#### **VISITE DI ALBERI**

Esistono due tipologie di viste

- <u>Visita in profondità (depth-first search DFS)</u>: si visita partendo dalla radice e andando verso le foglie (esistono tre varianti: anticipata o in preordine, posticipata o in postordine, simmetrica o in ordine)
- <u>Visita in ampiezza (breath-first search BFS):</u> visita i nodi per livelli,a partire dalla radice. Non arriva quindi subito alla foglia, visita un livello alla volta.

Per ogni tipologia di visita esiste una implementazione ricorsiva e una implementazione iterativa.

Non esiste una visita migliore, dipende da ciò che dobbiamo fare.

#### Visita DFS ricorsiva

## Algoritmo visitaDFSRicorsiva(nodo n)

Sia T un albero non vuoto con radice n e k figli T<sub>1</sub>...T<sub>k</sub>

• In **preordine** visito n e poi T<sub>1</sub>...T<sub>k</sub> (variante implementata dall'algoritmo)

Visita di un nodo: accesso e elaborazione di un nodo

- In **postordine** visito  $T_1...T_k$  e poi n
- In inordine visito T<sub>1</sub>...T<sub>k</sub> c poi ii
   In inordine visito T<sub>1</sub>...T<sub>i</sub>, visito n, visito T<sub>i+1</sub>...T<sub>k</sub> per un prefissato i >= 1.
- 1. visita il nodo *n*
- for each child n' of n visitaDFSRircorsiva(n')

## Esempio di applicazione di visita DFS ricorsiva

#### Serializzazione di un albero

Con serializzazione si intende la ricerca di una funzione non ambigua che consenta di individuare i sottoalberi di ogni albero. La funzione di serializzazione deve essere quindi invertibile (biunivoca).

}

 $f: tree \rightarrow stringa$  $f^{-1}: stringa \rightarrow tree$ 

Si può esprimere la serializzazione mediante la rappresentazione di un nodo con una coppia di parentesi bilanciate (...).

Si tratta di una visita in preordine perchè si stampa prima il valore del nodo e poi si prosegue con la visita dei sottoalberi.

visita del nodo: stampa dell'apertura di parentesi e del contenuto del nodo.

#### **FORMALMENTE**

Sia T un albero non vuoto con radice n e k figli  $T_1,...,T_k$  serializzazione(n):  $(n \text{ serializzazione}(T_1)... \text{ serializzazione}(T_k))$ 



void serialize(tree t){

```
cout<<"(";
print(get_info(t));

tree t1 = get_firstChild(t);
while(t1!=NULL){
    serialize(t1);
    t1 = get_nextSibling(t1);
}
cout<<")";</pre>
```

Visita del nodo

Chiamata ricorsiva ai figli

#### Calcolo dell'altezza di un albero

L'altezza misura il massimo delle lunghezze dei cammini che vanno dalla radice alle sue foglie.

- Se T è composto da un solo nodo n allora la sua altezza è 0
- Se T è un albero con radice n e k figli  $T_1,...,T_k$  allora la sua altezza è il massimo dell'altezza di  $T_1,...,T_k$  incrementata di 1:

```
altezza(T) = max(altezza(T1), ..., altezza(Tk))+1
```

L'altezza può essere calcolata mediante una DFS post-ordine

#### Osservazioni

Ogni visita è realizzata come una sequenza di visite ai suoi nodi dove, in ogni passo, ci sono dei nodi aperti.

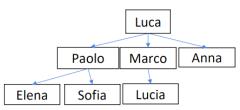
<u>Nodi aperti:</u> nodi che rappresentano i punti di ramificazione rimasti in sospeso e da cui la visita deve proseguire.

Nel caso della DFS i nodi aperti sono i figli di un nodo padre da cui riprende la visita quando un suo sottalbero è esplorato

#### **Visita BFS**

In questo caso la lista dei nodi aperti deve essere gestita attraverso una coda.

#### **ESEMPIO**



1. Visito Luca

Enqueue Paolo, Marco, Anna Nodi aperti: Paolo, Marco, Anna

2. Dequeue Nodi aperti: Visito Paolo Enqueue Elena Sofia

Nodi aperti: Marco, Anna, Elena, Sofia 3. Dequeue Nodi aperti: Visito Marco Enqueue Lucia

Nodi aperti: Anna, Elena, Sofia, Lucia

- 3. Dequeue Nodi aperti: Visito Anna
- 4. Dequeue Nodi aperti: Visito Elena
- 5. Dequeue Nodi aperti: Visito Sofia
- 6. Dequeue Nodi aperti: Visito Lucia

Si può implementare il tutto con un algoritmo

#### Algoritmo visitaBFSIterattiva(nodo n)

- 1. coda C
- enqueue(C,n)
- 3. while (C!=NULL)
  - a. n=dequeue(C)
  - b. visita nodo n
  - c. for each child n' of n enqueue(n')

iterativo.

# Il tipo di dato CodaBfs è definito nel seguente modo

```
struct elemBFS
{
        node* inf;
        elemBFS* pun ;
};

typedef elemBFS* lista;

typedef struct{
    lista head;
    elemBFS* tail;} codaBFS;
```

### Le primitive del modulo sono le seguenti:

```
codaBFS enqueue(codaBFS, node*);
node* dequeue(codaBFS&);
node* first(codaBFS);
bool isEmpty(codaBFS);
codaBFS newQueue();
static elemBFS* new_elem(node*);
```

struttura di appoggio.	

La struttura dati tree non è adatta a questo tipo di operazioni e sarebbe necessaria una