● 범주형자료분석

○ 범주형자료분석 > 모비율추론(직접입력)

- 단일 모집단의 모비율에 대한 추론 결과(가설검정, 구간추정)를 제공
- 분석폼
 - 상단 왼쪽에 시행횟수와 성공횟수를 입력함
 - 가설검정의 경우 대립가설을 설정하고 가설방법을 선택하며 가설방법을 하나도 선택하지 않은 경우 가설검정을 실시하지 않음. 정확검정은 이항분포를 직접이용하여 p값을 계산하며, 정규근사와 정규근 사(연속성수정)은 기초통계학에서 다룬 비율검정법 임
 - 구간추정의 경우 신뢰수준 및 구간형태을 설정하고 구간추정방법에서 원하는 방법을 지정함. 하나도 선택하지 않은 경우 구간추정을 실시하지 않음. 현재 10가지의 방법을 제공하고 있으며 정규근사 (Wald interval)이 기초통계학에서 다룬 내용임. 다른 방법들은 아래의 참고문헌은 참조.



[그림 1] 모비율추론 분석폼

- Brown, L. 외 2인 (2001). Interval estimation for a biomial proportion. Satistical Papers, 16(2), 101-133.
- Pires, A. M and Amado, C. (2008). Interval estimation for a biomial proportion: Comparison of twenty methods. Statistical Journal, 6(2), 165-197

【분석결과 예제】

| 모비율 추론 | | | |
|--------------------|---------|--------|--|
| 시행횟수 | 35 | | |
| 성공횟수 | 10 | | |
| 표본비율 | 0.2857 | | |
| 가설검정: 대립가설 ≠ 0 | .5 | | |
| 검정방법 | 검정통계량 | p값 | |
| 정확검정 | 10 | 0.0167 | |
| 정규근사 | -2.5355 | 0.0112 | |
| 정규근사(연속성 수정) | -2.3664 | 0.0180 | |
| 95% 양측신뢰구간: | | | |
| 구간추정방법 | 하한 | 상한 | |
| 정규근사(Wald CI) | 0.1361 | 0.4354 | |
| Agresti-Coull CI | 0.1619 | 0.4520 | |
| Clopper-Pearson Cl | 0.1464 | 0.4630 | |
| Adjusted Mid-P CI | 0.1574 | 0.4478 | |
| Logit Cl | 0.1612 | 0.4544 | |
| Wilson Cl | 0.1633 | 0.4505 | |
| Fleiss Cl | 0.1524 | 0.4652 | |
| Arc-Sine Cl | 0.1504 | 0.4443 | |
| Jeffery CI | 0.1574 | 0.4479 | |
| Percentile CI | 0.1429 | 0.4286 | |

○ 범주형자료분석 > 두 비율 비교(직접입력)

○ 두 모집단의 모비율 비교에 대한 추론 결과(가설검정, 구간추정)를 제공

○ 분석폼

- 상단 왼쪽 상단 자료입력 프레임에 비교할 시행횟수 와 성공횟수를 입력함
- 추론목적을 선택함. 가설검정과 구간추정 둘 다 선택할 수 있음.
- 모수형태에서 θ는 모비율을 의미하며 추론목적에서 가설검정을 활성화하고 가설검정 프레임에서 대립가설 형태를 선택함. 관심모수형태는 4가지를 지원하지만 차를 제외한 나머지는 상대비율, 오즈비, 로그오즈비 동일한 검정을 실시하기 때문에 로그오즈비에 대한 검정만 실시함. 기초통계학에서 다룬 내용은 Wald Z-test(정규근사)임
- 구간추정의 경우 관심모수형태에 따라 여러 가지 방법의 신뢰구간을 계산해 주며 기초통계학에서 다룬 내용은 Wald interval(정규근사)임. 다른 방법들은 아래의 참고문헌은 참조.



[그림 2] 두 모비율 비교 분석폼

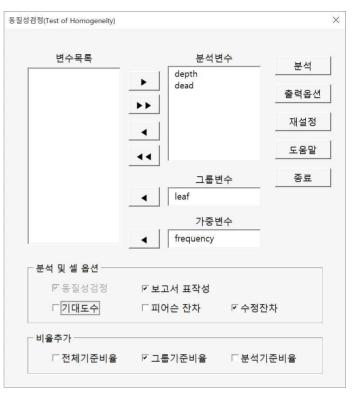
- Newcombe, R. G.(1998). IInterval estimation for the difference between independent proportions: Comparison of eleven methods. Statistics in Medicine, 17, 873-890.

【분석결과 예제】

| 모비율 비교 | | | | | |
|---------------------------------------|----------------------|----|--------|--------|---------|
| 모집단 | 시행횟수 | | 성공횟수 | 표본비율 | |
| I | 7 | 70 | 56 | 0.8000 | |
| П | 3 | 30 | 48 | 0.6000 | |
| 대립가설: 0 1 ≠ 0 2 | | | | | |
| 모수형태 | 가설검정방법 | 1 | 점추정 | 검정통계 | p값 |
| θ1 - θ2 | Wald Z-test(정규근사) | | 0.2000 | 2.6502 | 0.0080 |
| | Wald Z-test(연속성수정) | | 0.2000 | 2.4727 | 0.0134 |
| | Mantel-Haenszel Test | | 0.2000 | 2.6413 | 0.0083 |
| | LR Test | | 0.2000 | 7.1841 | 0.0074 |
| Log Odds Ratio | Mantel-Haenszel Test | | 0.9808 | 2.6087 | 0.0091 |
| 95% 양측신뢰구간: | | | | | |
| 모수형태 | 구간추정방법 | Î | 중심값 | 하한 | 상한 |
| 0 1 - 0 2 | Wald Interval(정규근사) | | 0.2000 | 0.0575 | 0.3425 |
| | Wald Interval(연속성수정) | | 0.2000 | 0.0441 | 0.3559 |
| | Haldane 방법 | | 0.1943 | 0.0535 | 0.3351 |
| | Jeffreys-Perks 방법 | | 0.1943 | 0.0531 | 0.3355 |
| θ1 / θ2 | Katz Interval | | 1.3333 | 1.0766 | 1.6512 |
| | Walters Interval | | 1.3302 | 1.0760 | 1.6445 |
| Odds Ratio | 정규근사 | | 2.6667 | 0.3737 | 19.0291 |
| Odds Natio | 정규근사(연속성수정) | | 2.6111 | 0.3900 | 17.4834 |
| Log Odds Ratio | 정규근사 | | 0.9808 | 0.2439 | 1.7178 |
| | | | | | |

○ 범주형자료분석 > 동질성검정(독립성검정)

- 두 범주형 자료에 대해 분할표를 구성하고 동질성(독립성) 검정결과를 제공함
- 분석폼
 - 기준을 동질성검정으로 가정하고 그룹을 나타내는 변수를 '그룹변수' 텍스트박스에 전달하고 비교하 고자 하는 변수를 '분석변수' 목록으로 이전시킴. 분석변수 목록에 여러 개의 변수가 있으면 각각에 대해 동질성검정을 실시함. 독립성 검정도 같은 형 태로 지정하면 됨.
 - 해당 범주의 빈도수를 나타내는 변수가 있는 경우 '가중변수' 텍스트박스로 전달함.
 - '분석 및 셀 옵션'에서 기대도수, 피어슨 잔차, 수 정잔차(표준잔차)를 선택해 분할표에 추가할 수 있 으며 비율의 경우 전체도수를 기준으로(독립성 검 정), 그룹변수의 범주빈도를 기준으로(동질성 검 정), 분석변수의 범주빈도를 기준으로 비율을 추가 할 수 있음
- 검정은 피어슨카이제곱검정과 가능도비 검정결과를 출력해 주는데 이후 버전에서 다른 분석방법을 추가 할 예정임
- '보고서 표 작성'을 선택하면 별도의 작업을 하지 않 고 보고서에 첨부할 수 있는 표를 제공함



[그림 3] 동질성 검정 분석폼

【분석결과 예제】

| | |) vs dead(년 | (日世子) | | | | | | |
|--------------------|--------|-------------|----------|------|-------|-------|-----|--------|--------|
| 변수 | dead | | | | | | | | |
| leaf | 범주 | 1 | 2 | 합 | | | | | |
| | 53 | 148 | 201 | 관측도수 | | | | | |
| | 1 | 26.4 | 73.6 | 100 | 그룹기준비 | 율 | | | |
| | 5.874 | -5.874 | 0 | 표준잔차 | | | | | |
| | 2 | 17 | 183 | 200 | 관측도수 | | | | |
| | | 8.5 | 91.5 | 100 | 그룹기준비 | 율 | | | |
| | | -2.94 | 2.94 | 0 | 표준잔차 | | | | |
| | 3 | 17 | 183 | 200 | 관측도수 | | | | |
| | | 8.5 | 91.5 | 100 | 그룹기준비 | 율 | | | |
| | | -2.94 | 2.94 | 0 | 표준잔차 | | | | |
| | | 87 | 514 | 601 | 관측도수 | | | | |
| | 합 | 14.5 | 85.5 | 100 | 그룹기준비 | 율 | | | |
| | | 0 | 0 | 0 | 표준잔차 | | | | |
| 동질성(독 | 립성) 검정 | 결과 | | | | | | | |
| 검정방법 | 자유도 | 검정통계로p | 값 | | | | | | |
| 피어슨카이 | 2 | 34.4991 | 0 | | | | | | |
| 가 <mark>능도비</mark> | 2 | 16.24163 | 0.0003 | | | | | | |
| 분할표 & | 동질성검정 | 결과 정리 | | | | | | | |
| 분석변수 | 범주 | 1 | leaf 2 3 | | | 이제곱통계 | p-값 | | |
| depth | 1 | 100 | 49.8 | 100 | 50 | 100 | 50 | | |
| | 2 | 100 | 50.2 | 100 | 50 | 100 | 50 | 0.003 | 0.9983 |
| dead | 1 | 53 | 26.4 | 17 | 8.5 | 17 | 8.5 | | |
| | 1 | 55 | 20.4 | 17 | 6.5 | 17 | 0.5 | 34.499 | 0 |