## 《生物实验设计》 第六章 方差分析

#### 王超

#### 广东药科大学

Email: wangchao@gdpu.edu.cn

2023-10-04



## 第六章 方差分析

### 方差分析

- 样本平均数的假设检验适用于样本与总体或者两个样本之间的差 异显著性检验
- 实际研究中, 常需要 3 个及 3 个以上样本平均数进行比较
  - 如果两两相互比较,随着样本平均数个数增加而剧增
  - ullet n 个样本平均数需要比较的次数为  $C_n^2$
- 异致:
  - 检验过程繁琐
  - 无统一的试验误差, 误差估计的精确性和检验的灵敏性低
  - 推断的可靠性降低

### 方差分析

- 方差分析 ANOVA
  - 将所有处理的观测值作为一个整体,一次比较就对所有各组间样本 平均数是否有差异做出判断
  - 差异不显著,则认为他们是相同的
  - 差异显著,进一步比较是哪一组数据与其他数据不同
- 方差分析的用途
  - 多个样本平均数的比较
  - 分析多个因素间的交互作用
  - 回归方程的假设检验
  - 方差的同质性检验

## **第一节 方差分析的基本方法** 一、方差分析的基本原理

- 外理效应
  - 处理因素的不同造成
- 误差效应
  - 试验过程中偶然性因素的干扰
  - 测量误差
- 方差分析的基本思想
  - 将测量数据的总变异按照变异原因不同分解为处理效应和误差效应, 并作出其数量估计

- 反应测量数据变异性指标
  - 方差, 即均方

$$s^{2} = \frac{\sum (x - \bar{x})^{2}}{n - 1}$$

- 分别计算出处理效应的方差和误差效应的方差,在一定显著水平 下进行比较
  - 二者相差不大, 说明试验处理对指标影响不大
  - 二者相差较大,说明试验处理影响是很大的,不可忽视

以单因素试验为例,假设试验考察的因素有 k 个水平,每个处理重复 n 次,共有 nk 个观测值

$$\begin{bmatrix} A_1 & A_2 & \dots & A_i & \dots & A_k \\ x_{1,1} & x_{2,1} & \dots & x_{i,1} & \dots & x_{k,1} \\ x_{1,2} & x_{2,2} & \dots & x_{i,2} & \dots & x_{k,2} \\ \vdots & \vdots & & \vdots & & \vdots \\ x_{1,j} & x_{2,j} & \dots & x_{i,j} & \dots & x_{k,j} \\ \vdots & \vdots & & \vdots & & \vdots \\ x_{1,n} & x_{2,n} & \dots & x_{i,n} & \dots & x_{k,n} \end{bmatrix}$$

处理的总和  $T_{i,:}$ ,

$$\begin{bmatrix} T_{1,:} & T_{2,:} & \dots & T_{i,:} & \dots & T_{k,:} \end{bmatrix}$$

平均  $\bar{x}_{i,:}$ ,

$$\begin{bmatrix} \bar{x}_{1,:} & \bar{x}_{2,:} & \dots & \bar{x}_{i,:} & \dots & \bar{x}_{k,:} \end{bmatrix}$$



$$x_{i,j} = \mu_i + \epsilon_{i,j}$$

- $x_{i,j}$  表示第 i 个处理的第 j 个观测值,对于任意  $x_{i,j}$ ,可以用线性可加模型来进行描述
- $\mu_i$  为第 i 个处理观测值总体平均数
- ullet  $\epsilon_{i,j}$  为试验误差,相互独立,服从正态分布  $N(0,\sigma^2)$

#### 单因素试验资料的数学模型

$$\mu = \frac{1}{k} \sum_{i=1}^{k} \mu_i$$

$$\tau_i = \mu_i - \mu$$

$$x_{i,j} = \mu + \tau_i + \epsilon_{i,j}$$

- μ 为总体平均数
- $\tau_i$  为第 i 个处理的效应
- 将观测值分解为影响观测值大小的各个因素的线性组合

#### 对 $\tau_i$ 的不同假定

- 固定模型
  - ullet 各个处理的效应  $au_i$  是固定的一个常量,由固定因素引起的效应  $\sum au_i = 0$
  - 除去随机误差之后每个处理所产生的效应是固定的、分析的目的在 干研究 τ<sub>i</sub>
- 随机模型
  - 各个处理的效应  $\tau_i$  是由随机因素所引起的效应
  - $\bullet$   $\tau_i$  是一个随机变量,是从  $N(0,\sigma^2)$  的正态总体中得到的
  - 研究的目的不仅是  $\tau_i$ , 还有  $\tau_i$  的变异程度
- 混合模型
  - 多因素试验中,既包括固定效应的试验因素,又包括随机效应的试验因素

- 全部观测值的变异可以用总体的方差来度量
- ullet 方差是离均差的平方和(SS)除以自由度  $s^2=rac{\sum (x-ar{x})^2}{{
  m d}f}$
- 依据变异来源将试验资料的总变异分解为相应的变异
- ullet 包括总平方和  $(SS_T)$  与总自由度  $(df_T)$  的各个变异来源

#### (一) 平方和分解

- 引起观测值变异的原因有处理效应和误差效应
  - 处理间平均数的差异由处理效应所致
  - 同一处理内的变异由随机误差引起
- 任一观测值 x<sub>i</sub>j 与总平均数之差可以表示为:

$$(x_{i,j} - x_{:,:}) = (x_{i,j} - \bar{x}_{i,:}) + (\bar{x}_{i,:} - x_{:,:})$$

#### (一) 平方和分解

• 两边分别平方

$$(x_{i,j} - x_{:,:})^2 = (x_{i,j} - \bar{x}_{i,:})^2 + 2(x_{i,j} - \bar{x}_{i,:})(\bar{x}_{i,:} - x_{:,:}) + (\bar{x}_{i,:} - x_{:,:})^2$$

• 每一个处理 n 个观测值离均差平方和累加, 有

$$\sum_{j=1}^{n} (x_{i,j} - x_{:,:})^{2} = \sum_{j=1}^{n} (x_{i,j} - \bar{x}_{i,:})^{2} + 2\sum_{j=1}^{n} (x_{i,j} - \bar{x}_{i,:})(\bar{x}_{i,:} - x_{:,:}) + \sum_{j=1}^{n} (\bar{x}_{i,:} - x_{:,:})^{2}$$

#### (一) 平方和分解

• 因为

$$\sum_{j=1}^{n} (x_{i,j} - \bar{x}_{i,:})(\bar{x}_{i,:} - x_{:,:}) = (\bar{x}_{i,:} - x_{:,:}) \sum_{j=1}^{n} (x_{i,j} - \bar{x}_{i,:}) = 0$$

所以

$$\sum_{j=1}^{n} (x_{i,j} - x_{:,:})^2 = \sum_{j=1}^{n} (x_{i,j} - \bar{x}_{i,:})^2 + n(\bar{x}_{i,:} - x_{:,:})^2$$

• 把 k 个处理的离均差平方再累加. 得

$$\sum_{i=1}^{n} \sum_{j=1}^{n} (x_{i,j} - x_{:,:})^2 = \sum_{i=1}^{n} \sum_{j=1}^{n} (x_{i,j} - \bar{x}_{i,:})^2 + n \sum_{i=1}^{n} (\bar{x}_{i,:} - x_{:,:})^2$$

#### (一) 平方和分解

总平方和 = 处理间平方和 + 处理内平方和

$$SS_T = SS_t + SS_e$$

$$\begin{cases} n \sum_{i=1}^{n} (\bar{x}_{i,:} - x_{:,:})^2 \\ \sum_{i=1}^{n} \sum_{j=1}^{n} (x_{i,j} - \bar{x}_{i,:})^2 \end{cases}$$

#### (二) 自由度分解

总自由度 = 处理间自由度 + 处理内自由度

$$df_T = df_t + df_e$$

$$\begin{cases} df_T = nk - 1 \\ df_t = k - 1 \\ df_e = (nk - 1) - (k - 1) = k(n - 1) \end{cases}$$

#### (三) 计算方差

根据各变异部分得平方和与自由度,计算处理间  $s_t^2$  和处理内方差  $s_e^2$ 

$$\begin{cases} s_t^2 = \frac{SS_t}{df_t} \\ s_e^2 = \frac{SS_e}{df_e} \end{cases}$$

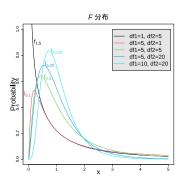
## 第一节 方差分析的基本方法 四、统计假设的显著性

检验: F 检验

F 分布

设从一正态总体  $N(\mu, \sigma^2)$  中随机抽样样本容量为  $n_1$  和  $n_2$  的两个独立样本,样本方差为  $s_1^2$  和  $s_2^2$ ,定义 F:

$$F=\frac{s_1^2}{s_2^2}$$



第一节 方差分析的基本方法 四、统计假设的显著性

检验: F 检验

#### F 分布

- F 值的取值区间是  $[0, +\infty)$
- F 分布的平均数  $\mu_F = 1$
- F 分布曲线的性状仅取决于  $df_1$  和  $df_2$ 
  - 当  $df_1 = 1$  或当  $df_1 = 2$  时 F 分布曲线呈严重倾斜的方向 J 形
  - 当  $df_1 \geqslant 3$  时转为左偏曲线
  - 根据 df1 和 df2 查 F 值分布表

## 第一节 方差分析的基本方法 四、统计假设的显著性

检验: F 检验

- 在方差分析中进行 F 检验的目的在于推断处理间是否存在差异
- 计算 F 时,以处理间均方  $s_t^2$  作分子,以处理内均方  $s_e^2$  作分母
- 无效假设是把各个处理的变量假设来自同一个总体,认为处理间 方差与处理内方差相等

$$\begin{cases} H_0 : \sigma_t^2 = \sigma_e^2 \\ H_A : \sigma_t^2 \neq \sigma_e^2 \end{cases}$$

• 无效假设是否成立,主要取决于计算出来的 F 值在 F 分布中出现的概率

方差分析不再对数据进行成对比较,而是将总体的变异进行分解,通 过一次检验即完成多组处理之间的差异显著性检验

- F 检验如果否定  $H_0$ ,表明试验的变异主要来源于处理间变异,并不意味着每两个处理平均数间的差异都是显著的,也不能说明哪些平均数间有显著差异
- 要比较不同处理下平均数两两间差异的显著性,每个处理的平均数都要与其他处理的平均数进行比较
- 多重比较
  - 多个平均数两两间的相互比较

#### (一) 最小显著差数法

- 先计算出达到差异显著的最小差数 LSD
- 然后用两个处理平均数的差值与 LSD 比较
  - $|\bar{x}_1 \bar{x}_2| > LSD$  在给定  $\alpha$  水平上差异显著
  - $|\bar{x}_1 \bar{x}_2| \leqslant LSD$  差异不显著

$$t = \frac{\bar{x}_1 - \bar{x}_2}{s_{\bar{x}_1 - \bar{x}_2}}$$

$$\bar{x}_1 - \bar{x}_2 = t \times s_{\bar{x}_1 - \bar{x}_2}$$

• 如果 t 值为  $t_{0.05}$  或  $t_{0.01}$ ,则  $\bar{x}_1 - \bar{x}_2$  为两个样本平均数差异达到显著或极显著水平的最小值,记为 LSD

$$\begin{cases} LSD_{0.05} = t_{0.05} \times s_{\bar{x}_1 - \bar{x}_2} \\ LSD_{0.01} = t_{0.01} \times s_{\bar{x}_1 - \bar{x}_2} \end{cases}$$



(一) 最小显著差数法 (Least significant difference test) 平均数差数标准误的计算

$$s_{\bar{x}_1 - \bar{x}_2} = \sqrt{\frac{s_1^2}{n_1} + \frac{s_2^2}{n_2}} = \sqrt{s_e^2(\frac{1}{n_1} + \frac{1}{n_2})}$$

如果

$$\begin{cases} |\bar{x}_1 - \bar{x}_2| > LSD_{0.05}, or \\ |\bar{x}_1 - \bar{x}_2| > LSD_{0.01} \end{cases}$$

认为两个样本平均数的差异达显著或极显著水平

#### (一) 最小显著差数法

- 利用 LSD 法进行多重比较,可以分 3 步
  - 计算最小显著差数 *LSD*<sub>0.05</sub> 和 *LSD*<sub>0.01</sub>
  - 列出平均数的多重比较表
  - ullet 将两两平均数的差数与  $LSD_{0.05}$  和  $LSD_{0.01}$  进行比较,作出统计推断

#### (一) 最小显著差数法

R DEMO

```
> library(agricolae)
> aloe_height <- data.frame(</pre>
   treatment= rep(c("A1", "A2", "A3", "A4"), each = 5),
   height = c(18.1, 18.6, 18.7, 18.9, 18.3,
+
               17.4, 17.9, 17.1, 16.5, 17.5,
+
               17.3, 16.9, 18.5, 18.2, 16.2,
               15.6, 15.8, 16.7, 15.3, 16.8))
> model <- aov(height ~ treatment, data = aloe_height)</pre>
> print(LSD.test(model, "treatment", alpha = 0.05)$groups)
##
      height groups
## A1 18.52
## A3 17.42
## A2 17.28
## A4 16.04
```

(二) 最短显著极差法 Duncan's new multiple range test (SSR)

```
R DEMO
```

```
> model <- aov(height ~ treatment, data = aloe height)
> print(duncan.test(model, "treatment", alpha = 0.05)$duncan)
##
       Table CriticalRange
## 2 2.997999 0.8776510
## 3 3.143802 0.9203344
## 4 3.234945 0.9470159
> print(duncan.test(model, "treatment", alpha = 0.05)$groups)
##
     height groups
## A1 18.52
## A3 17.42
## A2 17.28
## A4 16.04
```

(二) q 检验 Student-Newman-Keuls test (SNK)

```
R DEMO
```

```
> model <- aov(height ~ treatment, data = aloe height)</pre>
> print(SNK.test(model, "treatment", alpha = 0.05)$snk)
##
       Table CriticalRange
## 2 2.997999
                 0.877651
## 3 3.649139 1.068269
## 4 4.046093 1.184476
> print(SNK.test(model, "treatment", alpha = 0.05)$groups)
##
     height groups
## A1 18.52
## A3 17.42
## A2 17.28
## A4 16.04
```

- k=2 时显著尺度 LSD=SSR=SNK
- $k \ge 3$  时 3 种检验方法检验的显著尺度关系为  $LSD \le SSR \le SNK$ 
  - 用 LSD 法检验显著的差数,用 SSR 或 SNK 法未必显著
  - 用 SNK 法检验显著的差数,用 LSD 法必然显著
- 对精度要求高的试验应用 SNK 法,一般试验可用 SSR 法,试验中各个处理皆与对照相比的试验资料可用 LSD 法

- 方差分析的基本步骤:
  - 将样本数据的总平方和与总自由度分解
  - ullet 列方差分析表进行 F 检验,分析各变异因素在总变异中的重要程度
  - 若 F 检验显著,对各处理平均数进行多重比较

## **第二节 单因素方差分析** 一、组内观测次数相等的方差分析

- k 组资料, n 个观测值
- 方差分析表

$$\begin{bmatrix} source & df & SS & s^2 & F \\ treatment & k-1 & SS_t = \frac{T_i^2}{n} - C & s_t^2 & \frac{s_t^2}{s_e^2} \\ error & k(n-1) & SS_e = SS_T - SS_t & s_e^2 \end{bmatrix}$$

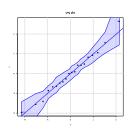
# **第二节 单因素方差分析** 二、组内观测次数不相等的方差分析

- 由于条件限制,不同处理的观测次数不同
- 方差分析表

$$\begin{bmatrix} source & df & SS & s^2 & F \\ treatment & k-1 & SS_t = \sum \frac{T_i^2}{n_i} - C & s_t^2 & \frac{s_t^2}{s_e^2} \\ error & \sum n_i - k & SS_e = SS_T - SS_t & s_e^2 \end{bmatrix}$$

#### R DEMO

• 正态性检验



```
## [1] 5 13
> shapiro.test(guard_hair$length)
##
## Shapiro-Wilk normality test
##
## data: guard_hair$length
## W = 0.92602, p-value = 0.1294
```

#### R DEMO

• 方差齐性检验

```
> bartlett.test(length~region, data = guard_hair)
##
## Bartlett test of homogeneity of variances
##
## data: length by region
## Bartlett's K-squared = 2.7614, df = 4, p-value = 0.5985
```

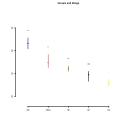
#### R DEMO

• 单因素方差检验

#### R DEMO

#### • 多重比较

```
##
       length groups
       31.600
##
   DB
  NMG 27.400
##
  ΗE
       26.025
                   bc
## AH
       24.750
                   cd
## GZ
       22.850
                    d
```



### 第三节 双因素方差分析

- 实验随机分配 60 只豚鼠,分别采用两种喂食方法(橙汁或维生素C)
- 各喂食方法中抗坏血酸含量有三种水平 (0.5mg、1mg 或 2mg)
- 每种处理方式组合都被分配 10 只豚鼠
- 观察豚鼠的牙齿长度

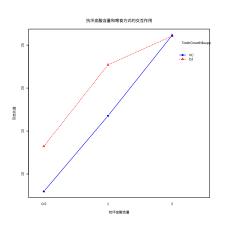
| len  | supp | dose |
|------|------|------|
| 4.2  | VC   | 0.5  |
| 11.5 | VC   | 0.5  |
| 7.3  | VC   | 0.5  |
| 5.8  | VC   | 0.5  |
| 6.4  | VC   | 0.5  |
| 10.0 | VC   | 0.5  |
|      |      |      |

#### 第三节 双因素方差分析

#### • 双因素方差分析

## 第三节 双因素方差分析

#### • 交互效应的可视化



### 第五节 方差分析缺失数据的估计

- 数据的缺失使平方和的线性可加模型无效
  - 无法直接进行方差分析
- 缺失的数据可用统计方法从理论上进行估计,然后进行方差分析
  - 缺失数据估计不能恢复数据,只能是补足后不致干扰其余数据
- 弥补缺失数据的原则是,使补上缺失的数据后,误差平方和最小

# **第五节 方差分析缺失数据的估计** 一、缺失一个数据的估计方法

Table 2: one missing data

|    | В1 | B2 | ВЗ | B4 | B5 | B6 | B7 | B8 |
|----|----|----|----|----|----|----|----|----|
| A1 | 30 | 39 | 41 | 42 | 42 | 39 | 38 | 38 |
| A2 | 37 | 46 | X  | 43 | 51 | 44 | 35 | 49 |
| А3 | 27 | 37 | 36 | 24 | 37 | 41 | 33 | 43 |
| A4 | 30 | 42 | 35 | 40 | 46 | 47 | 38 | 46 |
|    |    |    |    |    |    |    |    |    |

#### • 根据误差平方和:

$$SS_e = SS_T - SS_A - SS_B$$

- 令  $SS_e$  达到最小,另  $\frac{\mathrm{d}SS_e}{\mathrm{d}x}=0$
- 解方程得到 x



# **第五节 方差分析缺失数据的估计** 二、缺失两个数据的估计方法

Table 3: one missing data

|    | B1 | B2 | ВЗ | B4 | B5 | B6 | B7 | B8 |
|----|----|----|----|----|----|----|----|----|
| A1 | 30 | 39 | 41 | 42 | 42 | 39 | 38 | 38 |
| A2 | 37 | 46 | X  | 43 | 51 | 44 | 35 | 49 |
| А3 | 27 | 37 | 36 | 24 | 37 | 41 | У  | 43 |
| A4 | 30 | 42 | 35 | 40 | 46 | 47 | 38 | 46 |

- 缺失两个数据同样令 SSe 达到最小
- 需要满足:

$$\begin{cases} \frac{\partial SS_e}{\partial x} = 0\\ \frac{\partial SS_e}{\partial y} = 0 \end{cases}$$

《生物实验设计》第六章 方差分析

通过求解二元一次方程求解得到 x,y



# **第六节 方差分析的基本假定和数据转换** 一、方差分析的基本假定

#### 方差分析的有效性建立在一些基本假定基础上

- 正态性
  - 试验误差应当是服从正态分布  $N(0,\sigma^2)$  的独立的随机变量
  - 每一观测值  $x_{ij}$  应围绕相应的平均数呈正态分布
  - 非正态分布的资料进行适当数据转换后,亦能进行方差分析
- 可加性
  - 处理效应与误差效应是可加的,并服从方差分析的数据模型
  - ullet 试验的总变异  $x_{ij}=\mu+lpha_i+\epsilon_{ij}$ ,这样才能分解为各种原因引起的变异
- 方差同质性
  - 所有试验的误差方差应具备同质性,即不同处理不能影响随机误差的方差
  - 如果发现误差异质,只要不属于研究对象本身的原因,在不影响分析正确性的条件下可将变异特别明显的数据剔除

## (一) 平方根转换

- 一些生物学观测数据为泊松而非正态分布,样本平均数和方差存在某种比例关系  $\sigma^2 = \lambda, \mu = \lambda$
- 采用平方根转换可以对方差进行降缩,减少极端大的变量对方差的影响,从而获得同质方差
- 一般直接转换成  $\sqrt{x}$ , 数据较小时采用  $\sqrt{x+1}$

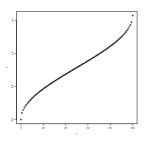
#### (二) 对数转换

- 如果已知资料中的效应为相乘性或非相加性,或者标准差与平均数成比例,可以使用对数转换
- 一般是将原数据转换为对数 log(x), ln(x)
- 使方差变成比较一致而且使效应由相乘性变成相加性
- 如果原始数据包括 0,可以采用 log(n+1) 的方法
- 对数转换对于削弱大变数的作用要比平方根转换强

# 第六节 方差分析的基本假定和数据转换 二、数据转换

#### · (三)反正弦转换

- 如果数据是比例数或以百分率表示, 其分布趋向于二项分布
- 二项分布的方差与平均数之间存在一定函数关系  $\sigma^2 = npq, \mu = np$
- 转换成角度以后,接近于0和1的数值变异度增大,使方差变大, 有利于满足方差同质性要求
- 方差分析时应作反正弦转换  $\theta = \sin^{-1} \sqrt{P}$
- 如果资料中的百分数为 0.3~0.7,转换对分析结果影响不大



### 第六节 方差分析的基本假定和数据转换

- 对于非连续性的数据,最好在方差分析前先检查
  - 各处理平均数与相应处理内均方是否存在相关性
  - 各处理内均方间的变异是否较大
  - 如果存在以上情况,考虑对数据做转换
- 哪种方法能使处理平均数与其均方的相关性最小,哪种方法就是 最合适的转换方法

### 课后思考题

多个处理平均数之间的相互比较为什么需要使用方差分析?