



logo

midas g 534 - midas s 5291 - Hjor.155 01030	V	D	V	S	A	G	G	C	600
Bryobacter - midas s 6438 - Kalu.261 03037	I	D	L	S	E	S	G	V	589
Bryobacter - midas s 3298 - Fred.662 01773 (split)	L	D	I	S	T	S	G	T	604
Paludibaculum - midas s 675 - Skiv.396 00856 (split)	V	D	L	S	N	S	C	A	602
QUERY - K. xylinus - bcsAI	E	D	V	S	M	G	G	V	607
Rhodoferax - midas s 901 - Aved.394 03919	S	D	Y	S	E	G	G	V	621
Rhodoferax - midas s 901 - EsbW.485 3737-3736	S	D	Y	S	E	G	G	V	596
Dechloromonas - midas s 173 - EsbW.050 03083	Q	D	Y	S	L	G	G	L	726
Dechloromonas - midas s 173 - Hade.364 03000	Q	D	Y	S	L	G	G	L	726
Dechloromonas - midas s 173 - Skiv.sub 00765	Q	D	Y	S	L	G	G	L	726
Nitrotoga - midas s 181 - OdNE.187 01449	E	D	Y	S	M	T	G	L	714
Nitrotoga - midas s 181 - Skiv.176 1730-1729	E	D	Y	S	M	T	G	L	714
Simplicispira - Simplicispira limi - EsbW.453 01813	V	D	F	S	M	T	G	V	690
Rhodoferax - midas s 4982 - Bjer.458 00257	L	D	Y	S	M	T	G	L	724
Rhodoferax - midas s 4982 - Bjer.458 01831	L	D	Y	S	M	T	G	L	433
consensus	!	*	!	*	!	*			



 non-conserved
 ≥ 50% conserved