybe grandad is alcoholic
    None,
    None,
    None,
    None,
    None
```

#### Ύστερα προχωρούμε σε εφαρμογή των κανόνων μας.

```
#cap or remove weird values and keep the rest as they are
def clean_eronius_values(thresholds,non_num_fields,old_entries):
   new_entries=[]
    #print(len(old_entries[0]))
    for entry in old_entries:
       new_entries.append([])
       thres index=-1
        for i,field in enumerate(entry):
           if i not in non_num_fields:
                thres index+=1
                threshold=thresholds[thres_index]
                  test=float(field)
                except:
                   new_entries[-1].append(None) #if non numerical value then set it to None and pass
                   continue
                if threshold!= None:
                   if "x" in threshold:
                       threshold=threshold.replace("x","")
                        #mode="cap"
                        if "<" in threshold:
                           threshold=float(threshold.replace("<",""))</pre>
                            new_entries[-1].append(min(float(field),threshold))
                            threshold=float(threshold.replace(">",""))
                            new_entries[-1].append(max(float(field),threshold))
                        #mode="remove"
if "<" in threshold:</pre>
                            threshold=float(threshold.replace("<",""))</pre>
                            new_entries[-1].append(float(field) if float(field)<threshold else threshold)</pre>
                            threshold=float(threshold.replace(">",""))
                            new_entries[-1].append(float(field) if float(field)>threshold else threshold)
                else:
                   new_entries[-1].append(field) #if clearing is not needed just add old value
            new_entries[-1].append(field) #if clearing is not needed just add old value
    return new entries
new_entries=clean_eronius_values(thresholds,non_num_fields,new_entries)
### entries cleaned and nominalised, filling empty spots is all it is left
```

#### Και τέλος σώζουμε το καθαρισμένο και αριθμητικοποιημένο μας dataset σε νέο csv.

## κενώνκενών

Στα πλαίσια της εργασίας αξιοποιήθηκαν **δύο μέθοδοι για την συμπλήρωση** των κενών οι οποίοι συγκρίνονται και κατά την κατηγοριοποίηση.

Ο πρώτος είναι η πιο naive προσσέγγιση όπου γεμίζουμε κάθε κελί με την **μέση τιμή** της στήλης. Τα αποτελέσματα αυτής της μεθόδου βρίσκονται στο "cleanedANDfilled2.csv".

Ο δεύτερος τρόπος **είναι η εκπαίδευση N feedforward νευρωνικών δικτύων**, όπου N το πλήθως των στηλών με έστω και μια κενή εγγραφή, για την **πρόβλεψη των κενών τιμών** με βάση τα περιεχόμενα της γραμμής.

Η εκπαίεδευση των νευρωνικών δικτύων γίνεται πάνω στις γραμμές που δεν έχουν κανένα κενό εξαρχής (περίπου οι μισές εγγραφές) και αν μια εγγραφή έχει πάνω από μία κενή τιμή τότε οι κενές τιμές της συμπληρώνονται πρώτα με βάση την μέθοδο μέσων τιμών και μετά εφαρμόζονται τα νευρωνικά για την διόρθωση των τιμών της.

Η εκπαίδευση για κάθε νευρωνικό γίνεται μία φορά και αποθηκεύεται στη μνήμη σε περίπτωση που προκύψει πάλι κενό ίδιας στήλης.

```
import numpy as np
import tensorflow as tf
from sklearn.model selection import train test split
from sklearn.preprocessing import StandardScaler
def train_neural_network(dataset, target_column_index, epochs=2000, batch_size=64):
    features = np.array([row[:target_column_index] + row[target_column_index+1:] for row in dataset])
    target = np.array([row[target_column_index] for row in dataset])
    # Split the dataset into training and testing sets
    features_train, features_test, target_train, target_test = train_test_split(features, target, test size=0.2, random state=42)
    # Standardize the features
     features_train_scaled = scaler.fit_transform(features_train)
    features_test_scaled = scaler.transform(features_test)
    # Build a simple neural network model
    model = tf.keras.Sequential([
       tf.keras.layers.Dense(8192, activation='relu', input_shape=(features_train_scaled.shape[1],)),
        tf.keras.layers.Dense(1)
    model.compile(optimizer='adam', loss='mean_squared_error')
    # Train the model
    model.fit(features train scaled, target train, epochs=epochs, batch size=batch size, validation split=0.2, verbose=0)
    loss = model.evaluate(features_test_scaled, target_test, verbose=0)
    print(f'Test Loss: {loss}')
    return model, scaler
```

```
def predict_cell_value(model, scaler, row, target_column_index):
        # Extract features for prediction
        features = np.array(row[:target_column_index] + row[target_column_index+1:])
       # Standardize the features using the same scaler used during training
       features_scaled = scaler.transform([features])
       # Make the prediction
       prediction = model.predict(features scaled)[0][0]
       if target_column_index in non_num_fields:
            return int(prediction)
        return prediction
def fix_rows(rows):
        fixed_rows=[]
        from collections import defaultdict
       models = defaultdict(lambda: None)
        for i,row in enumerate(rows):
               print("Fixing row ",i)
               \#my\_row = [1008, 2, 1, 74, 10, 11.0, 0, 1, 1, 1, 1, 55.0, None, 46.0, 15.0, 0, 1, 1, 1, 3.0, 0.0, 33.95555556, 32.7, 103, 51.4172, 11, 17, 0, 0, 25, 5, 3.6, 0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 10.0, 
               none_indices = [index for index, value in enumerate(row) if value is None] #get indexes where cell is empty
                for index_i in none_indices: #we fill empty values with avg
                     semi_fixed_row[index_i]=avg_values[index_i]
                for index_i in none_indices:
                      prediction_column_index=index_i
                        if models[index_i]==None:
                              print(f"model for column {index_i} is being created")
                               trained_model, scaler = train_neural_network(full_entries, target_column_index=prediction_column_index)
                                models[index_i]=[trained_model,scaler]
                        else:
                        print(f"model for column {index_i} is cached")
                       # Now, you can use the trained model and scaler to make predictions:
                       trained_model,scaler=models[index_i]
                        predicted_value = predict_cell_value(trained_model, scaler, semi_fixed_row, target_column_index=prediction_column_index)
                       semi_fixed_row[index_i]=predicted_value
                fixed_row=semi_fixed_row.copy()
                fixed_rows.append(fixed_row)
                    #print(f'Predicted value: {predicted_value}, Ground Truth: {my_row[prediction_column_index]}')
fixed=fix_rows(problematic_entries)
#for i in fixed:
     #print(i)
final_dataset=fixed+full_entries
final dataset.sort(key=lambda x: float(x[0]))
```

Οι υπερπαράμετροι του νευρωνικού δικτύου και της εκπαίδευσής του αποκτήθηκαν με βάση πειραμματισμό. Οι στήλες με ακέραιες τιμές στρογγυλοπούνται στην κοντινότερη, της πρόβλεψης, ακέραια τιμή.

Όπως φαίνεται στην παρακάτω φωτογραφία το πρόγραμμα κάνει cache τα μοντέλα για επαναχρησιμοποίηση σε μετεγενέστερες εγγραφές.

```
Test Loss: 0.23286639153957367

1/1 [------] - 0s 60ms/step
Fixing row 1
model for column 12 is cached

1/1 [------] - 0s 17ms/step
model for column 16 is being created
Test Loss: 0.08290605247020721

1/1 [------] - 0s 36ms/step
model for column 22 is being created
Test Loss: 33.13172912597656

1/1 [-------] - 0s 39ms/step
model for column 24 is being created
```

Μέρος της εκτέλσης του complete.py

Τέλος το «γεμισμένο» dataset σώζεται στο αρχείο "cleanedANDfilled.csv".

# 2. Κατηγοριοποίση Clinical

#### a. Μέθοδοι

Για την κατηγοριοποίηση των ασθενών αξιοποιήθηκαν δύο μέθοδοι:

- KNN
- Feed Forward NN

Για το validation accuracy του νευρωνικού δικτύου εκτελέστηκαν 16 προπονήσεις και κρατήσαμε τον μέσο όρο. Επιπλέον τα αποτελέσματα συγκρίνονται και με τα δύο dataset "cleanedANDfilled.csv" και "cleanedANDfilled2.csv" που παρήχθησαν από τις δύο μεθόδους συμπλήρωσης κενών.

Λόγω της αδυναμίας μου να αξιοποιήσω GPU κατά την εκπαίδευση εφάρμοσα παράλληλη εκτέλση των πολλαπλών προπονήσεων (για την απόκτηση μέσου όρου για τα validation accuracy) σε CPU.

Parallel Training

```
#now lets use a simple feed forward neural network
def model_eval():
   import numpy as np
   import tensorflow as tf
   #tf.compat.v1.logging.set_verbosity(tf.compat.v1.logging.ERROR)
   from sklearn.model selection import train test split
   from sklearn.preprocessing import LabelEncoder
   from tensorflow.keras.utils import to_categorical
   import matplotlib.pyplot as plt
 # Assuming 'dataset' is your 2D list and 'desired_outputs' is your 1D list
   # X is your feature matrix, and y is your target variable
   features = classifier_input
   labels = classifier_output
   # Convert your data to NumPy arrays
   features = np.array(features)
   labels = np.array(labels)
   # Encode labels to integers
   label_encoder = LabelEncoder()
   encoded_labels = label_encoder.fit_transform(labels)
   # Convert integers to one-hot encoding
   one_hot_labels = to_categorical(encoded_labels, num_classes=3)
   # Split the data into training and testing sets
   X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(features, one_hot_labels, test_size=0.1, random_state=42)
   # Build a simple neural network model using TensorFlow for multi-class classification
   model = tf.keras.Sequential([
       tf.keras.layers.Dense(1024, activation='relu', input_shape=(X_train.shape[1],)),
       tf.keras.layers.Dense(128, activation='relu'),
        tf.keras.layers.Dense(3, activation='softmax') # Output layer with softmax for multi-class classification
   # Compile the model
   custom_optimizer = tf.keras.optimizers.Adam(learning_rate=0.0001)
   model.compile(optimizer=custom optimizer, loss='categorical crossentropy', metrics=['accuracy'])
   # Store the training history
   history = model.fit(X_train, y_train, epochs=2000, batch_size=64, validation_data=(X_test, y_test),verbose=0)
   # Evaluate the model on the test set
   loss, accuracy = model.evaluate(X_test, y_test)
   print(f'Test Loss: {loss}')
   print(f'Test Accuracy: {accuracy}')
   return accuracy
import concurrent.futures
```

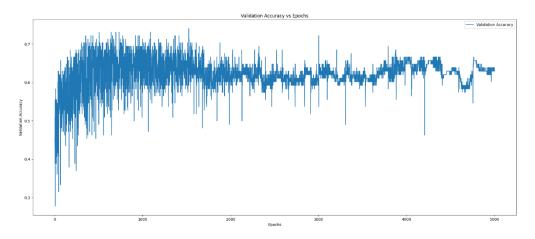
Για την εκπαίδευση αφαιρέθηκαν οι στήλες «0,1, 9, 10, 16, 17, 18» του dataset.

```
excluded_columns = [0,1, 9, 10, 16, 17, 18]
classifier_input=[]
classifier_output=[]
for entry in dataset[1:]:#exclude the header
   #print(entry)
   classifier_input.append([])
   for i,column in enumerate(entry):
      if i not in excluded_columns:
          classifier_input[-1].append(float(column))
    classifier_output.append(float(entry[1]))
from sklearn.neighbors import KNeighborsClassifier
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.metrics import accuracy score
# Assuming 'dataset' is your 2D list and 'desired_outputs' is your 1D list
# X is your feature matrix, and y is your target variable
X = classifier input
y = classifier_output
# Split the dataset into training and testing sets
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X, y, test_size=0.1, random_state=42)
acc=[]
for i in range(1,40):
    # Initialize the KNN classifier
   knn_classifier = KNeighborsClassifier(n_neighbors=i) # You can adjust the number of neighbors (k) as needed
   # Train the classifier on the training data
   knn_classifier.fit(X_train, y_train)
   # Make predictions on the test set
   predictions = knn_classifier.predict(X_test)
   # Evaluate the accuracy of the classifier
   accuracy = accuracy_score(y_test, predictions)
   acc.append(accuracy)
   #print(f'Accuracy: {accuracy * 100:.2f}% for {i} nearest neighboors')
print(sum(acc)/len(acc))
print(max(acc))
```

#### **KNN**

Για τους παράμετρους του νευρωνικού έγιναν πολλαπλές δοκιμές και κατέληξα σε:

- 3 layers (1024,128,3)
- Learning rate 0.0001
- 2000 epochs
- Batchsize 64



Validation Accuracy through Epochs

#### b. Αποτελέσματα

Για τον KNN τα αποτελέσμτα δεν αλλάζουν, με βάση το dataset, με μέγιστο accuracy 0.66 και μέσο 0.59 για τους πρώτους 40 γείτονες.

Για το νευρωνικό δίκτυο πραγματοποιήθηκαν αρχικά 8 και ύστερα επιπλέον 16 trainings με κάθε dataset και από αυτά προέκυψαν οι παρακάτω validation accuracies:

```
#in the 8 runs
#with predictor dataset 0.63888888955116272
#with simple averages 0.6296296268701553

#in the 16 runs
#with predictor dataset 0.6435185223817825
#with simple averages 0.6238425895571709
```

Όπου φαίνεται η αύξηση της ακρίβειας (κατά 2%) με τη χρήση του dataset όπου οι τιμές συμπληρώθηκαν με τη χρήση νευρωνικού δικτύου έναντι απλών μέσω τιμών.

# 3. Προεπεξεργασία Beacons

## a. Κανονικοποίηση

Αρχικά καθαρίζουμε τις εγγραφές από μη προβλεπόμενα IDs και ύστερα συλλέγουμε όλες τις διαφορετικές ονομασίες δωματίων.

```
### removing faulty lines
clean_entries=[]
for row in entries:
   if is_4digit_number(row[0]) and row[-1]!='':
   clean_entries.append(row)
   else:
       #print(row[0])
#print(len(clean_entries))
#print(len(entries))
participants={}
room_names=set()
for entry in clean_entries:
   participants[entry[0]].append(entry.copy())
   except:
      participants[entry[0]]=[]
     participants[entry[0]].append(entry.copy())
   room_names.add(entry[-1])
```

Ύστερα χειροκίνητα κατασκευάζουμε ένα λεξικό αντιστοίχησης όλων των διαφορετικών ονομασιών με τις πραγματικές ονομασίες που επιλέξαμε οι οποίες είναι 8:

- Bathroom
- Bedroom
- Diningroom
- Hall
- Kitchen
- Livingroom
- Office
- Outdoor

#### Το λεξικό φαίνεται στην παρακάτω εικόνα:

```
'Veranda':'Outdoor',
 'Kithen':'Kitchen',
'three':'Bathroom',
'bedroom':'Bedroom',
'2ndRoom':'Bedroom',
'LuvingRoom':'Livingroom',
'LivibgRoom':'Livingroom',
'Pantry':'Kitchen',
'Officelst':'Office',
'LeavingRoom':'Livingroom',
'Office-2':'Office',
'livingroom':'Livingroom',
'SittingRoom':'Livingroom',
'SittingRoom':'Livingroom',
'SittingRoom':'Livingroom',
'SittingRoom':'Livingroom',
'SittingRoom':'Livingroom',
'Four':'Outdoor',
'SeatingRoom':'Livingroom',
'KittingRoom':'Bathroom',
'Bedroom-1':'Bedroom',
'Dinerroom':'Diningroom',
'LaundryRoom':'Bathroom',
'Kitchen':'Kitchen'
                                                                                       'SeatingRoom':'Livingroom',
                                                                                        'Luvingroom1':'Livingroom',
   'Four': 'Outdoor',
   'Kitcheb': 'Kitchen',
```

Ύστερα αλλάζουμε με τη χρήση του λεξικού τις εγγραφές με τα σωστά ονόματα δωματίων ενώ ταυτόχρονα συμπτύσουμε τις στήλες ημερομηνίας και ώρας και τις μετατρέπουμε σε UNIX time για να σιευκολύνουμε την επεξεργασία τους αργότερα.

```
#### fix
participants={}
room_names=set()
for entry_unfixed in clean_entries:
   entry=[0,0,0]
    entry[0]=entry_unfixed[0] ### leave id as is
   datetime_string=entry_unfixed[1]+entry_unfixed[2].replace(":","") ### replace date and time fields to one unix time
   # Convert the string to a datetime object
   dt_object = datetime.strptime(datetime_string, "%Y%m%d%H%M%S")
   # Get the Unix time (timestamp)
   unix_time = int(dt_object.timestamp())
   entry[1]=unix_time
   entry[-1]=fix_dict[entry_unfixed[-1]] ### fix room names
   participants[entry[0]].append(entry.copy())
      participants[entry[0]]=[]
      participants[entry[0]].append(entry.copy())
    room_names.add(entry[-1])
print(room_names) ### ceck new room name set
```

Έπειτα κάνουμε sort με βάση το datetime και το participant ID και αποθηκεύουμε το αποτέλεσμα.

```
for participant in sorted(list(participants.keys())):
   participants[participant].sort(key=lambda x: x[1]) ### sort entries for each partiucipant based on time
### save to csv
data=[]
header=["part_id","unix_timestamp","room"]
for participant in sorted(list(participants.keys())):
   for entry in participants[participant]:
   data.append(entry)
def save_csv(header, data, filename):
   with open(filename, 'w', newline='') as csvfile:
       csv_writer = csv.writer(csvfile)
       # Write the header
       csv_writer.writerow(header)
       # Write the data, replacing None with an empty string
       for row in data:
           csv_writer.writerow(['' if cell is None else cell for cell in row])
save_csv(header=header,data=data,filename="tasks/Part_B/fixed.csv")
```

## b. Εξαγωγή Χαρακτηριστηκών

Για τον υπολογισμό των χρόνων διαμονής σε κάθε δωμάτιο ορίζουμε τις 3 παρακάτω συναρτήσεις γαι να μας διευκολύνουν στις περιπτώσης αλλαγής ημέρας μεταξύ δύο εγγραφών σύμφωνα με τις οδηγίες που μας δώθηκαν.

```
#func to check if it's a new day
def has day changed(timestamp1, timestamp2): #
   # Convert Unix timestamps to datetime objects
   date1 = datetime.utcfromtimestamp(timestamp1).date()
   date2 = datetime.utcfromtimestamp(timestamp2).date()
   # Compare the day components
   return date1 != date2
def seconds until midnight(unix timestamp):
   # Convert Unix timestamp to datetime object
   dt = datetime.utcfromtimestamp(unix_timestamp)
   # Calculate midnight of the next day
   midnight = datetime(dt.year, dt.month, dt.day) + timedelta(days=1)
   # Calculate the time difference in seconds
    seconds_remaining = (midnight - dt).total_seconds()
   return int(seconds_remaining)
def seconds_from_start_of_day(unix_timestamp):
   # Convert Unix timestamp to datetime object
   dt = datetime.utcfromtimestamp(unix_timestamp)
   # Calculate midnight of the same day
   start_of_day = datetime(dt.year, dt.month, dt.day)
   # Calculate the time difference in seconds
   seconds_elapsed = (dt - start_of_day).total_seconds()
   return int(seconds_elapsed)
```

#### Έπειτα βρίσκουμε τις ξεχωριστές διαμονές των συμμετεχόντων

Και τέλος υπολογίζουμε τους επιμέρους χρόνους και ποσοστά διαμονής πριν τα αποθηκεύσουμε στο νέο dataset.

```
#calc percentages of time spent
new_dataset=[]
new header=["part id"]+sorted(room names)
for participant in sorted(list(participants stays.keys())):
   total=0
   for room in sorted(list(participants_stays[participant].keys())):
       total+=participants_stays[participant][room]
       #print(total)
   if total==0:
       continue
   new_dataset.append([])
   new_dataset[-1].append(participant)
    for room in sorted(list(participants_stays[participant].keys())):
        new_dataset[-1].append(int(1000*participants_stays[participant][room]/total)/10)
print(new_dataset[0])
save_csv(header=new_header,data=new_dataset,filename="tasks/Part_B/new_dataset.csv")
```

```
part id, Bathroom, Bedroom, Diningroom, Hall, Kitchen, Livingroom, Office, Outdoor
 1
Z13
      3000,0.0,14.2,2.3,0.0,40.9,3.3,3.2,23./
214
      3061,10.9,11.7,25.3,0.0,4.4,11.7,0.0,35.7
215
      3062,0.0,0.0,21.7,26.9,24.0,14.3,0.0,12.9
216
      3064,2.1,25.0,0.0,0.0,18.9,53.7,0.0,0.0
217
      3065, 0.7, 18.3, 44.5, 0.0, 7.0, 9.4, 0.0, 19.7
218
      3066,5.3,7.0,0.0,0.0,7.7,59.8,0.6,19.2
219
      3067,0.0,0.0,2.2,61.3,27.5,0.1,0.3,8.2
220
      3068, 0.0, 18.2, 12.2, 0.0, 35.2, 11.2, 19.9, 3.0
221
      3070,3.6,0.0,32.5,0.0,29.2,10.0,0.5,23.9
```

# 4. Συνδιασμός Clinical και Beacons Feature

Ακόμη συνδιάζουμε το Clinical με το New\_Dataset (που προέκυψε από την εξαγωγή χαρακτηριστηκών από το Beacons) σε ένα νέο.

```
new_header=header_beacons+header_clinical[1:]
#print(new_header)
merged datasets=[]
def find_entry(element_to_find,my_list):
   index_i = next((i for i, sublist in enumerate(my_list) if sublist[0] == element_to_find), None)
    return index i
#print(find_entry('3546',dataset_beacons))
for row in entries_beacons:
   beacons_index=row[0]
    #print(beacons index)
    clinical_index=find_entry(beacons_index,entries_clinical)
    if clinical_index!=None:
        #print(row,entries_clinical[clinical_index])
       merged_datasets.append(row+entries_clinical[clinical_index][1:])
def save_csv(header, data, filename):
   with open(filename, 'w', newline='') as csvfile:
        csv writer = csv.writer(csvfile)
       # Write the header
        csv_writer.writerow(header)
        # Write the data, replacing None with an empty string
           csv_writer.writerow(['' if cell is None else cell for cell in row])
save_csv(header=new_header,data=merged_datasets,filename="tasks/Part_B/merged.csv")
```

```
tasks > Part_B > ■ merged.csv > □ data

1 part_id_Bathroom_Bedroom_Diningroom_Hall,Kitchen_Livingroom_Office_Outdoor_,fried_gender_,age_hospitalization_one_year_,hospitalization_three_years_,ortho_hypot

2 1088,0.0,0.1,0.0,0.1,2.0,25.1,0.0,72.5,2,1,81,0,1.0,0,1,0,0,2,10.0,0,15.4,8.1,0,1,1,0,3.0,0.0,44.0625,36.6,120,71.5152,11,27,0,1,26,4,9.2,1,7,0,3.0,7.0,360,

3 1090,0.0,0.0,0.0,0.9.9,8,0.1,0.0,0.0,0.1,1,73,0,3.0,0,1,0,0,1,55.0,0,7.9,11.9,0.1,0,1,0.0,0.0,27.890625,30.2,92,49.8372,13,24,0,1,25,4,3.7,1,3,0,2.0,7.0,40,6

4 1104,19.8,16.2,0.0,0.0,16.2,0.0,0.0,47.5,2,1,79,0,0.0,0,1,0,0,2,55.0,0,65.0,22.8,1,1,1,0,0.0,0.0,38.73577952,33.7,118,64.1121,14,25,0,1,28.2,3.4,1,7,1,4.0,3

5 1109,0.9,0.0,0.0,82.0,8.9,0.0,0.0,1,-1,84,0.0,0,0,0,1,8.7,0,11.2,10.7,0,1,0,0,0.0,0.0,33.56544078,28.2,117,71.2974,14,26,0,1,30,7,7.8,0,7,0,1.0,3.0,0

6 1509,1.0,9.4,0.0,19.5,31.0,11.5,0.0,17.3,2,1,70,1,1.0,0,1,0,0,1,55.0,0,65.0,50.0,1,1,1,1,0,0.0,0.0,37.15134888,33.4,125,64.995,14,27,0,0,29,1,5.3,1,1,1,2.0,25

7 1515,0.0,0.0,0.0,0.0,0.0,2,33.1,44.2,0.0,22.3,0,1,71,1,1.0,0,1,0,0,1,12.58,0,7.14,4.57,0,0,0,0.0,0.10,28.96193772,29.8,109,58.7574,14,29,0,0.2,2,5.4,1,7,0,3.0,4

8 2005,0.0,0.0,0.0,0.0,0.3,33.3,66.6,0.0,0.0,1,1,77,0,0.0,1,0,0,1,12.58,0,7.14,4.57,0,0,0,0.0,0.10,28.96193772,29.8,109,58.7574,14,29,0,0.29,2,5.4,1,7,0,3.0,4

8 2005,0.0,0.0,0.0,0.0,0.0,2,33.3,66.6,0.0,0.0,1,1,77,0,0.0,1,14.0,1.6,0.7.0,0,1,1,0.0,0.1,0.26.34649403,14.204269,87,34.321518,13,26,1,0.26,33,3,0,4,0,5.0,7

2006,0.0,57.4,0.0,0.0,0.2,0.0,42.0,1,-1,76,2.8,0,0,0,0,0,2,15.0,0.8,0.6,0,0,0,1,1,0.0,2.3.24459454,15.522682,82,38.28713,13,15.576326,0,0.52,2,0,1

10 2012,0.0,0.0,0.0,0.0,0.0,0.0,8.6,13.2,0.0,18.1,2,1,87,0,0.0,1,0,1,21.0,1,22.0,7.0,0.1,1,1,0.0,1.0,20.3.24459454,15.522682,82,38.28713,13,15.576326,0,0.52,2,2,0,1

10 2012,0.0,0.0,0.0,0.0,0.0,0.0,8.6,13.2,0.0,18.1,2,1,87,0,0.0,1,0,1,21.0,1,22.0,7.0,0.1,1,1,0.0,1.0,23.24459454,15.522682,82,38.28713,13,15.576326,0,0.52,2,2,0,1

10 2012,0.0,0.0,0.0,0.0,0.0,0.0,0.8,1,1,2,1,87,0,0.0,1,0,1,2,1.0,1,2,1.0,1,22.0,7.0,
```

Merged Dataset Format

# 5. Συσταδοποίηση τελικού Dataset

## a. Συσταδοποίηση

Τα δεδομένα μας αρχικά διαιρούνται κατά στήλες με τον μέσο της στήλης για να εξισώσουμε τη συνεισφορά κάθε στείλεις στην γεωμτερική απεικόνιση των εγγραφών.

Από τα δεδομένα μας αφαιρούμε τις στήλες των IDs και το Fried-Index.

Για την συσταδοποίηση των δεδομένων αξιοποιούμε k-means και δοκιμάζουμε πολλαπλά πλήθη κεντροειδών. Αξιοποιούμε σε κάθε πιθανό πλήθος την μετρική της «αδράνειας» και το sil index και τα τοποθετούμε σε γραφική παράσταση για να βρούμε τον αγκώνα του γραφήματος και το σχετικό sil index.

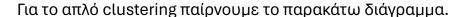
```
# Normalize the dataset
normalized_data = (data)/mean #this way we equalie the weight of each field to the output
X=normalized_data
#X=reduced data
error_list=[]
sil_list=[]
for i in range(2,20):
   # Define the number of clusters (k)
    k = i
   # Apply k-means clustering
   kmeans = KMeans(n_clusters=i, random_state=42,n_init=20,max_iter=500)
    labels = kmeans.fit_predict(X)
    wcss = kmeans.inertia
   error_list.append(wcss/10000)
   # Calculate silhouette score
   silhouette_avg = silhouette_score(X, labels)
   sil_list.append(silhouette_avg)
   #print(f"Silhouette Score for {i} clusters: {silhouette avg}")
import matplotlib.pyplot as plt
# Create a plot with the first list
plt.plot(range(2, len(error_list) + 2),error_list, label='WCSS/10000')
# Add the second list to the same plot
plt.plot(range(2, len(error_list) + 2),sil_list, label='Silhouette Index')
# Add labels and a legend
plt.title('Plot of Two Lists')
plt.xlabel('X-axis Cluster Number')
plt.ylabel('Y-axis (Values)')
plt.legend()
# Show the plot
plt.show()
```

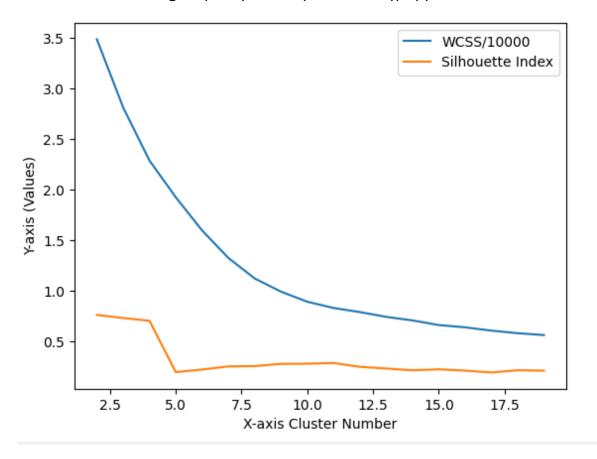
#### b. PCA

Επιπλέον παράγουμε ένα δεύτερο set δεδομένων με χρήση PCA για να μικρύνουμε τη διαστατικότητα. Για το πλήθως των components "k" δοκιμάστηκαν διάφορες επιλογές και τα αποτελέσματα συζητούνται παρακάτω.

```
mean = np.mean(data, axis=0)
# Step 3: Compute the covariance matrix
cov_matrix = np.cov(data/mean, rowvar=False)
# Step 4: Calculate eigenvalues and eigenvectors
eigenvalues, eigenvectors = np.linalg.eig(cov_matrix)
# Step 5: Sort eigenvalues and corresponding eigenvectors in descending order
sorted_indices = np.argsort(eigenvalues)[::-1]
eigenvalues = eigenvalues[sorted_indices]
eigenvectors = eigenvectors[:, sorted_indices]
# Step 6: Choose the top k eigenvectors
k = 8 # Choose the desired dimensionality
top_eigenvectors = eigenvectors[:, :k]
# Step 7: Form a projection matrix
projection_matrix = top_eigenvectors
# Step 8: Project the original dataset onto the new subspace
reduced_data = np.dot(data/mean, projection_matrix)
```

## c. Αποτελέσματα



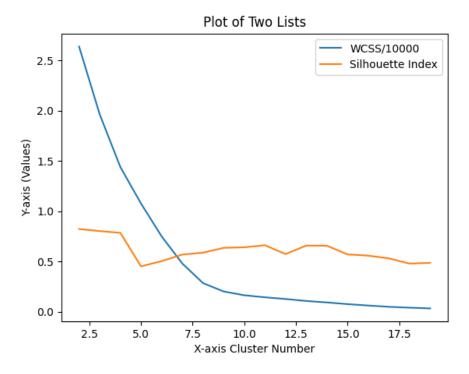


Οπτικά εντοπίζουμε τον αγκώνα του γραφήματος στα 9 κεντροειδή και το αντίστοιχο sil index είναι 0.291, σχετικά ασθενές.

Με PCA αρχικά δοκιμάζουμε πιθανά πλήθη για τα components και συναντάμε τα 9 κεντροειδή στα 8 components (όσα περισσότερα components και αν προσθέσουμε τα κεντροειδή θα παραμείνουν 10 αφού τόσα βρήκαμε και πριν το dimensionality reduction).

#by experiementing with pca we gain the following #components #elbow #silhouette value	ng:
#components #elbow #silhouette value	
#2 #2 0.965	
#3 #4 0.775	
#4 #5 0.778	
#5 #6 0.771	
#6 #6 0.771	
#7	
#8 #9 0.673	
#9 #9 0.641	
#10 #9 0.564	
#11 #9 0.510	
#12 #9 0.472	

## Για 8 components παίρνουμε το παρακάτω γράφημα:



Με 9 κεντροειδή και sil index 0.673, καλό.