Random Forest 推导

Soul Walker

2020年7月22日

1 熵的知识补充

决策树这里涉及到的数学问题就是关于特征的选择问题,那我们在构建决策树的时候选择的生成算法是 ID3 还是 C4.5 这两种算法就涉及到了信息增益与信息增益比的概念。

首先,我们先来介绍熵 (entropy),熵度量了事物的不确定性,越不确定的事物,他的熵就越大

$$H(X) = -\sum_{i=1}^n p(x_i) log p(x_i)$$

其中, n 表示了 X 的 n 中不同取值 (且离散), log 为以 2 或 e 为底的对数。

同样的, 我们将其推广到多个变量的联合熵

$$H(X,Y) = -\sum_{i=1}^n p(x_i,y_i)logp(x_i,y_i)$$

其中, n 表示了 X 和 Y 的 n 中不同取值 (且离散), log 为以 2 或 e 为底的对数。

那么通过联合熵,我们可以的到条件熵,条件熵 H(Y|X) 表示在已知随机变量 X 的条件下随机变量 Y 的不确定性。条件熵 H(Y|X) 定义为 X 给定条件下 Y 的条件概率分布的熵对 X 的数学期望

$$\begin{split} H(Y|X) &= \sum_{i=1}^n p(x_i) H(Y|X=x_i) \\ &= -\sum_{i=1}^n p(x_i) \sum_{j=1}^n p(y_j|x_i) log p(y_j|x_i) \\ &= -\sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^n p(x_i,y_j) log(y_j|x_i) \end{split}$$

条件熵 H(Y|X) 相当于联合熵 H(Y,X) 减去单独的熵 H(X)

$$\begin{split} H(X,Y) &= -\sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^n p(x_i,y_i) log p(x_i,y_i) \\ &= -\sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^n p(x_i,y_i) log (p(y_j|x_i) p(x_i)) \\ &= -\sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^n p(x_i,y_i) log p(y_j|x_i) - \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^n p(x_i,y_i) log p(x_i) \\ &= H(Y|X) - \sum_{i=1}^n log p(x_i) \sum_{j=1}^n p(x_i,y_j) \\ &= H(Y|X) - \sum_{i=1}^n log p(x_i) p(x_i) \\ &= H(Y|X) - \sum_{i=1}^n p(x_i) log(x_i) \\ &= H(Y|X) + H(X) \end{split}$$

也就是

$$H(Y|X) = H(X,Y) - H(X)$$

2 ID3 和 C4.5 算法

ID3 和 C4 这两个算法的区别在与 ID3 在特征选择的时候使用信息增益准则选择特征,而 C4.5则选择使用信息增益比准则来选择特征。

输入: 训练数据集

$$T = \{(\mathbf{x}_1, y_1), (\mathbf{x}_2, y_2), \cdots, (\mathbf{x}_N, y_N))\} = \{(\mathbf{x}_i, y_i)\}_{i=1}^N$$

其中, $\mathbf{x}_i \in \chi \in \mathbb{R}^N$ 为实例的特征向量, $\mathbf{x}_i = (\mathbf{x}_i^{(1)}, \mathbf{x}_i^{(2)}, ..., \mathbf{x}_i^{(n)})^T$, $y_i \in \{1, 2, \cdots, K\}$ 为实例的类别, $i = 1, 2, \cdots, N$,实例特征向量 \mathbf{x} ,X 为训练样本集,形状为 (N, p),Y 是训练标签集,形状为 (N, 1)。这里我们使用 α 来作为拉格朗日乘子。

输出:实例 x 所属的类别 y。

此处假设训练集中某一特征 A, 特征 A 将 D 划分为 n 个子集 D_1, D_2, \cdots, D_n , $|C_k|$ 为第 k 类的

样本数, 我们来计算信息增益 g(D,A)

$$\begin{split} g(D,A) &= H(D) - H(D|A) \\ &= -\sum_{k=1}^K p(\mathbf{Y} = C_k) log P(\mathbf{Y} = C_k) - (-\sum_{i=1}^n P(\mathbf{x}^{(A)} = a_i) H(D|\mathbf{X}^{(A)} = a_i)) \\ &= -\sum_{k=1}^K \frac{|C_k|}{|D|} log \frac{|C_k|}{|D|} - (-\sum_{i=1}^n \frac{|D_i|}{|D|} H(D|\mathbf{X}^{(A)} = a_i)) \\ &= -\sum_{k=1}^K \frac{|C_k|}{|D|} log \frac{|C_k|}{|D|} - (-\sum_{i=1}^n \frac{|D_i|}{|D|} \sum_{k=1}^K \frac{|D_{ik}|}{|D_i|} log \frac{|D_{ik}|}{|D_i|}) \\ &= -\sum_{k=1}^K \frac{|C_k|}{|D|} log \frac{|C_k|}{|D|} + \sum_{i=1}^n \frac{|D_i|}{|D|} \sum_{k=1}^K \frac{|D_{ik}|}{|D_i|} log \frac{|D_{ik}|}{|D_i|} \end{split}$$

那么我们对信息增益比的定义

$$g_R(D,A) = \frac{g(D,A)}{H_A(D)}$$

其中

$$H_A(D) = -\sum_{i=1}^n \frac{|D_i|}{|D|}log_2\frac{|D_i|}{|D|}$$

在选择时,这两种算法都会有优化空间,所以我们用的更多的是接下来要讲解的 CART 算法。

3 CART 算法

CART 算法就是递归生成二叉决策树,对回归树使用平方误差最小化准则,对分类树使用基尼指数最小化准则来进行特征选择。在这里我仅做 CART 分类树的讨论。那么也就是通过计算基尼指数选择最优特征并决定最优二值切分点。基尼指数计算公式如下

$$Gini(p) = \sum_{k=1}^{K} p_k (1-p_k) = 1 - \sum_{k=1}^{K} p_k^2$$

对该公式的解读为: 在公式中 $p_k(1-p_k)$ 表示我们随机抽取两个样本,得到其中一个属于 k 类,而另外一个不属于 k 类的概率,那么这个概率(乘积)越大,表征数据越分散,总体的不确定性越大。这里我们对于给定样本集合 D

$$Gini(D) = 1 - \sum_{k=1}^{K} (\frac{|C_k|}{|D|})^2$$

其中, C_k 是 D 中属于第 k 类的样本子集,K 是类的个数。那么这里,我们在样本集合 D 根据特征 A 是否可以被划分为 D_1,D_2 两个子集进行讨论

$$\begin{split} Gini(D,A) &= \frac{|D_1|}{|D|} Gini(D_1) + \frac{|D_2|}{|D|} Gini(D_2) \\ &= \sum_{i=1}^2 \frac{|D_i|}{|D|} Gini(D_i) \\ &= \sum_{i=1}^2 \frac{|D_i|}{|D|} [1 - \sum_{k=1}^K (\frac{|D_{ik}|}{|D_i|})^2] \end{split}$$

其中 $D_1=\{(x,y)\in D|A(x)=a\}; D_2=D-D_1,\ D_{ik}$ 表示在数据集 D_i 中分类为 k 的数据子集,此处 D_1 和 D_2 是由特征 $X^{(A)}=a$ 来表征的数据集

那么划分数据集的 Gini 指数可得。

4 Bagging

所谓 Bagging,我们可以这样思考:我们首先有m个样本,我们经过T次随机采样产生T个随机采样集,然后使用每个随机采样集进行独立训练生成T个弱学习器,然后T个弱学习器使用结合策略生成最终我们需要的强学习器。

这里我们的随机采样一般采用自助采样法 (Bootstrap Sampling),也就是说对于 m 个样本的原始训练集,我们每次先随机采集一个样本放入采样集,接着把该样本放回,下次采样时该样本仍有可能被采集到,这样采集 m 次,最终可以得到 m 个样本的采样集,由于是随机采样,这样每次的采样集是和原始训练集不同的,和其他采样集也是不同的,这样得到多个不同的弱学习器。

那这里的结合策略在随机森林中选取投票法,即选取相对较多数的类别作为最终预测类别。具体较为代码体现,所涉及数学如上。