聚类与KMeans

与分类、序列标注等任务不同,聚类是在事先并不知道任何样本标签的情况下,通过数据之间的内在关系把样本划分为若干类别,使得同类别样本之间的相似度高,不同类别之间的样本相似度低(即增大类内聚,减少类间距)。

聚类属于非监督学习,K均值聚类是最基础常用的聚类算法。它的基本思想是,通过迭代寻找K个簇(Cluster)的一种划分方案,使得聚类结果对应的损失函数最小。其中,损失函数可以定义为各个样本距离所属簇中心点的误差平方和:

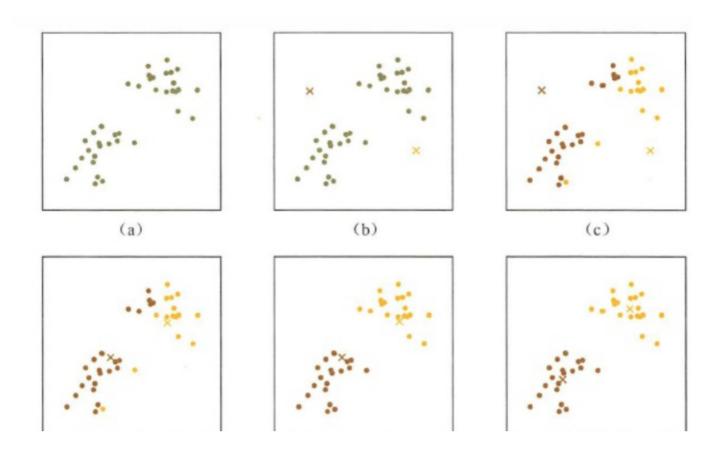
$$J(c,\mu) = \sum_{i=1}^{M} \left|\left|x_i - \mu_{c_i}
ight|
ight|^2$$

具体步骤

KMeans的核心目标是将给定的数据集划分成K个簇(K是超参),并给出每个样本数据对应的中心点。具体步骤非常简单,可以分为4步:

- (1) 数据预处理。主要是标准化、异常点过滤。
- (2) 随机选取K个中心
- (3) 定义损失函数J
- (4) 令t=0,1,2,... 为迭代步数, 重复如下过程直到J收敛:
- (4.1) 对于每一个样本,将其分配到距离最近的中心
- (4.2) 对于每一个类中心k, 重新计算该类的中心

KMeans最核心的部分就是先固定中心点,调整每个样本所属的类别来减少」;再固定每个样本的类别,调整中心点继续减小」。两个过程交替循环,J单调递减直到最(极)小值,中心点和样本划分的类别同时收敛。



优缺点与优化方法

KMenas的优点:

- 高效可伸缩, 计算复杂度 o (NKt) 为接近于线性 (N是数据量, K是聚类总数, t是迭代轮数)。
- 收敛速度快,原理相对通俗易懂,可解释性强。

KMeans也有一些明显的缺点:

- 受初始值和异常点影响,聚类结果可能不是全局最优而是局部最优。
- K是超参数,一般需要按经验选择
- 样本点只能划分到单一的类中

数据集处理

对数据集进行聚类,希望将其聚为3类,将数据集读取为Instances对象,创建SimpleKMeans对象,并setNumCluster(3),通过setPreserveInstancesOrder(true);来保留顺序。考虑输出聚类的同时,输出每个数据分别被分进了哪个类。

运行结果

Final cluster	centroids:				
		Cluster#			
Attribute	Full Data	0	1	2	
	(600.0)	(149.0)	(250.0)	(201.0)	
=========	=======			=======	
age	42.395	41.8658	47.06	36.9851	
sex	FEMALE	FEMALE	FEMALE	MALE	
region	INNER_CITY	TOWN	INNER_CITY	INNER_CITY	
income	27524.0312	27313.8572	31400.3573	22858.5307	
married	YES	NO	YES	YES	
children	0	0	0	0	
car	NO	NO	YES	NO	
save_act	YES	YES	YES	NO	
current_act	YES	YES	YES	YES	
mortgage	NO	NO	NO	NO	
pep	NO	NO	NO	YES	

```
Instance 0 -> Cluster 2
Instance 1 -> Cluster 2
Instance 2 -> Cluster 1
Instance 3 -> Cluster 0
Instance 4 -> Cluster 1
Instance 5 -> Cluster 0
Instance 6 -> Cluster 2
Instance 7 -> Cluster 1
Instance 8 -> Cluster 1
Instance 9 -> Cluster 1
Instance 10 -> Cluster 0
Instance 11 -> Cluster 1
Instance 12 -> Cluster 0
Instance 13 -> Cluster 1
Instance 14 -> Cluster 2
Instance 15 -> Cluster 1
Instance 16 -> Cluster 0
Instance 17 -> Cluster 1
Instance 18 -> Cluster 1
Instance 19 -> Cluster 1
Instance 20 -> Cluster 2
```