|  |  |
| --- | --- |
| 脚本名 | draw\_pathway.r |
| 用途 | 画通路基因突变图谱 |
| 开发状态 | 正在开发 |
| 作者 | 刘快, 赵松辉 |
| 代码创建时间 | 2019/03/28 |
| 最近一次更新时间 | 2019/05/07 |
| 版本 | R |
| 用法 | 路径：/home/dev/Documents/tuboshu/  用法: source(‘/home/dev/Documents/tuboshu/ draw\_pathway.r’)  draw\_pathway (variant,width,height,res,filename,pathway)  例子：draw\_pathway('1554203554069.txt',1200,900,100,'test',c("04350","03410","04210")) |
| 输入数据 | 测试数据路径：/home/dev/Documents/tuboshu/1554203554069.txt |
| 输出数据 | .jpeg图片  存放路径: /home/dev/Pictures/pathway |
| 软件及路径 | 软件：/home/dev/Documents/tuboshu/draw\_pathway.r  依赖：/home/dev/Documents/tuboshu/pathway\_info.Rdata(奥迪整理的23条常见的信号通路) |
| 参考文件 |  |
| 过滤标准 | 无 |
| 依赖的包 | 依赖ComplexHeatmap包  注意此包从github下载，最新的版本，不是bioconductor上的版本 |
| 可否多线程 |  |
| 运行时间 |  |
| 空间消耗 |  |
| Bug collection文件 | 以附件的形式保存在目录下，定期更新 |