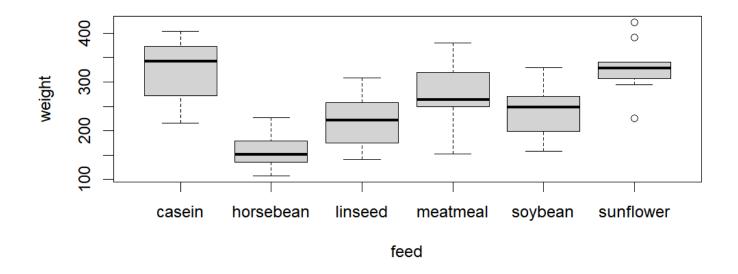


# **Boxplot**



- sunflower : 이상치를 가지고 있음
- casein : median 이 다른 것들보다 큼
- horsebean : 다른 것들보다 weight가 작음

#### summary

#### > summary(Hitters)

```
Salary
                                         NewLeague
   AtBat
                  Hits
                              HmRun
                                                    Min. : 67.5
                                         A:176
Min. : 16.0
              Min. : 1
                           Min. : 0.00
                                         N:146
                                                    1st Qu.: 190.0
1st Ou.:255.2
                           1st Ou.: 4.00
              1st Qu.: 64
                                                    Median : 425.0
Median :379.5
              Median : 96
                           Median : 8.00
                                          범주형
                                                    Mean : 535.9
Mean :380.9
                     :101
                           Mean
                                :10.77
              Mean
                                                    3rd Ou.: 750.0
3rd Qu.:512.0
              3rd Ou.:137
                           3rd Qu.:16.00
      :687.0
                                                           :2460.0
Max.
              Max.
                     :238
                           Max.
                                :40.00
                                                    Max.
                                                    NA's
                                                           :59
                                                                 결측치 59개
```

- AtBat, Hits, HuRun : 연속형 변수, Min, 1st Qu., Median, Mean, 3rd Qu., Max. 값이 표시되어 있음
- Salary : 연속형 변수 + 결측치, 결측치는 NA's : 59로 표시되어 있음
- NewLeague : 범주형, A 범주가 176개, N 범주가 146개 있음

#### summary

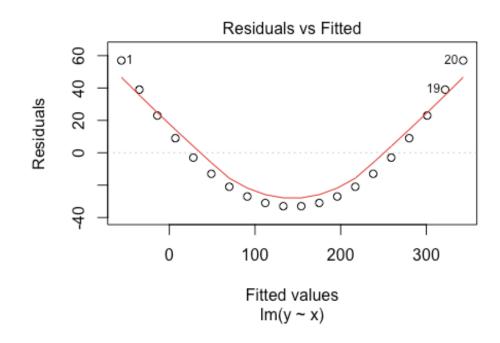
#### > summary(Orange)

Tree	age	circumference
3:7	Min. : 118.0	Min. : 30.0
1:7	1st Qu.: 484.0	1st Qu.: 65.5
5:7	Median :1004.0	Median :115.0
2:7	Mean : 922.1	Mean :115.9
4:7	3rd Qu.:1372.0	3rd Qu.:161.5
	Max. :1582.0	Max. :214.0

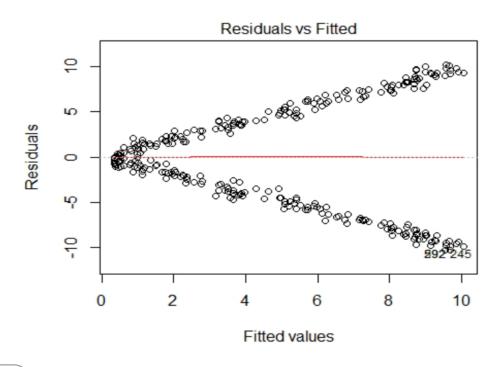
- age 평균 : 922.1
- 35개의 관측치 포함 (Tree가 5가지 종류이며 7개씩임) Factor 타입이며 순서가 3 > 1 > 5 > 2 > 4로 되어 있음
- 약 50%의 나무가 115보다 큰 둘레를 가지고 있음

■ 틀린 지문 : age는 Tree별로 평균이 유의한 차이가 없다고 할 수 있다 (X)

## 잔차도(Residuals vs Fitted)



- lm(y~x)가 선형성, 잔차가 등분산성을 만족하지 않음
- U자 모형으로 제곱항을 넣어 보거나, 비선형으로 변환해 볼 수 있음



잔차의 등분산성을 만족하지 않음

#### 주성분 분석(PCA) 해석

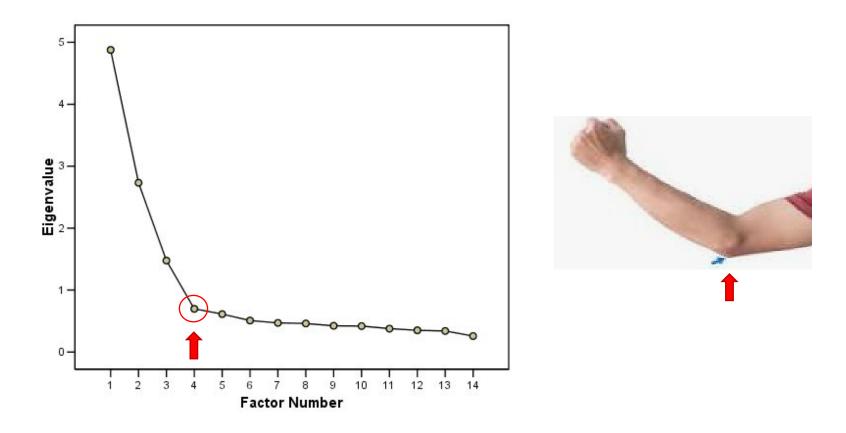
```
> data3 <- princomp(data1, cor=TRUE) # ISLR 패키지 data (Hitters)
> data3
Call:
princomp(x = data1, cor = TRUE)
Standard deviations:
                      Comp.1
                   2.77339679 2.03026013 1.31485574 0.95454099 0.84109683
                                                                           0.7237422 0.69841796
생략
17 variables and 263 observations.
> summary(data3)
Importance of components:
                                                        Comp.3
                                 Comp.1
                                            Comp.2
Standard deviation
                              2.7733967
                                         2.0302601 1.3148557
Proportion of Variance
                              0.4524547
                                         0.2424680
                                                     0.1016968
                                                                0.0539344 0.04161435
Cumulative Proportion
                               0.4524547
                                         0.6949227 0.7966195 0.8505539 0.89216822
```

- 옆의 결과에서 princomp(data1, cor=TRUE)라는 것이 주성분분석의 함수입니다. cor=TRUE라는 것은 상관계수 행렬을 사용하겠다는 것입니다.
- 이것은 prcomp(data1, scale=TRUE)라는 것과 동일한 동작을 합니다. prcomp 의 경우 scale=TRUE라는 것이 상관행렬을 사용하겠다는 것을 의미합니다.
- cor=FALSE, scale=FALSE를 사용하거나 생략하면 공분산 행렬을 사용하겠다 는 의미가 됩니다.
- 공분산 행렬은 변수의 측정 단위를 그대로 반영한 것이고,
- 상관행렬을 사용하는 경우 모든 측정 단위를 표준화 한 것입니다.
- 따라서, 공분산 행렬을 이용한 분석의 경우 변수들의 측정 단위에 민감한 특성이 있습니다.

#### summary(data3) 에 대한 해석

- Comp.1, Comp.2, ... Comp.5 가 주성분이며 뒤쪽이 생략되어 있습니다. (Cumulative Proportion)이 1이 보여야 모든 성분에 대한 내용이 표시된 것입니다.
- Proportion of Variance 가 각 성분의 분산으로 설명력을 의미합니다.
- 주성분은 가장 분산이 높은 것부터 작은 순서로 주성분1, 2, 3 ... 이 됩니다.
- Comp.1 의 경우 0.4524547, Comp.2 의 경우 0.2424680 ... 등으로 표시되고 있습니다
- Cumulative Proportion은 Proportion of Variance를 누적한 것입니다. Comp.1은 그대로 표시되고 Comp.2의 경우 Comp.1 + Comp.2의 Proportion of Variance를 더한 것이고, Comp.3의 Comp.1 + Comp.2 + Comp.3 의 Proportion of Variance를 더한 것이 됩니다.
- 설명력을 이야기 할때는 Cumulative Proportion을 보면 됩니다.
- 주성분은 1번부터 순서대로 사용됩니다. 따라서 주성분을 4개 사용한다면 Comp.1에서 Comp.4까지 사용한 것이 됩니다.
- 주성분을 4개 사용했을 때의 설명력은 Comp.4의 Cumulative Proportion을 보면됩니다. (위의 그림에서는 0.8505539가 됩니다. 약 85.05% 입니다.)
- 차원을 2차원으로 줄였다는 것은 2개의 주성분만 사용하겠다는 것입니다.
- 설명력은 전체 주성분을 사용해야 100%가 됩니다.
- 따라서 차원을 2차원으로 줄인 경우 ( 1 0.6949227 ) 이 되어서 0.3050773이 되며, 이것을 %로 표현하면 약 30.51% 손실이 됩니다.
- X차원으로 줄였을 때 손실율은 (1 X차원의 Cumulative Proportion)입니다.

# 주성분 개수 선택 - Elbow 기법



Scree Plot에서 최적의 요소 수를 찾으라는 문제가 나오면 팔꿈치 부분을 찾아야 합니다. 경사가 완만해지기 시작하는 부분입니다.

#### t.test

#### > t.test(x=Default\$income, mu=33000)

One Sample t-test

data: Default\$income p-value

t = 3.8764, df = 9999, p-value = 0.0001067

alternative hypothesis: true mean is not equal to 33000

95 percent confidence interval:

33255.56 33778.41

sample estimates: mean of x 33516.98

■ 귀무가설 : income의 평균이 33000과 같다

■ 대립가설 : income의 평균이 33000과 같지 않다

• df = 9999, n = df + 1 = 10000

■ 95% 신뢰구간 : 33255.56 ~ 33778.41

■ p-value : 0.05보다 작으므로 귀무가설 기각, 대립가설 채택

■ x의 평균 (점추정 값): 33516.98

#### t.test

#### > t.test(x=chickwts\$weight, mu=260)

One Sample t-test

242.8301 279.7896 sample estimates: mean of x 261.3099

■ 귀무가설 : weight의 평균이 260과 같다

■ 대립가설: weight의 평균이 260과 같지 않다

■ df = 70 (degree of freedom), n = df + 1 = 71 (관측치 개수)

■ 95% 신뢰구간 : 242.8301 ~ 279.7896

■ p-value : 0.05보다 큰 값으로 귀무가설을 채택, 대립가설을 기각함

■ x의 평균(점추정 값): 261.3099

```
> temp <- lm(Fertility~., data=swiss)</pre>
          > summary(temp)
                         데이터셋: swiss, 종속변수: Fertility
          Call:
          lm(formula = Fertility ~ ., data = swiss)
          Residuals:
              Min
                           Median
                                       30
                                              Max
          -15.2743 -5.2617
                           0.5032
                                   4.1198 15.3213
          Coefficients:
                         Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
                                                                ■ 각 변수의 회귀계수의 p-value
          (Intercept)
                                  10.70604
                                            6.250 1.91e-07 ***
                         66.91518
                                                                ■ 유의수준 95%에서
                                           -2.448 0.01873 *
          Agriculture
                         -0.17211
                                   0.07030
독립변수
          Examination
                                                                  0.05 보다 작을 때 유의미
                         -0.25801
                                   0.25388
                                           -1.016
                                                  0.31546
                                           -4.758 2.43e-05 ***
          Education
                         -0.87094
                                   0.18303
                                                                Examination만 무의미
                                   0.03526
                                           2.953
          Catholic
                         0.10412
                                                  0.00519 **
          Infant.Mortality 1.07705
                                   0.38172
                                            2.822
                                                  0.00734 **
          Signif. codes:
                                                        df = 41
          0 '*** 0.001 '** 0.01 '* 0.05 '.' 0.1 ' '1
                                                        ■ n = df + 6(변수개수) = 47
          Residual standard error: 7.165 on 41 degrees of freedom
 결정계수[Multiple R-squared: 0.7067,]
                                       [Adjusted R-squared: 0.671 ] 수정결정계수
          F-statistic: 19.76 on 5 and 41 DF, p-value: 5.594e-10
                                                                F 통계량의 p-value, 결과의 유의미
```

## > summary(Wage)

year	age	maritl	race	education
1st Qu.:2004 Median :2006 Mean :2006 3rd Qu.:2008	1st Qu.:33.75		1. White:2480 2. Black: 293 3. Asian: 190	

## education은 범주형 변수

```
> result <- lm(wage ~ education, Wage)</pre>
      > summary(result) 데이터셋 : Wage, 종속변수 : wage, 독립변수 : education
      Call:
      lm(formula = wage ~ education, data = Wage)
      Residuals:
         Min
                 1Q Median 3Q Max 회귀계수:
      -112.31 -19.94 -3.09 15.33 222.56 → 종속변수 wage와의 관계를
                                           나타내는 값
      Coefficients:
                              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
y절편→(Intercept)
                                84.104
                                          2.231 37.695 < 2e-16 ***
      education2. HS Grad
                                11.679 2.520 4.634 3.74e-06 ***
                                                                   회귀식의 모든 변수가
      education3. Some College
                                23.651 2.652 8.920 < 2e-16 ***
                                                                   통계적으로 유의미
 변수
      education4. College Grad
                                40.323 2.632 15.322 < 2e-16 ***
      education5. Advanced Degree
                                66.813
                                          2.848 23.462 < 2e-16 ***
     education에 대한 더미 변수
                                  *' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' '1
     더미 변수 개수 = 범주개수 - 1
      Residual standard error: 36.53 on 2995 degrees of freedom
      Multiple R-squared: 0.2348, Adjusted R-squared: 0.2338
      F-statistic: 229.8 on 4 and 2995 DF, p-value: < 2.2e-16
                                n = 2995 + 5
```

> summary(lm(Salary ~., data=Hitters))

#### Call:

lm(formula = Salary ~ ., data = Hitters

#### Residuals:

Min 1Q Median 3Q Max -907.62 -178.35 -31.11 139.09 1877.04

Division이 범주형 변수이기 때문에 더미변수(dummy)로 만들어져 사용됨 DivisionW 일 때 1, DivisionE 일 때 0

- DivisionW의 Estimate가 음수이기 때문에 E인 선수에 비해 W인 선수가 평균적으로 Salary가 낮게 됨
- 만일, DivisionW가 양수였다면 E인 선수에 비해 평 균적으로 Salary가 높게 됨
- lm을 이용해서 선형 회귀 분석을 했는데, Multiple R-squared 가 0.5461로 점수가 매우 낮음
- 따라서 선형인지 아닌지 알 수 없음

#### Coefficients:

		Estimate	Std. Error	t value	Pr(> t )	
	(Intercept)	163.10359	90.77854	1.797	0.073622	
	AtBat	-1.97987	0.63398	-3.123	0.002008	**
	Hits	7.50077	2.37753	3.155	0.001808	**
	HmRun	4.33088	6.20145	0.698	0.485616	
	Runs	-2.37621	2.98076	-0.797	0.426122	
	RBI	-1.04496	2.60088	-0.402	0.688204	
	Walks	6.23129	1.82850	3.408	0.000766	***
	Years	-3.48905	12.41219	-0.281	0.778874	
	CAtBat	-0.17134	0.13524	-1.267	0.206380	
	CHits	0.13399	0.67455	0.199	0.842713	
	CHmRun	-0.17286	1.61724	-0.107	0.914967	
	CRuns	1.45430	0.75046	1.938	0.053795	
	CRBI	0.80771	0.69262	1.166	0.244691	
	CWalks	-0.81157	0.32808	-2.474	0.014057	*
범	LeagueN	62.59942	79.26140	0.790	0.430424	
주(	DivisionW	-116.84925	40.36695	-2.895	0.004141	**
' 형	PutOuts	0.28189	0.07744	3.640	0.000333	***
6	Assists	0.37107	0.22120	1.678	0.094723	
	Errors	-3.36076	4.39163	-0.765	0.444857	
	NewLeagueN	-24.76233	79.00263	-0.313	0.754218	

Signif. codes: 0 '\*\*\* 0.001 '\*\* 0.01 '\* 0.05 '.' 0.1 ' '1

Residual standard error: 315.6 on 243 degrees of freedom (결측으로 인하여 59개의 관측치가 삭제되었습니다.)

Multiple R-squared: 0.5461, Adjusted R-squared: 0.5106 F-statistic: 15.39 on 19 and 243 DF, p-value: < 2.2e-16

#### 다중 선형 회귀 - 변수 선택

```
> model <- lm(Salary~., data=Hitters)</pre>
> step(model, direction='backward')
Start: AIC=3046.02
Salary ~ AtBat + Hits + HmRun + Runs + RBI + Walks + Years +
   CAtBat + CHits + CHmRun + CRuns + CRBI + CWalks + League +
   Division + PutOuts + Assists + Errors + NewLeague
                Df Sum of Sq
                                  RSS
                                         AIC

    CHmRun

                        1138 24201837 3044.0
    - CHits
                        3930 24204629 3044.1
    - Years
                        7869 24208569 3044.1
                        9784 24210484 3044.1
    - NewLeague 1
                       16076 24216776 3044.2
    - RBI
    - HmRun
                       48572 24249272 3044.6
                 1 58324 24259023 3044.7
    - Errors
                       62121 24262821 3044.7

    League

                       63291 24263990 3044.7
    - Runs
    - CRBI
                      135439 24336138 3045.5

    CAtBat

                      159864 24360564 3045.8
                             24200700 3046.0
    <none>
    - Assists
                      280263 24480963 3047.1
    CRuns
                      374007 24574707 3048.1
    - CWalks
                      609408 24810108 3050.6
    - Division
                      834491 25035190 3052.9
    - AtBat
                 1 971288 25171987 3054.4
    - Hits
                 1 991242 25191941 3054.6
    - Walks
                 1 1156606 25357305 3056.3
                     1319628 25520328 3058.0
    - PutOuts
```

- direction='backward' 이므로 후진 제거법
- 후진 제거법은 모든 설명변수가 포함된 모형에서 시작
- 한 번 제거된 변수는 다시 모형에 포함될 수 없음
- 변수 선택에 있어 AIC가 작을 수록 좋은 평가이므로, AIC가 작아지게 되는 변수를 제거하게 된다

#### 로지스틱 회귀

```
> model = glm(default ~ ., data=Default, family=binomial)
> summary(model)
                 종속변수: default, 2항분류
Call:
glm(formula = default ~ ., family = binomial, data = Default)
Deviance Residuals:
             10 Median
   Min
                                     Max
-2.4691 -0.1418 -0.0557 -0.0203 3.7383
Coefficients:
             Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
(Intercept) -1.087e+01 4.923e-01 -22.080 < 2e-16 ***
studentYes -6.468e-01 2.363e-01 -2.738 0.00619 **
            5.737e-03 2.319e-04 24.738 < 2e-16 ***
balance
            3.033e-06 8.203e-06 0.370 0.71152
income
Signif. codes:
0 '*** 0.001 '** 0.01 '* 0.05 '.' 0.1 ' 1
(Dispersion parameter for binomial family taken to be 1)
   Null deviance: 2920.6 on 9999 degrees of freedom
Residual deviance: 1571.5 on 9996 degrees of freedom
AIC: 1579.5
                             n = 10000
Number of Fisher Scoring iterations: 8
```

### 🖛 로지스틱 회귀 (분류)

student가 범주형 변수이기 때문에 더미변수(dummy)로 만들어져 사용됨 studentYes 일 때 1, studentNo 일 때 0

student 값이 Yes 일 때, default를 감소 시킴 default = -1.087e+01 -6.468e-01\*studentYes

+ 5.737e-03\*balance

+ 3.033e-06\*income

student값이 No 일 때, default를 변화시키지 않음 default = -1.087e+01

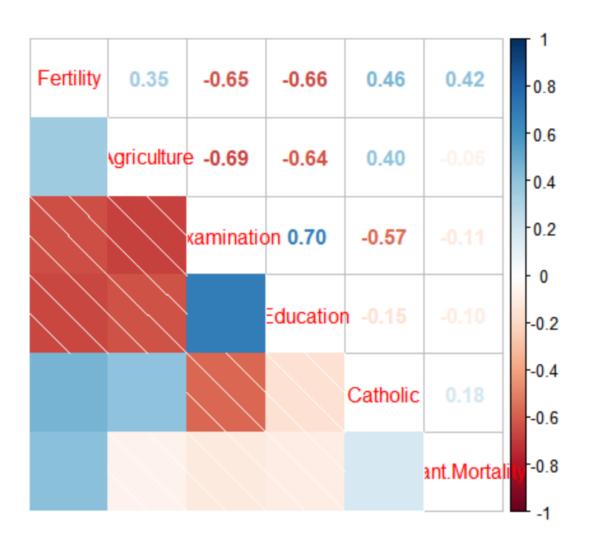
+ 5.737e-03 \* balance

+ 3.033e-06\*income

### 상관 계수

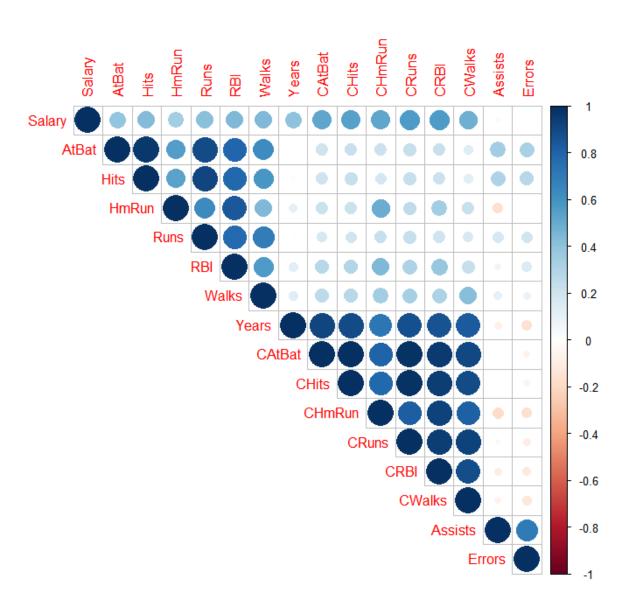
- **상관 계수** 값의 범위는 -1부터 +1까지입니다.
- **계수**의 절대값이 클수록 변수 사이에 강한 **관계**가 있습니다.
- **피어슨 상관**의 경우 절대값 1은 완전한 **선형 관계**를 나타냅니다.
- 0에 가까운 **상관** 값은 변수 사이에 **선형의 상관 관계**가 없음을 나타냅니다.
- 상관계수가 0이라는 것은 아무런 관계가 없다는 것이 아니라 , '선형의 상관 관계가 아니다'선로 해석

## 상관계수 그래프 (corrplot)



- 시험(Examination)과 가장 상관관계가 높은 변수는 교육수준 (Education)이다
- 교육수준(Education)이 높을수록 출산율(Fertility)은 낮아진다
- 출산율(Fertility)과 농업인구 비율(Agriculture)은 선형관계를 보인다
- 틀림 : 출산율(Fertility)은 시험(Examination)과 가장 높은 음의 상관관계를 가진다

## 상관계수 그래프 (corrplot)



#### 동그라미의 크기가 크고, 짙은 색상일 수록 높은 상관관계

- Salary와의 상관계수가 작은 변수 중 하나는 Errors이다
- Salary와 Errors의 산점도에서는 선형성이 나타나지 않을 것이다.
- Salary를 종속변수로 나머지 변수들을 독립변수로 하는 회귀모형을 적합할 때 다중공선성이 존재할 가능성이 크 다
- 틀림:Salary와 CRuns의 상관계수는 통계적으로 유의하다

Salary, Errors 의 상관계수를 보면 거의 흰색으로 보이지 않습니다. 즉, 0에 가깝다는 것이며, 이런 경우 선형성이 없다고 판단할 수 있습니다.

여러 변수들이 진하고 검은 동그라미로 색칠된 관계 (-1 또는 1) 인 것을 볼 수 있습니다. 이런 경우 다중 공선성이 존재한다고 할 수 있습니다.

#### 카이제곱 독립성 검정

> table(Default\$default, Default\$student)

| No Yes | student | No Yes | Student | No | 6850 | 2817 | Yes | 206 | 127 |

> chisq.test(Default\$default, Default\$student)

#### 카이제곱 검정 (Chi square test)

- 범주형 자료로 구성된 데이터 분석에 사용
- 관찰된 빈도가 기대되는 빈도와 유의한 차이가 있는지 검증
- 카이제곱값 $(\chi^2) = \sum (관측값 기댓값)^2/기댓값$

Pearson's Chi-squared test with Yates' continuity correction

data: Default\$default and Default\$student
X-squared = 12.117, df = 1, p-value = 0.0004997

default(연체)에 대한 학생, 비학생의 독립성 검정

p-value가 0.05보다 작으므로 귀무가설 기각 대립가설 채택

- → 연체와 학생은 서로 독립이 아니다.
- **→** 연체와 학생의 차이가 5% 유의 수준에서 존재한다!

#### 카이제곱 검정 중 독립성 검정

■ Contingency table에 있는 두 개 이상의 변수가 서로 독립인지 검정

■ 귀무가설 : 두 변수는 차이가 없음 (독립0, 관계X)

■ 대립가설 : 두 변수는 차이가 있음 (독립X, 관계0)

귀무가설 : 연체와 학생은 서로 독립이다.

대립가설 : 연체와 학생은 서로 독립이 아니다.

#### 회귀모형의 anova

Cars 데이터에서 속도(speed)와 제동거리(dist)의 관계를 회귀모형으로 추정한 것이다. (회귀모형의 유의성 분석)

- 회귀계수는 5% 수준에서 유의하다
- 관측치는 48 + 2 이다 (Residuals df + 변수 2개)
- 결정계수 = SSR/SST= ((21186) / (21186 +11354)) = 0.651
- 오차 분산의 불편추정량은 'MSE' 오차제곱평균으로, Mean Sq 와 Residuals가 교차되는 지점에 235.6 이라고 써 있음

## 의사결정나무 - 불순도 측정

- 지니 지수, 엔트로피 지수:
  - '자체가 불순도를 의미'함
  - 따라서 작은 값을 선택해야 함, 불순도가 작다는 것이 순수도가 높아지며
  - '순수도가 높은 것을 분류를 잘한 것'으로 봄
  - 엔트로피 지수는 p=0.5 (확률이 0.5)일 때 가장 불순도가 높은 것임
- 카이제곱통계량의 p-value :
  - 카이제곱통계량을 구할 때 '동질성 검사'를 사용함, 즉 동질성 검사의 결과임
  - 동질성 검사의 가설
    - 귀무 : A의 종류에 따라 B가 같다
    - 대립 : A의 종류에 따라 B가 다르다 '대립가설이 채택' 되어야 함
    - (대립가설이 채택되면 : 어떤 독립변수를 사용해서, 종속변수의 구분이 잘 된다는 뜻)
  - Chi-Square 값이 클 수록 p-value가 작음의 의미
  - p값이 작을수록 자식노드 내의 이질성이 큼을 나타냄 ('카이제곱 이용시, 이질성이 커야 좋음')

## 의사결정나무 - 불순도 측정

의사결정나무에서 [A], [B], [C] 노드가 있고 [A노드 Good:50, Bad:50], [B노드 Good:10, Bad:40], [C노드 Good:20, Bad:30] 일 때, B노드의 지니 지수를 구하시오.

- B노드의 지니지수를 구하라고 했으니 [B노드 Good:10, Bad:40] 으로 구하시면 됩니다.
- 지니지수 =  $1 \sum P(i)2 = 1 ((1/5)^2 + (4/5)^2) = 1 (1/25 + 16/25) = 1-17/25 = 8/25 = 0.32$
- Good 과 Bad의 합이 50 이고, Good이 10, Bad 가 40 이어서 Good은 10/50 = 1/5 로 보고 Bad 는 40/50 = 4/5 로 한 것입니다.

## 정밀도(Precision)

오분류표에서 실제/예측 True와 실제/예측 False가 100으로 동일하다고 한다. 민감도가 0.8이라고 할 때, 정밀도(Precision)은 얼마인가?

민감도(Sensitivity) = 실제 True인 것 중에 예측도 True로 한 것

$$= \frac{TP}{TP + FN} = 0.8 \qquad \frac{10*(TP + FN)*TP}{TP + FN} = \frac{8}{10}*(TP + FN)*10, \ 10TP = 8TP + 8FN \implies TP = 4FN$$

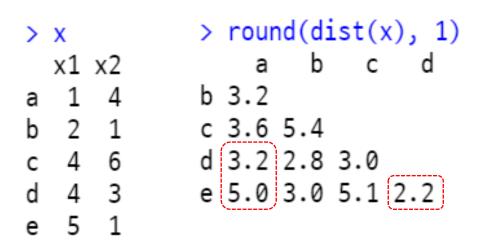
민감도가 0.8이면 TP=4FN이다.

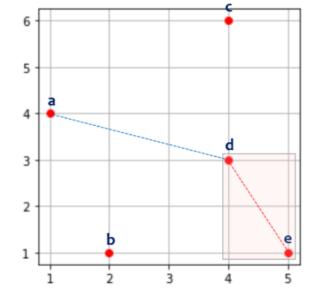
실제/예측 True와 실제/예측 False가 100으로 통일이라면 아래와 같이 된다. TP+FP=100, FN+TN=100, TP+FN=100, FP+TN=100 이 중 TP+FN=100에서 FN=20, TP=80이다. 그러면 FP=20, TN=80이므로 Precision(예측이 True인 것 중 실제도 True인 것)을 구하면 TP/(TP+FP)=80/100=0.8이다.

실\예	True	False
True	TP	FN
False	FP	TN

#### 계층적 군집 - 최단연결법

데이터셋 x는 두 개의 변수와 5개의 관측치를 가지며 아래는 데이터와 관측치 간의 유클리드 거리를 나타낸다. <mark>최단연결법을</mark> 사용하여 계층적 군집화를 할 때 첫 단계에서 형성되는 군집과 관측치 a와의 거리를 구하시오



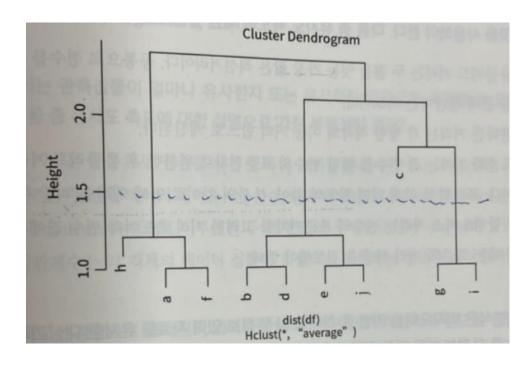


- 1. 첫 단계에서 형성되는 군집을 dist(x)의 결과에서 찾습니다.
  - → 값이 가장 작은 것 {d, e} : 2.0
- 2. 문제에서 '최단연결법'이라고 했기 때문에 {d, e} 군집과 a의 거리는 d 와 e 중에서 a와 더 가까운 것과의 거리가 됩니다.
  - → dist(x)의 결과를 보면 a와 d의 유클리드 거리가 3.2 라고 표기 되어 있습니다.

답: 3.2

#### 계층적 군집 - 덴드로그램

아래 그림은 평균연결법을 통한 계층적 군집화 예제이다. 데이터 분석 목적 상 Height값을 1.5를 기준으로 하위 군집을 구성할 때 다음 중 생성된 하위 군집을 가장 잘 나타낸 것은?

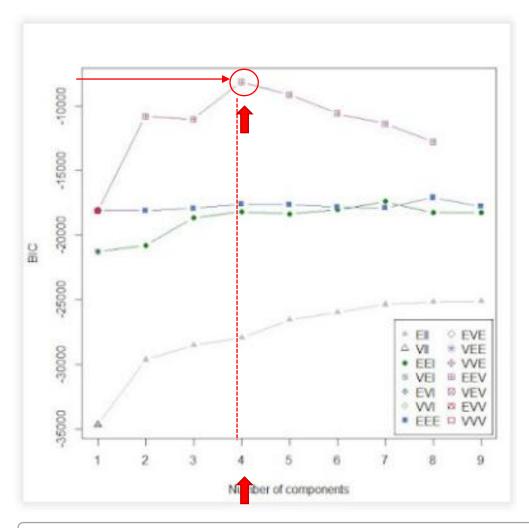


- 덴드로그램에서 c 쪽이 위에 걸려 있지만 아래로 선을 그려서 생각해 주셔야 합니다.
- 즉, Height 1.5의 경우 4개의 군집이 되는 것입니다.
- 그래프가 그려질 때 더 이상 분리 되지 않는 경우 선이 아래까지 그려지지 않아서 그런 것입니다.
- 문제 오류 아님

{c} 가 1.5 선 위에 있지만 그렇다고 군집이 아닌 것은 아니다 (= 군집이다!)

답: {h,a,f}, {b,d,e,j}, {c}, {g,i}

# 군집분석 결과



최적의 군집수는?

BIC 값이 가장 큰 것의 x축 값을 읽어 주시면 됩니다. BIC 값이 Y 축에 있으며, 그림에서 위쪽으로 갈 수록 값이 커지는 것을 볼 수 있습니다.

## 군집, 분류 분석의 구분

분류분석과 군집분석을 어떻게 구분 할 수 있나요??

- 이질적인 모집단을 세분화 ==> 군집, 서로 다른 특성을 갖는 것으로 나누는 것입니다.
- 분류 분석은 '지도 학습'이기 때문에 정답에 맞는 특성을 학습하고 그 구분되는 특성에 따라 class를 나누는 것입니다.
- 군집은 기준이 없고, 분류는 기준이 있습니다.

다음 데이터 마이닝의 대표적인 기능 중 이질적인 모집단을 세분화하는 기능으로 적절한 것은?

→ 군집분석

에어컨 회사에서 지역별 온도, 습도에 따라 고객군을 나눠서 마케팅 전략을 수립할 때 분석 방법은?

→ 분류분석

#### 시계열 모형

시계열 모형의 여러 종류 중 아래에서 설명하는 것은 무엇인가?

- 가) 시계열 모델 중 자기 자신의 과거 값을 사용하여 설명하는 모형임
- 나) 백색 잡음의 현재 값과 자기 자신의 과거 값의 선형 가중합으로 이루어진 정상 확률 모형
- 다) 모형에 사용하는 시계열 자료의 시점에 따라 1차, 2차, ..., p차 등을 사용하나 정상시계열 모형에서는 주로 1, 2차를 사용함

## AR 모델

7.2.1 AR 모델

AR(AutoRegression)(자기 회귀) 모델은 이전 관측 값이 이후 관측 값에 영향을 준다는 아이디어에 대한 모형으로 자기 회귀 모델이라고도 합니다. AR에 대한 수식은 다음과 같습니다.

$$\frac{Z_{t}}{\bigcirc} = \frac{\Phi_{1}Z_{t-1} + \Phi_{2}Z_{t-2} + \dots + \Phi_{p}Z_{t-p} + a_{t}}{\bigcirc}$$

①은 시계열 데이터에서 현재 시점을 의미하며, ②는 과거가 현재에 미치는 영향을 나타내는 모수(Φ)에 시계열 데이터의 과거 시점을 곱한 것입니다. 마지막으로 ③은 시계열 분석에서 오차 항을 의미하며 백색 잡음이라고도 합니다. 따라서 수식은 p 시점을 기준으로 그 이전의 데이터에 의해 현재 시점의 데이터가 영향을 받는 모형이라고 할 수 있습니다.

### 퍼스널 빅데이터

- 퍼스널 빅데이터는 나와 관련된 주변 데이터까지 모두 수집합니다.
- 이동, 구매, 식사 같은 실생활 패턴 외에도 웹이나 소셜 로그 같은 온라인 활동을 포함합니다.
- 혈압, 간 수치, 혈액형 같은 건강검진 기록부터 끼니별 식사 메뉴, 수면 시간, 일하는 시간, 카드 기록, 소비 습관 같은 생활 데이터 책이나 TV를 볼 때 눈동자의 시선이 어떻게 움직이는지 같은 생체 데이터 등 사람에게서 나올 수 있는 모든 데이터를 퍼스널 빅데이터라고 합니다.

기업들이 퍼스널 빅데이터로 가치를 창출하려고 한다. 퍼스널 빅데이터에는 건강정보, 행태정보, 감정정보 등이 있다. 다음 중 행태정보에 속하지 않는 것은? : 주간별 운동량, 하루 중 통화 빈도, 여름에 판매량이 느는 상품, 연중 정당별 선호도 변화

- 행태정보는 개인 이용자의 활동에 따른 정보라고 할 수 있습니다.
  - → 그런데 연중 정당별 선호도 변화는 개인의 활동정보로 보기에 적합하지 않는 내용으로 보입니다.

### 분산 구하기

100명의 키를 cm으로 측정한 데이터의 분산이 225였다. 동일한 100명의 키를 m로 측정한다면 데이터의 분산은 얼마인가?

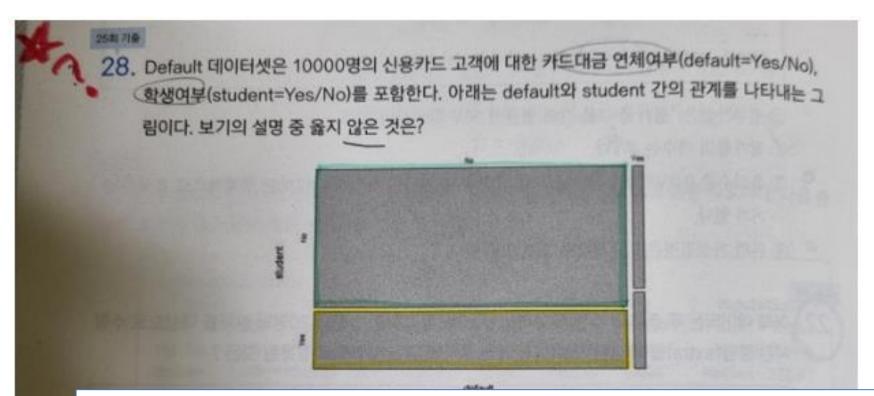
예를 들어 cm 데이터가 [100, 200] 이라고 생각하고 분산을 구합니다. cm와 m의 단위 차이가 100이기 때문에 100 단위로 만들었습니다. 그러면 평균이 150 이기 때문에 분산은 = ((150-100)^2 + (150-200)^2) / 2 = (50^2 + 50^2) / 2 = 2500

이제, 단위를 m로 변경하면 [1, 2] 가 됩니다. 평균이 1.5 이기 때문에 분산은 = ((1.5-1)^2 + (1.5-2)^2) / 2 = (0.5^2 + 0.5^2) / 2 = 0.25

즉, 10000 배의 차이를 보인다는 것을 알 수 있습니다. 분산 식에 제곱이 들어가기 때문이죠. => 100^2, 1^2 => 10000, 1

답 : 225를 10000으로 나눈 값 0.0225 가 됩니다.





Default 데이터셋은 학생여부와 연체여부에 대해서 관계를 알아보기 위한 데이터로, 그림은 '모자이크 플롯' 에 대한 것입니다.

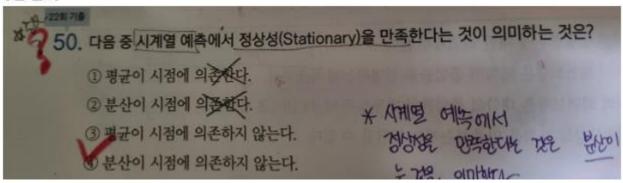
https://colab.research.google.com/drive/1VmixW\_RYpn8\_XycGAjgqSCZ00sR-\_8Ke#scrollTo=5DPxjbEaA4Jg 을 참조하시면 좋습니다.

면적이 넓은 것이 더 많은 비율인 것입니다.

먼저 학생이 아닌 경우가 학생인 경우보다 면적이 넓은 것을 볼 수 있습니다. 따라서 학생이 아닌 고객이 더 많은 것입니다. (student No가 더 큰 면적)

학생인 경우도, 학생이 아닌 경우도 연체(default)가 없는 쪽이 면적이 넓고.

연체인 경우도, 연체가 아닌 경우도 학생이 아닌 경우가 더 많고, 학생인 경우가 더 적은 것을 볼 수 있습니다.



시계열 예측에서 정상성을 만족하는 경우는

- 1. 평균이 시점에 의존하지 않는다.
- 2. 분산이 시점에 의존하지 않는다.
- 3. 공분산이 시점에 의존하지 않고, 단지 시차에만 의존한다

라고 학습했는데, 해당 문제에서 3번과 4번 중 정답인 4번인 이유에 대해서 질문 드립니다!!

이게 참 애매한 것이 데이터 진흥원교재에 다음과 같이 설명이 나와 있습니다.

- 그래서 위의 문제에서는 4번이라고 답한 것으로 보입니다.
- 1. 평균이 일정하다
- 2. 분산이 시점에 의존하지 않는다
- 3. 공분산은 단지 시차에만 의존하고 시점 자체에는 의존하지 않는다

그런데 사실 평균이 시점에 의존하지 않는다가, 평균이 일정하다랑 같은 이야기로 생각되어 저 문항은 3, 4번 모두 답이 될 것 같습니다.

53. Data는 메이저리그에서 활약하는 263명의 선수에 대한 타자 기록으로 연봉(Salary)을 비롯한 17개의 변수를 포함하고 있다. 아래는 17개의 변수들을 사용하여 주성분분석을 시행한 결과이 다. 다음 설명 중 잘못된 것은?

- > pca=princomp(data,cor=TRUE)
- > summary(pca)

Importance of components:

Cumulative Proportion 0.4524547 0.6949227 0.7966195 0.8505539 0.89216822 0.92298014 0.95167354 0.96643244 0.97707042 0.363901982 0.312011679 0.243641510 0.232044829 0.163510472 0.1186398422 0.0693395039 Standard deviation Proportion of Variance 0.007789685 0.005726546 0.003491834 0.003167341 0.001572687 Cumulative Proportion 0.984860104 0.990586651 0.994078485 0.997245826 0.998818513 0.9996464785 0.9999293001

Comp.17

Standard deviation

3.466841e-02 2번의 가장 큰 분산설명력을 가지는 주성분은 Comp.1 입니다.

Proportion of Variance 7.069994e-05 그리고 Proportion of Variance 를 보면 0.4524547 이기 때문에 45.25% 를 설명한다고 할 수 있습니다. Cumulative Proportion 1.000000e+00 Princomp(data, cor=TRUE) 를 사용해서 상관행렬을 사용한 것입니다.

- ① 최소 80% 이상의 분산설명력을 갖기 위해서는 4개 이상의 주성분을 사용해야 한다. ()
- ② 가장 큰 분산설명력을 가지는 주성분은 전체 분산의 45.25%를 설명한다. ?
- ④ 17차원을 2차원으로 축소한다면 잃게 되는 정보량은 약 30.5%이다. (

46. College 데이터프레임은 777개의 미국 소재 대학의 각종 통계치를 포함하고 있다. 각 대학에 재학하는데 필요한 비용이 졸업률(Grad.Rate)에 미치는 영향을 알아보기 위해 등록금(Outstate), 기숙사비(Room.board), 교재구입비 (Books), 그 외 개인지출비용(Personal)을 활용하기로 했다. 다음 중 아래의 결과물에 대한 설명으로 가장 부적절한 것은?

```
> summary(lm(Grad.Rate~Outstate+Room.Board+Books+Personal,data=College))
 lm(formula = Grad.Rate ~ Outstate + Room.Board + Books + Personal,
Residuals:
            10 Median 30
   Min
-47.732 -8.817 -0.169 8.404 51.823
```

Coefficients:

Estimate Std. Error t value Pr(>|t|) (Intercept) 42.0238625 2.7721270 15.159 < 2e-16 \*\*\* 0.0020530 0.0001693 12.124 < 2e-16 \*\*\* Outstate Room.Board 0.0014194 0.0006108 2.324 0.020396 \* -0.0010694 0.0031341 -0.341 0.733032 ? (1) X Books

-0.0026798 0.0007929 -3.380 0.000762 \*\*\* Personal

Signif. codes: 0 '\*\*\*' 0.001 '\*\*' 0.01 '\*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1

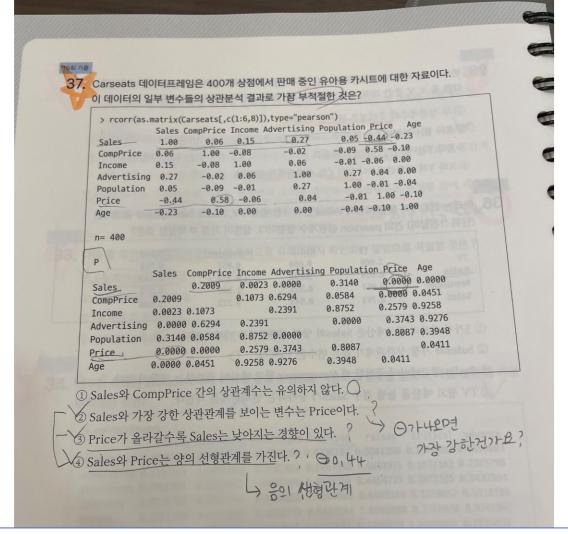
Residual standard error: 13.97 on 772 degrees of freedom Multiple R-squared: 0.3416, Adjusted R-squared: 0.3382 F-statistic: 100.1 on 4 and 772 DF, p-value: < 2.2e-16

1번: 각 설명변수의 회귀계수를 보셔야 합니다.

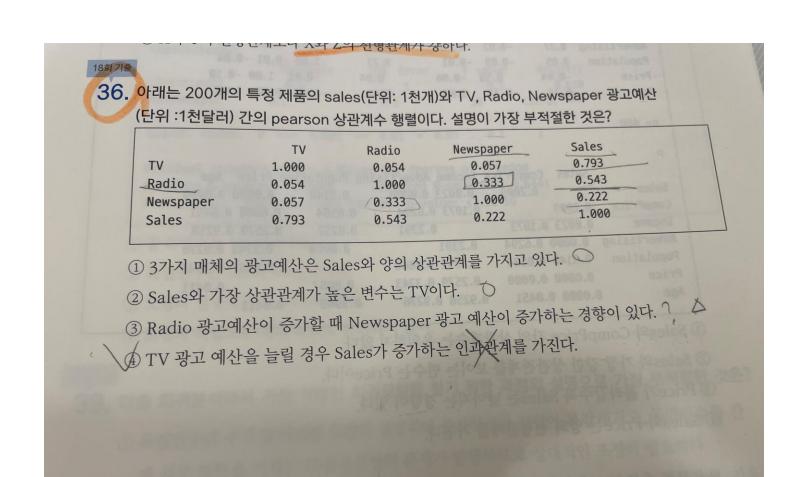
Books 의 경우 0.733032 로 0.05 보다 큰 값이기 때문에 유의하지 않습니다. 따라서 모든 설명변수에 대한 회귀계수 값이 유의하다는 것은 틀린 이야기입니다.

4번: R-squared의 점수가 0.3416 으로 작은 값이며 (1에 가까울 수록 가정을 만족함) 이것을 보고는 회귀 모형의 가정을 만족하는지 판단할 수 없습니다.

- ① 모든 설명변수에 대한 회귀계수 값이 유의하다. 🗸
- ② 위의 회귀모형은 대학의 졸업률을 설명하는데 유의하다.
- ③ 위의 회귀모형은 대학의 졸업률의 변동성은 약 34.16%를 설명한다.
- ④ 회귀모형의 가정을 만족하는지는 판단할 수 없다. 🛆



-1 또는 1에 가까운 값이면 강한 상관관계가 있다고 할 수 있습니다.



Radio와 Newspaper의 상관계수가 양의 상관관계이기 때문에, Radio 광고예산이 증가할 때, Newspaper의 광고 예산이 증가하는 경향이 있다는 것이 참이 되는 건가요?

=> 네 맞습니다. 양의 상관은 하나 증가시 다른 하나 증가, 하나 감소시 다른 하나도 감소인 경우의 관계입니다. 음의 상관은 하나 증가시 다른 하나가 감소하는 관계입니다. 158 기출

63. 아래는 College 데이터의 Grad.Rate 변수의 기초통계량을 계산한 결과이다. College 데이터의 Grad.Rate 변수의 몇 %가 78보다 큰 값을 가지는가?

summary(	College\$Grad.	Rate)			
min.	1st Qu.	Median	Mean	3rd Qu.	Max.
10.00	53.00	65.00	65.46	78.00	118.00

78은 3Q 이다. 3Q는 75% 위치에 있는 값으로 75%란 78보다 작은 값이 25%, 큰 값이 25% 있다는 의미입니다.

Summary 결과를 보면

최소값이 10.0 이며 이것이 0%

최대값이 118.0 이며 이것이 100% 위치입니다.

Median은 50% 위치이므로 65보다 작은 것이 50%, 큰 것이 50%라고 할 수 있습니다.

13회 기출

64. 아래 주성분분석의 결과에서 두 개의 주성분을 사용할 때 설명 가능한 전체 분산의 비율은?

> model<-princomp(Car) > summary(model) Importance of components: Comp.4 Comp.5 Comp.2 Comp.3 Comp.1 0.555 0.752 0.840 1.075 Standard deviation 1.503 0.061 0.113 0.141 0.231 Proportion of Variance 0.453 1.000 0.938 0.684 0.825 Cumulative Proportion 10.453

주성분 분석에서 두 개의 주성분을 사용한다는 것은 Comp.1, Comp.2를 같이 사용한다는 것입니다.

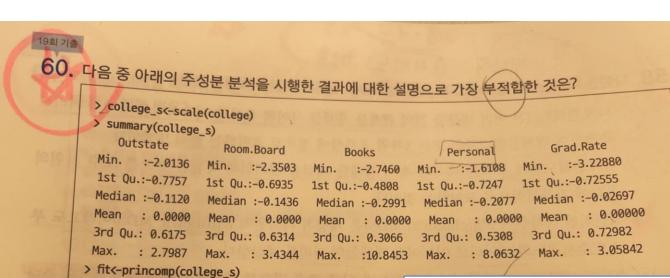
그리고 두 개의 주성분을 사용할 때의 분산 비율은 Cumulative Proportion을 보시면 되는데 Comp.2에 있는 수치를 보면 68.4% 인 것을 알 수 있습니다.

23.1%는 두 번째 주성분 하나만 사용했을 때의 분산비율입니다.

> 누끽비울

불산비율

?? (답: 68, 4 /、 왜 23, 101 아닌가요?



Loadings:

Books

> fit\$loadings

Comp.1 Comp.2 Comp.3 Comp.4 Comp.5 0.155 0.142 0.779 Outstate 0.587 Room.Board 0.531 0.230 0.155 0.574 -0.557 0.812 -0.561 -0.153 Personal -0.329 0.532 0.776

Grad.Rate 0.514 0.187 -0.789 -0.279

① 두 번째 주성분은 0.230\*Room.Board + 0.81

② 두 번째 주성분에 가장 큰 영향을 미치는 원변·

③ Personal 값이 클수록 첫 번째 주성분은 작아

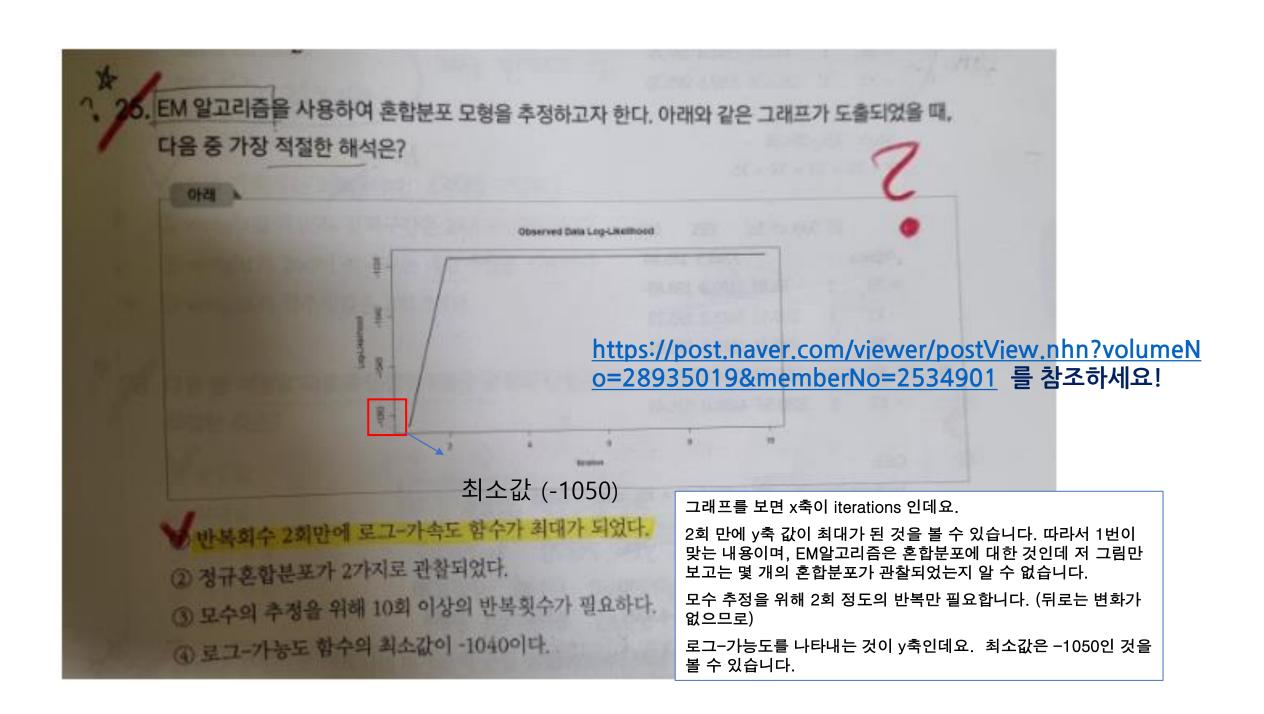
college\_s <- scale(college) # 평균을 0으로 분산을 1로 표준화한 것임 princomp(college\_s) # 공분산을 표준화한 것을 사용한 주성분 분석

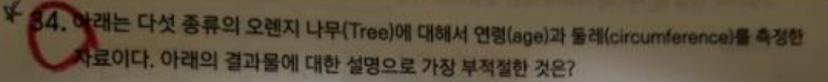
princomp(college, cor=T) # 상관행렬을 사용한 방법 (상관행렬은 공분산을 표준화한 것임) → 따라서 두 가지 방법은 같은 결과를 갖게 됨 (표준화된 공분산을 사용한 것)

Personal 값의 첫번째 주성분(Comp.1) 에서의 값을 보면 -0.329 이며 이것은 음수이므로 Personal 값이 커지면 첫 번째 주성분 값이 작아지게 된다.

(첫 번째 주성분의 회귀식이 y = 0.587 \*Outstate + 0.531 \* Room.Board - 0.329\* Personal + 0.514 \* Grad.Rate 이기 때문) - 회귀계수가 음수인 경우는 변수 값이 커지면 y값을 작게 만들게 되고. 양수인 경우는 변수 값이 커지면 v값을 크게 만들게 됩니다.

④ fit (-princomp(college, cor=T)의 결과는 위의 결과와 다르다.





#### のはア

> summary(Orange)

Tree age (TG) circumference 521

3:7 Min. : 118.0 Min. : 30.0

1:7 1st Qu.: 484.0 1st Qu.: 65.5

5:7 Median :1004.0 Median :115.0

2:7 Mean : 922.1 Mean :115.9

4:7 3rd Qu.:1372.0 3rd Qu.:161.5

Max. :1582.0 Max. :214.0

₩age는 Tree별로 평균이 유의한 차이가 없다고 할 수 있다. → 이긴 여부 있나..?

- o ② age의 평균은 922.1이다. (Mean)
- ? ③ 35개의 관측치를 포함하고 있다.
- o ④약 50%의 나무가 115보다 큰 둘레를 가지고 있다.

Tree 는 범주형 변수입니다.

Summary () =

Min, .. Max 가 나타나지 않고, 범주 : 개수 가 표시 되어 있으므로. 3,1,5,2,4 라는 것이 범주 이름이며 7이라는 것이 개수입니다. 즉 5가지의 범주에 각 7개의 나무가 있으므로 5\*7=35가 나무의 개수입니다.

```
y summary(lm(Salary-,hitters))
                                                                   D ① 전체 관측되는 데이터 개수가 263개다.
             - ., data - hitters)
                                                                      ③ 다른 설명변수가 일정할 때 CRBI(총타점)이 할수목 Salary가 높다. ( > 기본기 이트
 Residuats:
                                                                   ○ 각 설명 변수와 Salary의 관계가 선행인지 알 수 없다.
 987.62 -178.35 -31.11 139.09 1877.04
 Coeficients:
         Estimate Std. Error t value Proit()
 (Intercept) 163.18359 98.77854 1.797 0.873622
          -1.97987 8.63398 -3.123 0.882988 **
          7.58877 2.37753 3.155 0.801808 **
 Hits
          4.33088 6.28145 0.698 0.485616
          -2.37621
                2.98876 -0.797 0.426122
 REET.
                 2.68888 -0.482 8.588204
                                                        2번 : 뒷 페이지를 참조하세요 (뒷, 뒷페이지의 로지스틱 회귀도 봐두세요)
 Matks.
          6,23129
                 1.82850 3.488 8.008766 ***
          -3.48985 12.41219 -8.281 8.778874
 Years
                                                        4번 : lm 이므로 선형회귀분석을 한 것이고, 이것이 선형이라면 설명력이 높아야 하는데
          -0.17134 0.13524 -1.267 0.206380
 CATBUT
                                                        R-squared를 보면 0.5461 정도로 낮은 편입니다. (70 이상은 되야 설명력이 있다고 할 수
           0.13399
                 0.67455 0.199 0.842713
 Otits
          -0.17286
                  1.61724 -0.187 8.914967
 Otolun
                                                        있을듯요 - 주관적으로) 따라서 선형관계라고 보기는 힘든 상태입니다.
                  0.75046 1.938 8.853795
 CRuns
                  $.69262 1.166 8.244691
                                                        그리고 각 변수의 회귀계수를 봤을 때 t-value의 p-value 값이 0.05보다 큰 것들이 많이 있
 CRBI
                 8.32888 -2.474 8.814857 +
                                                        으므로 선형관계라고 보기 힘든 상태로 판단됩니다.
                 79.26148 0.798 0.438424
 Leaguelli
         11A.84925 49.36695 -2.895 8.884141 **
E Diviniors
                  0.87744 3.640 0.008333 ***
 PUIDUES.
                  8.22128 1.678 8.894723
 Assists
                 4.39163 -8.765 8.444857
 New Committee - 24,76733 79,00263 - 8,313 9,754218
 Signif. codes: 0 "*** 0.001 "** 0.01 "* 0.05 ", 0.1 " 1
 Residual standard error: 315.6 on 243 degrees of freedom
```

EMYS TO BUILD

Adjusted R-squared: 0.5186

Multiple R-squared: 0.5461,

F-statistic; 15-39 on 19 and 243 05, p-value: ( 7.2e-16