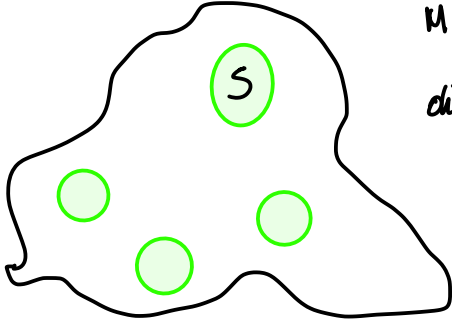


- GENERICA ITERAZIONE ALGORITMO DI DIJKSTRA

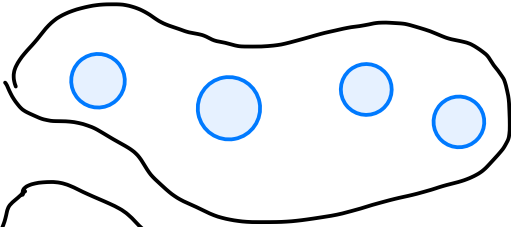
MONDO FERMO (VISITATI)

$\text{dist}[u] = +\infty \rightarrow$ non cambiare più



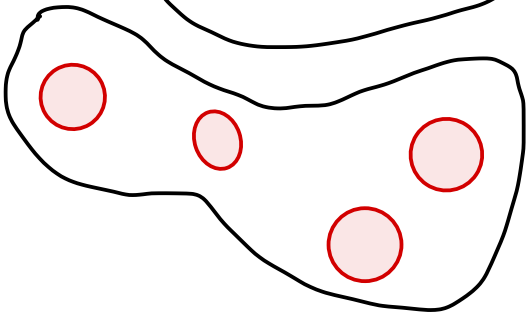
FRONTIERA (SCOPERTI, NON VISITATI)

non già scoperti, $\text{dist}[u] \neq +\infty$ ma potrebbe ancora cambiare (sono ancora in coda)



NON SCOPERTI $\text{dist}[u] = +\infty$

non ancora scoperti (sono ancora in coda)



SITUAZIONE INIZIALE

M.F

NESSUNO

F.

S

M.L

TUTTI GLI ALTRI

S. FINALE

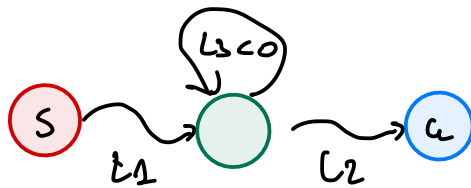
S + nodi raggiungibili

nessuno

Nodi non raggiungibili da S

LOSA SUCCEDE SE $c: E \rightarrow \mathbb{R}$ (INVECE CHE \mathbb{R}^+) ?

• gli archi potranno quindi avere pesi negativi



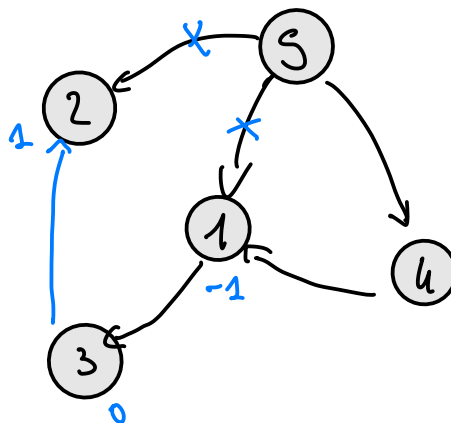
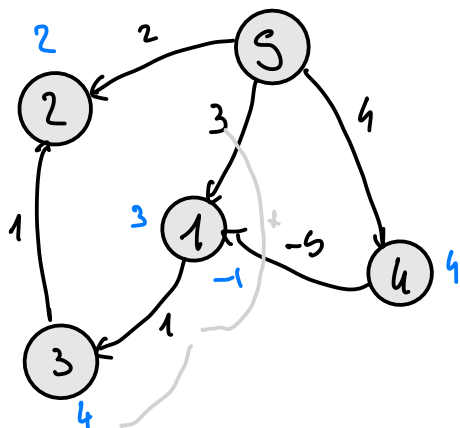
distanza da s a u ?

- NON riesco a definire un cammino minimo tra due nodi perché non c'è; continuerei a fare il ciclo all'infinito per trovare il cammino minimo
- Devo controllare che non esistono cicli negativi altrimenti il problema è malposto

PROBLEMA

- INPUT
- $G = (V, E)$ (Diretto / indiretto) senza cicli negativi
 - funzione di costo non negativa sugli archi $c: E \rightarrow \mathbb{R}$
 - nodo sorgente $s \in V$

OUTPUT Obbero dei cammini minimi radiato in s



• CAMMINI MINIMI CON DISTANZA

• CAMMINI MINIMI CORRETTI

- NON posso permettermi di non considerare alcuni nodi considerati in precedenza

ALGORITMO DI BELLMAN-FORD (CAMMINI MINIMI DA SORIGINE S, A DESTINO V)

Bellman-Ford(G, c, s)

```
for all  $u \in V$ 
   $\text{dist}[u] := +\infty$ 
   $\text{prev}[u] := -1$ 
 $\text{dist}[s] := 0$ 
```

INIZIALIZZAZIONE

```
for  $i=1$  to  $|V|-1$  do
  for all  $(u,v) \in E$  do
```

```
    if  $\text{dist}[v] > \text{dist}[u] + c(u,v)$ 
    then
       $\text{dist}[v] := \text{dist}[u] + c(u,v)$ 
       $\text{prev}[v] := u$ 
```

← RILASSAMENTO

↓

$O(m)$

↓

$O((n-1)m)$

↓

$O(n \cdot m)$

return $\text{prev}[]$



CAMMINO MINIMO
DA s A u

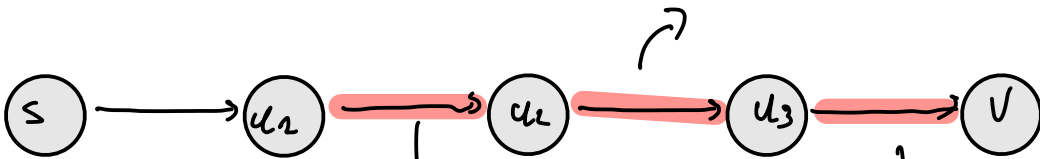
$\text{prev}[u_1] = s$

↓

1^a ITERAZIONE DI RILASSAMENTI
Cammino + breve da s a u_2

3^a ITERAZIONE DI RILASSAMENTI
 $\text{prev}[u_3] = u_2$

a ogni iterazione
+1 peso per
il cammino
minimo $s \rightarrow v$



2^a ITERAZIONE DI RILASSAMENTI
 $\text{prev}[u_2] = u_1$

4^a ITERAZIONE DI RILASSAMENTI
 $\text{prev}[v] = u_3$

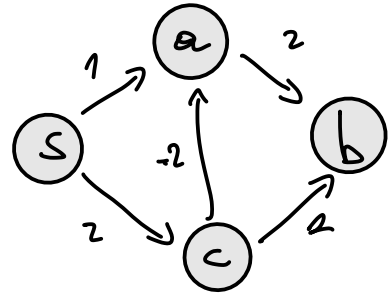
- Nelle successive iterazioni i cammini minimi non cambieranno più
- A ogni iterazione scegliamo il cammino più breve tra nodi interni per trovare il cammino minimo tra s e v .
- # iterazioni $\rightarrow |V|-1$

CASO NON CICLI NEGATIVI.

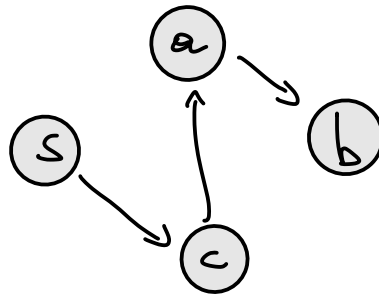
• Si aggiunge un'iterazione di rilassamento \Rightarrow se si trova un cammino più breve per un solo nodo allora \exists un ciclo negativo

# Iterazioni Nodi	0	1	2	3
s	0	0	0	0
a	$+\infty$	1	0	0
b	$+\infty$	3	2	2
c	$+\infty$	2	2	2

prev	a	b	c
s			
-1	x	x	x
	c	a	s



$$|V| - 1 = 3$$

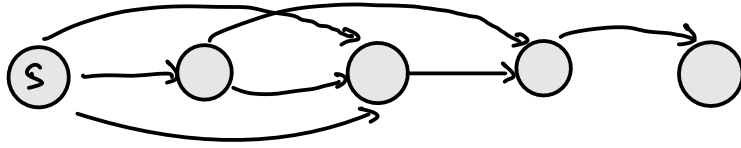


ALBERO DEI CAMMINI MINIMI

CAMMINI MINIMI DA SORGENTE
SINGOLA SU DAG

→ Abbiamo una proprietà che ci permette di scegliere l'ordine dei nodi da considerare?

DAG LINEARIZZATO

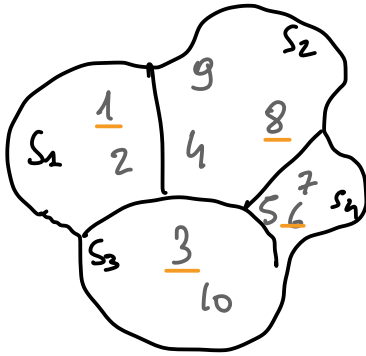


ordine di visita (primi 10m)

DISJOINT SET

- Struttura dati astratta che memorizza una partizione di un insieme come setino (insieme di elementi \rightarrow numeri da 1...n).
- Partizione di un insieme: insieme S di k sottoinsiemi t.c. ognuno degli S_i è un sottoinsieme dell'insieme di partenza ($S_i \subseteq X$) e contemporaneamente non ci sono intersezioni ($S_i \cap S_j = \emptyset$ $i \neq j$). L'unione di tutti gli S_i è X ($\bigcup_{i=1}^k S_i = X$)

Esempio



PRIMITIVE

- **Make-Set(x)**: restituire un Disjoint set in cui $S_i = \{i\}$, $\forall i = 1, \dots, |x|$
- **Union(D, x, y)**: unisce i due sottoinsiemi a cui appartengono x e y
- **Find-Set(D, x)**: dato un elemento restituire il representante dell'insieme a cui appartiene x .
Serve per capire se due elementi sono nello stesso insieme.

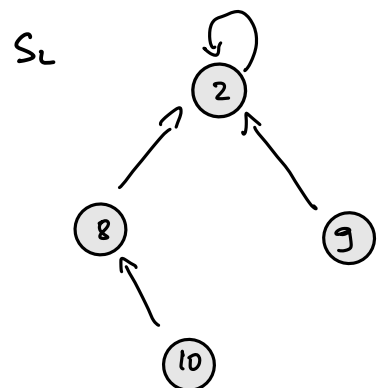
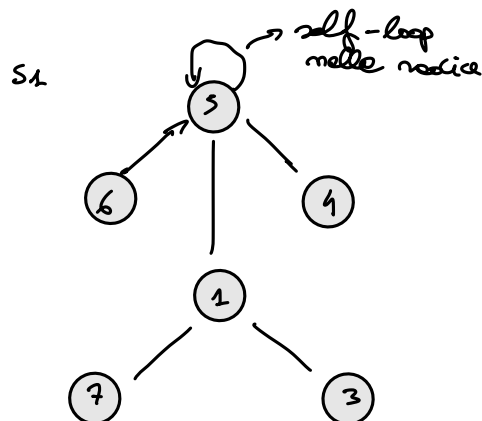
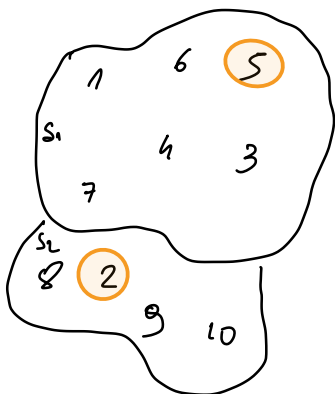
\rightarrow Una volta messi insieme due sottoinsiemi non posso più separarli!!!

Come si può rappresentare questi dati per implementare questa struttura dati?

\rightarrow FORESTA DI ALBERI \rightarrow ogni albero contiene gli elementi di un sottoinsieme
VANTAGGIO: semplice e poco spazio occupato!

IMPLEMENTAZIONE MEDIANTE "ARRAY DI PADRI"

Esempio



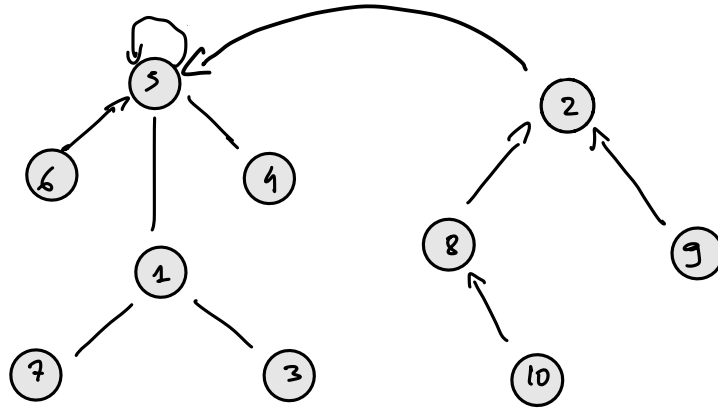
ARRAY DI PADRI

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
5	2	1	5	5	1	2	2	8	

Il self loop serve per indicare la radice

Esempio

Union (DS, 8, 5)

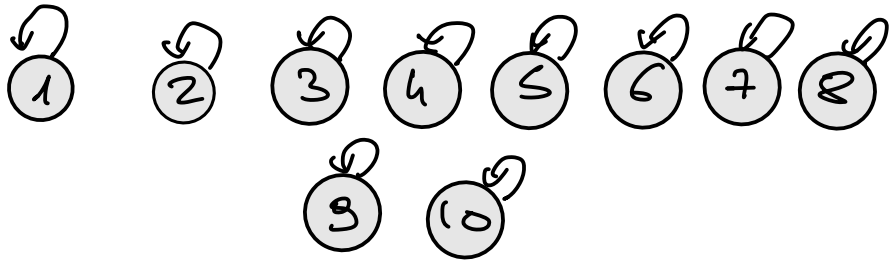


ARRAY DI PADRI DOPO LA UNION

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
5	5	1	5	5	1	2	2	8	

Esempio

Make-Set(x)



Ognuno è padre di se stesso

↳ 10 self-loop → ogni nodo è anche radice

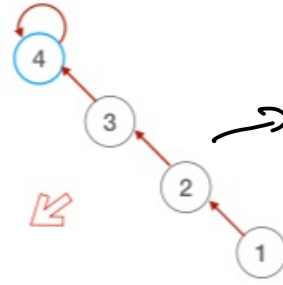
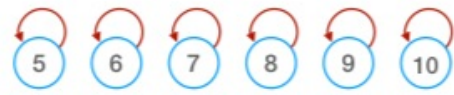
COSTI COMPUTAZIONALI

Make-Set(x) → DS $O(n)$

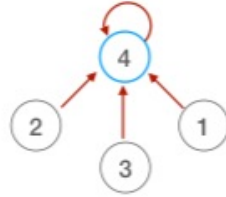
Find-Set(DS, x) → rappresentante $O(h)$

Union(DS, x, y) → $O(h)$ costo impiegato per trovare il rappresentante di ogni Disjoint

Union(DS, 1, 2)
 Union(DS, 1, 3)
 Union(DS, 1, 4)



costo lineare



diverso albero, stessa informazione

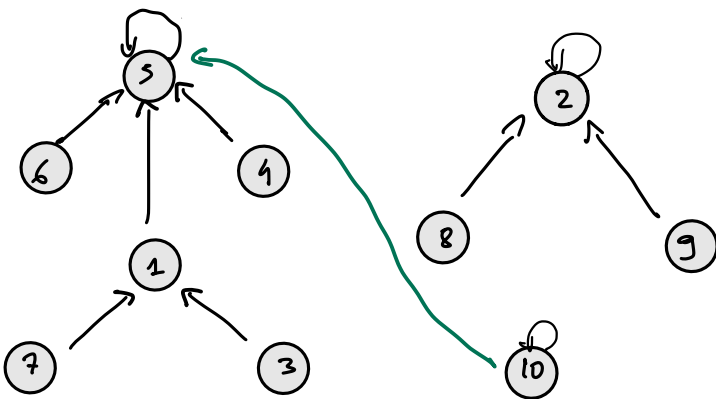
costo costante
 nella ricerca del
 rappresentante

L'obiettivo è non aumentare l'altezza dell'albero

- Durante una Union l'albero più basso diventa sottoalbero di quello più alto
- Quando ho due alberi alti uguali l'altezza sarà $h+1$, in tutti gli altri casi non aumenta

Per compiere queste operazioni devo considerare anche il costo per la ricerca dell'altezza dell'albero.

↳ Oltre al vettore di padre avrò un array rank che memorizza l'altezza degli alberi radicati nei rappresentanti.



DS {

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
5	2	1	5	5	5	1	2	2	8

P

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
1	1	0	0	2	0	0	0	0	0

rank

Union(DS, 5, 10)

Pseudo-Codice

Make-Set(x):

```

DS.p := new_array[1...m]
DS.rank := new_array[1...m]
for i = 1 to m
    DS.p[i] = i
    DS.rank[i] := 0
return DS

```

Pseudo-Codice

Find-Set(DS, x)

```

if DS.p[x] = x
    then return x
else return
    Find-Set(DS, DS.p[x])

```

Pseudo-Codice

Union(DS, x, y):

```

xr := Find-Set(DS, x) } rappresentanti di x e y
yr := Find-Set(DS, y)

```

if $x_r \neq y_r$

```

then if DS.rank[xr] > DS.rank[yr]

```

```

    then DS.p[yr] := xr

```

```

else DS.p[xr] := yr

```

```

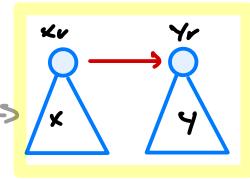
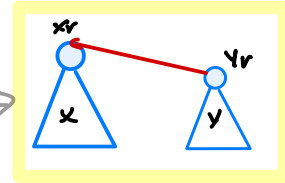
    if DS.rank[xr] = DS.rank[yr]

```

```

        then DS.rank[yr] := DS.rank[yr] + 1

```



Proposizione → un albero con radice r ha almeno $2^{\text{rank}[r]}$ nodi.

⇓

un albero di radice r con k nodi

⇓

$k \geq 2^{\text{rank}[r]}$

$\log k \geq \text{rank}[r]$

Dimostrazione

→ **CASO BASE** • caso in cui non sono ancora state fatte union

↓

caso dopo Make-Set(x)

prima delle

prime Union

⇓

ogni albero ha esattamente un nodo x
per ogni nodo r , $\text{rank}[r] = 0$

⇓

$2^{\text{rank}[r]} \leq 1$

OK!

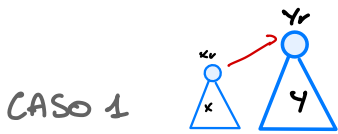
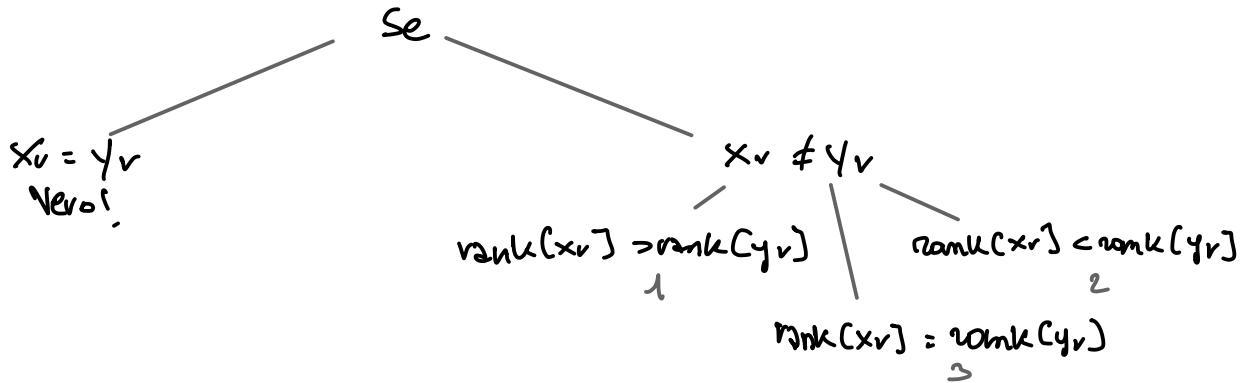
→ IPOTESI INDUTTIVA

Obiettivo: dimostrare che dopo $t \geq 0$ op. di Union per ogni albero di k smodi con rappresentante r vale che

$$2^{\text{rank}(Cr)} \leq k$$

→ PASSO INDUTTIVO

Obiettivo: dimostrare che dopo $t+1$ operazioni di Union l'ipotesi rimane verificata



\Rightarrow Il nuovo albero ha come smodi $|S_x \cup S_y| = |S_x| + |S_y| - |\text{insieme di } x \cap \text{insieme di } y|$.
 non ci sono elementi comuni
 $|S_x| + |S_y| \geq 2^{\text{rank}(x_r)}$
 nuovo rappresentante

Ho dimostrato la proposizione

CASO 2 \rightarrow dimostrato analogamente

CASO 3

HP INDUTTIVA

$$\begin{aligned} \# \text{smodi nuovo albero } |S_x \cup S_y| &= |S_x| + |S_y| \geq 2^{\text{rank}(x_r)} + 2^{\text{rank}(y_r)} \\ &\geq 2^{\text{rank}(y_r)} + 2^{\text{rank}(y_r)} \\ &\geq 2^{\text{rank}(y_r) + 1} \end{aligned}$$

nuovo rank y_r
 $\text{rank}(y_r) + 1$

$\Rightarrow \# \text{smodi nuovo albero} \geq 2^{\text{rank}(y_r) + 1}$

Abbiamo quindi dimostrato che la Find e la Union possono essere fatte con costo
logaritmico invece che lineare istanziando però un array in più in memoria per l'array
dei nodi bianchi