Concevez une application au service de la santé publique



# PLAN

- 1/ Présentation de la problématique
- 2/ Présentation du projet d'application
- 3/ Présentation du jeu de données
- 4/ Nettoyage du jeu de données et des données manquantes
- 5/ Exploration et analyse du jeu de données
- 6/ Statistiques
- 7/ Conclusion
- 8/ Suite du projet



### Appel à projets de Santé Publique France

Trouver des idées innovantes d'applications en lien avec **l'alimentation** 

#### Objectifs:

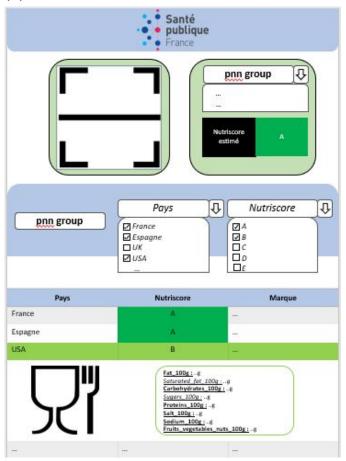
Participer à l'appel Proposer une solution d'application

#### Mission:

Démontrer la faisabilité de l'application à l'aide des données à disposition

#### Présentation du projet d'application

- Scanner les valeurs nutritionnelles d'un produit et choisir le groupe (pnn) du produit
- Estimation du nutriscore
- Liste de produits du même groupe (pnn) avec filtres (pays et nutriscore)



Fichier CSV très volumineux (>6.0Go)

## Lignes:

Produits enregistrés dans le jeu de données

## **Colonnes:**

Colonnes textuelles (code produit, pays, catégorie, nutriscore, nutrigrade etc.)

Colonnes numériques (valeurs des indicateurs nutritionnelles, nutrition score etc.)

Beaucoup de données manquantes

## Première étape

Conserver les colonnes avec taux de valeurs manquantes inférieures à un seuil (70%) : faciliter le chargement du jeu de données

Calculer du taux de données manquantes des colonnes du jeu de données en plusieurs paquets : résumé dans un tableau avec en index les colonnes et chaque colonne le taux pour chaque paquet

Calculer la moyenne de tous les paquets

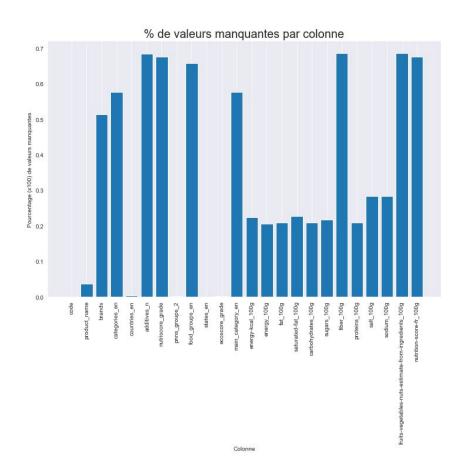
Filtrer les index avec le seuil

Suppression des colonnes identiques (conservation de la mieux remplie)

24 colonnes restantes

```
Index(['code', 'url', 'creator', 'created_t', 'created_datetime',
  'last_modified_t', 'last_modified_datetime', 'product_name', 'brands',
  'brands_tags', 'categories', 'categories_tags', 'categories_en',
  'countries', 'countries_tags', 'countries_en', 'ingredients_text',
  'ingredients_tags', 'additives_n', 'nutriscore_score',
  'nutriscore_grade', 'pnns_groups_1', 'pnns_groups_2', 'food_groups',
  'food groups tags', 'food groups en', 'states', 'states tags',
  'states_en', 'ecoscore_grade', 'main_category', 'main_category_en',
  'image_url', 'image_small_url', 'image_ingredients_url',
  'image ingredients small url', 'image nutrition url',
  'image nutrition small url', 'energy-kcal 100g', 'energy 100g',
  'fat 100g', 'saturated-fat 100g', 'carbohydrates 100g', 'sugars 100g',
  'fiber 100g', 'proteins 100g', 'salt 100g', 'sodium 100g',
  'fruits-vegetables-nuts-estimate-from-ingredients 100g',
  'nutrition-score-fr 100g'],
 dtype='object')
```

#### Nettoyage du jeu de données et des données manquantes



Taux de valeurs manquantes pour chaque colonne

## Deuxième partie :

Supprimer les lignes sans 'nutrition-score'

Attribuer 0 aux sous catégories si la catégorie a 0 et sous catégorie est manquante

Supprimer les lignes où la somme valeurs nutritionnelles > 100g

Supprimer les lignes sans catégorie de produits

Supprimer les dupliqués (conserver le mieux rempli)

Supprimer les lignes où valeurs nutritionnelles < 0g et > 100g

## • Deuxième partie (suite) :

Supprimer les lignes où sous catégorie > catégorie

Supprimer les lignes où valeurs nutritionnelles < 0g et > P99

Supprimer les lignes où *'energy-kcal\_100g'* > 900

Supprimer les lignes où *'nutrition-score'* < -15 et > 40

## • <u>Troisième partie:</u>

Imputer les valeurs nutritionnelles manquantes avec Iterativelmputer

Refaire le cycle de nettoyage de la deuxième partie

Calculer 'energy\_kcal\_100g' et convertir pour obtenir 'energy\_kJ\_100g'

Calculer le nutriscore à partir du 'nutrition\_score'

#### Nettoyage du jeu de données et des données manquantes

 Utilisation d'IterativeImputer : les valeurs nutritionnelles sont liées entre elles

#### Relation 'fat' - 'proteins'

|               | coef   | std err | t       | P> t  | [0.025 | 0.975] |
|---------------|--------|---------|---------|-------|--------|--------|
| Intercept     | 8.7741 | 0.026   | 338.263 | 0.000 | 8.723  | 8.825  |
| proteins_100g | 0.5115 | 0.002   | 222.708 | 0.000 | 0.507  | 0.516  |

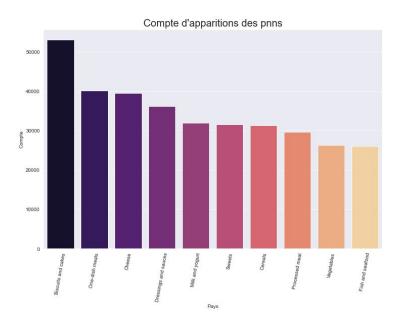
## Relation 'carbohydrates' - 'fiber'

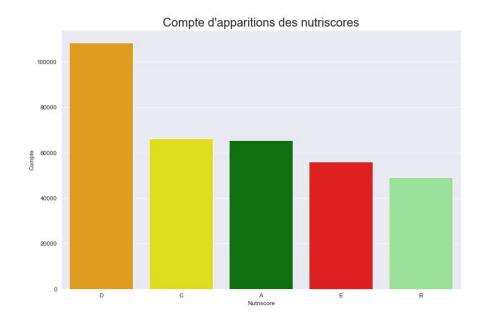
|            | coef    | std err | t       | P> t  | [0.025 | 0.975] |
|------------|---------|---------|---------|-------|--------|--------|
| Intercept  | 21.2483 | 0.051   | 417.754 | 0.000 | 21.149 | 21.348 |
| fiber_100g | 3.6633  | 0.015   | 248.576 | 0.000 | 3.634  | 3.692  |

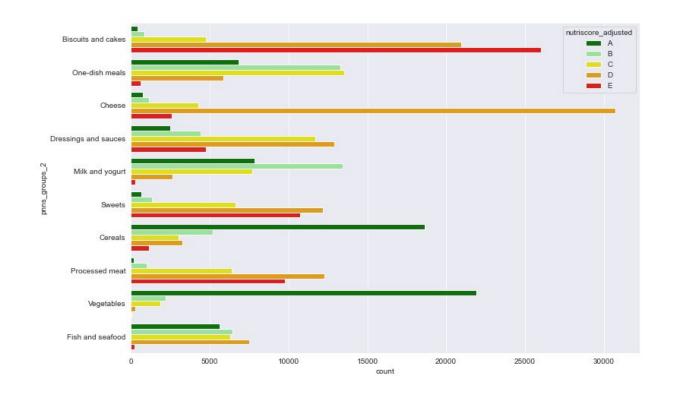
#### Relation 'sugar' - 'salt"

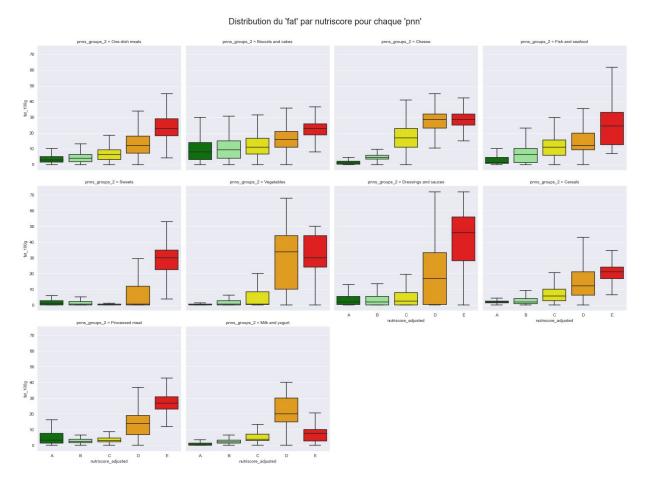
|           | coef    | std err | t        | P> t  | [0.025 | 0.975] |
|-----------|---------|---------|----------|-------|--------|--------|
| Intercept | 15.5712 | 0.025   | 632.678  | 0.000 | 15.523 | 15.619 |
| salt_100g | -4.9473 | 0.019   | -256.716 | 0.000 | -4.985 | -4.910 |

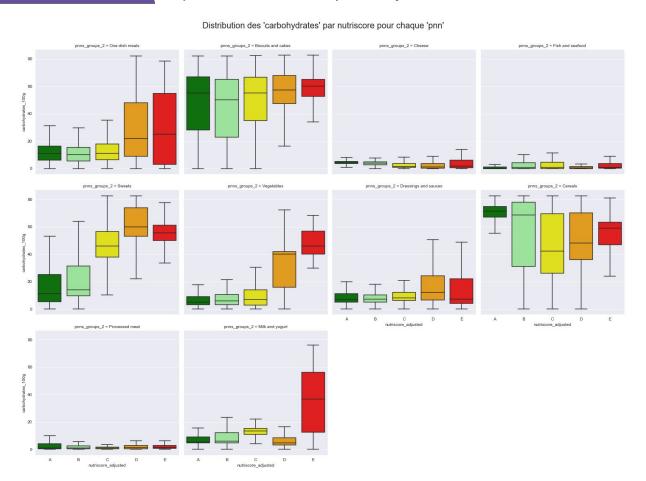
 Réalisons une exploration et analyse macroscopique sur les 10 groupes 'pnn' les plus représentés

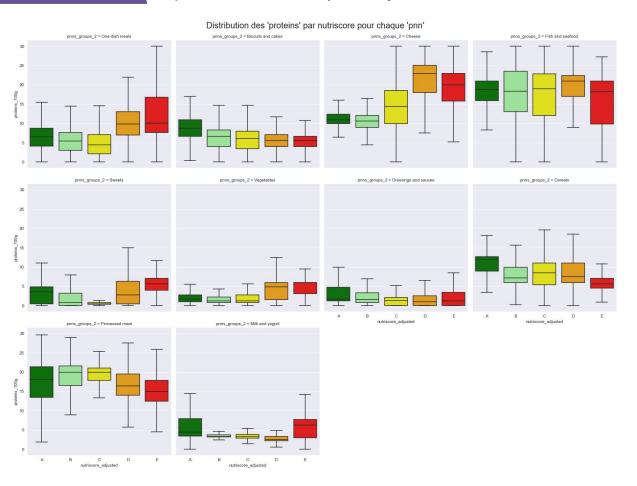


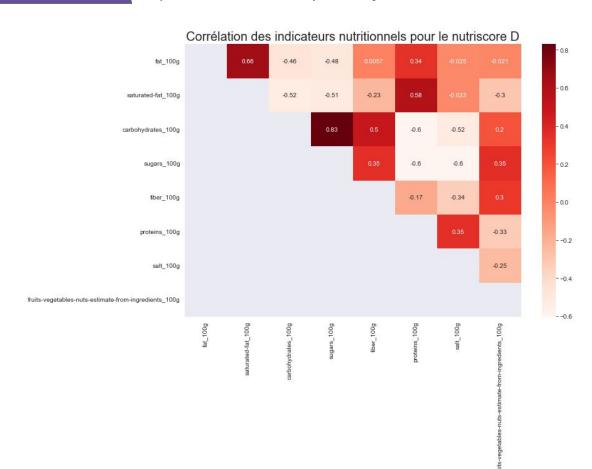


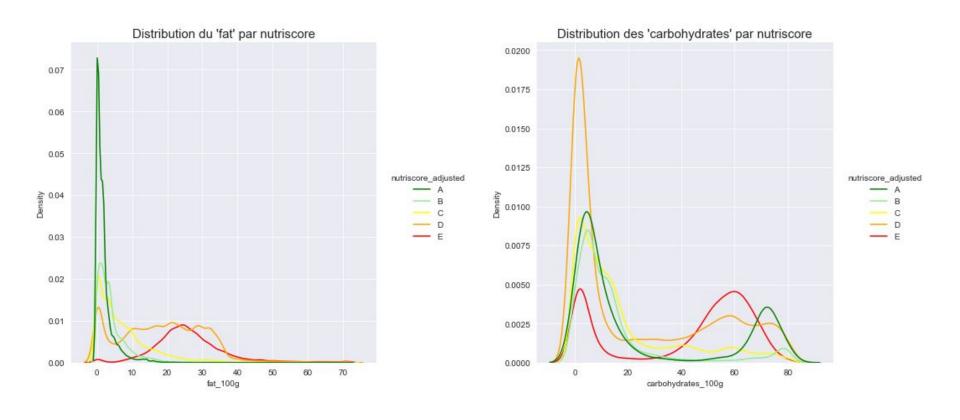


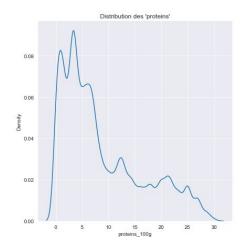


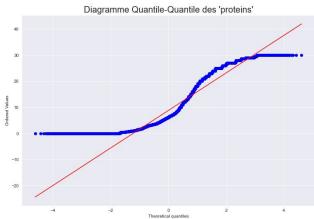










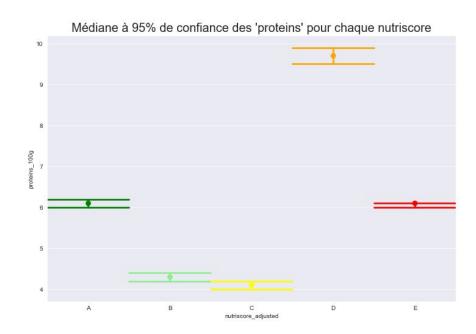


 Test de normalité (test de Jarque-Bera) sous l'hypothèse H0, la distribution suit une loi normale, à un niveau de confiance de 95%

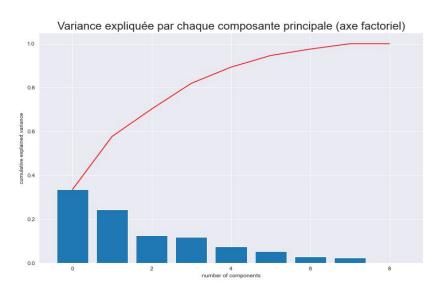
p-value < 0.05, on rejette donc H0

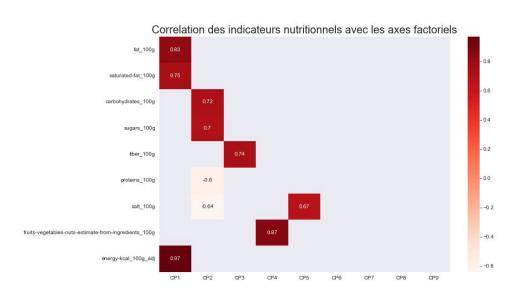
- Distribution dans plusieurs groupes (nutriscores)
- Test non paramétrique de Kruskal-Wallis sous l'hypothèse H0, la distribution est la même dans tous les groupes, à un niveau de confiance de 95%

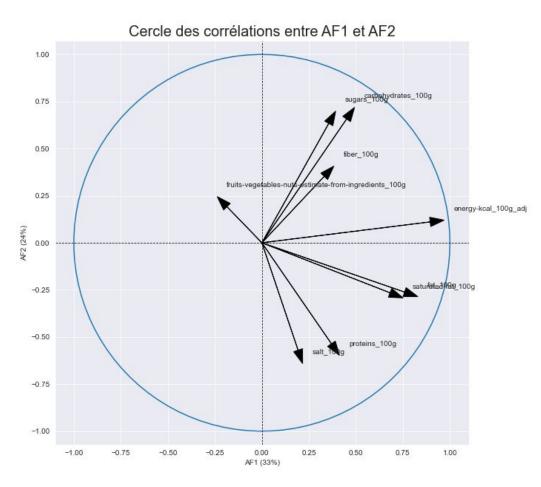
p-value < 0.05, on rejette donc H0



 Réaliser une ACP (Analyse en composantes principales) afin de réduire les dimensions du jeu de données et obtenir une meilleure visualisation

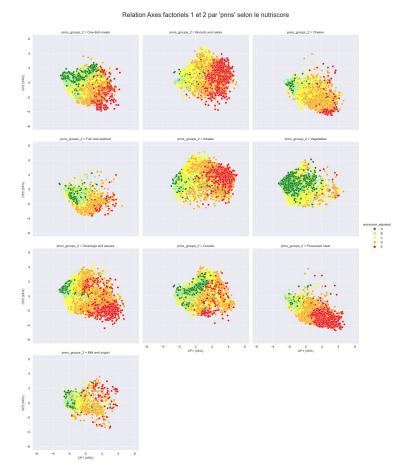




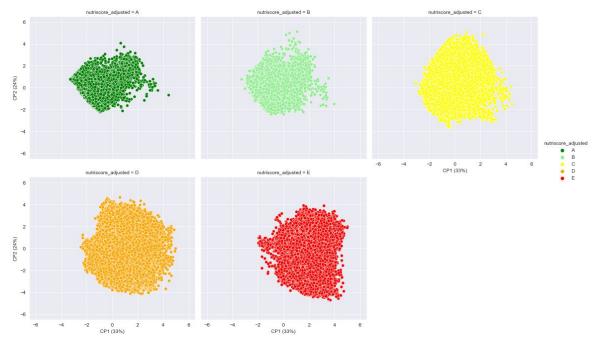


- AF 1 est caractérisé par :
  *'energy\_kcal'* (+)
  *'fat'* (+)
  *'saturated\_fat'* (+)
- AF 2 est caractérisé par : 'carbohydrates' (+) 'sugars' (+) 'proteins' (-) 'salt' (-)

- AF 1 est caractérisé par :
  *'energy\_kcal'* (+)
  *'fat'* (+)
  *'saturated\_fat'* (+)
- AF 2 est caractérisé par :
  *'carbohydrates'* (+)
  *'sugars'* (+)
  *'proteins'* (-)
  *'salt'* (-)







- AF 1 est caractérisé par :
  "energy\_kcal" (+)
  "fat" (+)
  "saturated\_fat" (+)
- AF 2 est caractérisé par :
  *'carbohydrates'* (+)
  *'sugars'* (+)
  *'proteins'* (-)
  *'salt'* (-)

- Nous avons vu avec plusieurs méthodes que les nutriscores sont "influencés" par les valeurs des indicateurs nutritionnels
- L'information supplémentaire du groupe 'pnn' vient affiner l'attribution du nutriscore
- L'idée d'application semble donc réalisable à partir du jeu de données

 Développer une interface d'application semblable pour tester la réalisation et l'utilisation de celle-ci

#### • Bonus:

Réaliser un modèle de prédiction de classe (nutriscore) à l'aide d'un modèle KNN

Paramètres : n\_neighbors = 7, distance de Manhattan Score : 84% (soit 16% d'erreur)