



UNIVERSITÄT ZU LÜBECK

Bachelor Projekt

Optimierung biologisch-realistischer Neuronenmodelle

Institut für Robotik und Kognitive Systeme

Dokumentation

Szymon Bereziak
Moritz Dannehl
Chris Girth
Can Kalelioglu
Julian Wolff

2. September 2015

Inhaltsverzeichnis

1	Einführung	3
1.1	Ziel des Projektes	3
2	Features	3
3	Architektur	3
3.1	Kern	3
3.2	GUI	4
4	Benutzerhandbuch	4
4.1	Ausführen der Anwendung	4
4.2	CLI	5
4.3	GUI	6

1 Einführung

1.1 Ziel des Projektes

Mithilfe von künstlichen neuronalen Netzen wird versucht, Strukturen des menschlichen Gehirns zu simulieren. Die verwendeten Simulationen basieren dabei auf sehr vielen Parametern, deren Optimierung eine sehr langwierige Aufgabe darstellt. Es wurde im Rahmen dieses Projektes ein Framework erstellt, welches als Schnittstelle zwischen solchen Simulationen und Optimierungsalgorithmen fungiert. Dabei waren vor allem eine Modularisierung zwecks Erweiterbarkeit sowie eine einfache Bedienbarkeit über eine grafische Oberfläche Zentrum der Entwicklung.

2 Features

- einfache Anbindung eines (neuen) Frontends möglich durch ein simples Nachrichtenprotokoll
- einfaches Hinzufügen von neuen Algorithmen
- Modularisierung erlaubt komplettes Austauschen einzelner Module ohne die Kernlogik zu kennen
- verteiltes Arbeiten möglich durch Anbindung des Simulationsclusters über SSH oder andere Protokolle
- Multithreading bereits nativ in Kernlogik implementiert; Kern verwaltet verschiedene Läufe von Algorithmen selbstständig
- kein aktives Warten notwendig; bei Terminierung eines Algorithmus' wird das Frontend automatisch benachrichtigt

3 Architektur

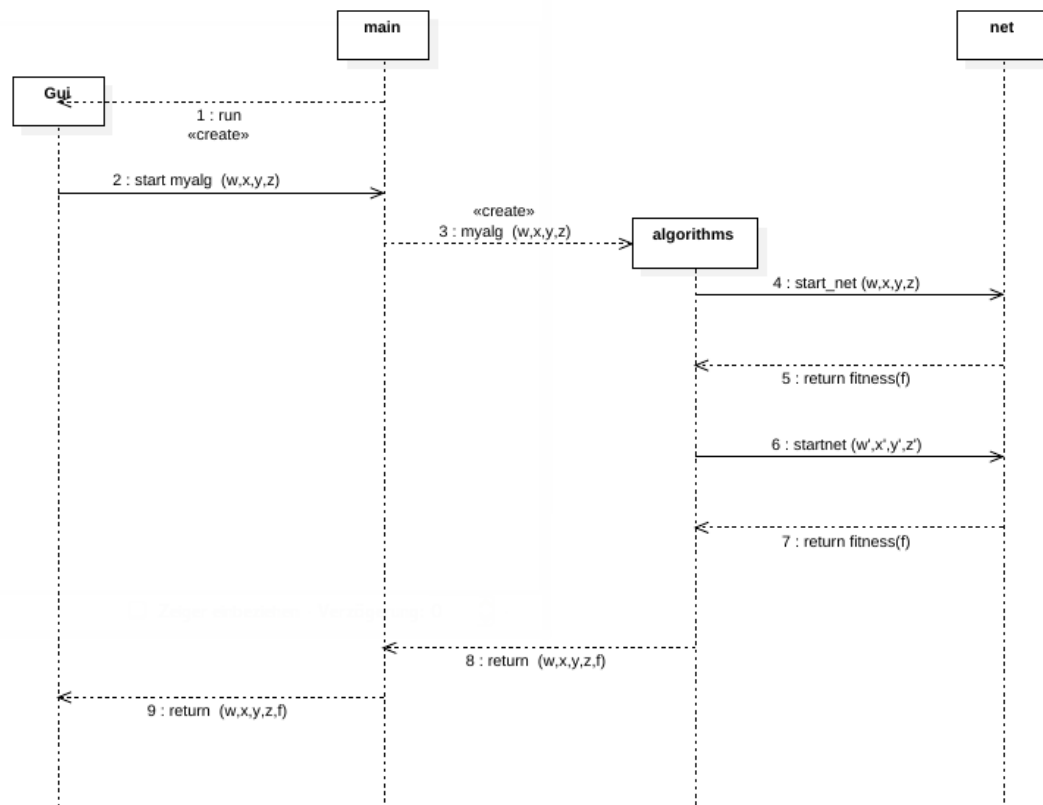
Das Framework ist in zwei Teile gegliedert. Der *Kern* verwaltet selbstständig alle Algorithmen und spricht die Simulation an. Die Kommunikation zwischen dem Kern und der *Benutzerschnittstelle* erfolgt über eine nachrichtenbasierte *Kommunikationsschnittstelle*. Die Benutzerschnittstelle kann eine grafische Benutzeroberfläche oder ein Kommandozeileninterface sein. Über die Kommunikationsschnittstelle werden dem Kern Befehle erteilt, die das Einladen von Konfigurationen, Setzen von Parametern, Starten und Stoppen von Algorithmen sowie Statusabfragen umfassen.

3.1 Kern

Der Kern besteht aus den folgenden Komponenten:

main. Verarbeitet eingehende Befehle von der Benutzerschnittstelle.

net. Führt über eine SSH-Verbindung ein neuronales Netz und die zugehörige Analyse aus.
algorithms. Stellt Optimierungsalgorithmen bereit.



3.2 GUI

Here, be dragons!

4 Benutzerhandbuch

4.1 Ausführen der Anwendung

Zur Ausführung sind die Pakete `python3` und `sshpass` notwendig.

Die Anwendung kann als Kommandozeilenanwendung mithilfe des Befehls `python3 main.py` oder alternativ mit grafischer Oberfläche mithilfe des Befehls `python3 main.py --gui` ausgeführt werden.

4.2 CLI

Wird die Anwendung als Kommandozeilenanwendung gestartet, so kann sie mittels der folgenden Befehle gesteuert werden:

Befehl	Auswirkung
<code>help</code>	Liefert eine Liste möglicher Befehle, ähnlich dieser Tabelle
<code>get algorithms</code>	liefert eine Liste von implementierten Algorithmen
<code>get algorithms <name></code>	liefert die möglichen Parameter für den angegebenen Algorithmus
<code>get config</code>	liefert alle in der Konfigurationsdatei vorhandenen Sektionen
<code>get config <sec></code>	liefert alle Optionen unter der gegebenen Sektion
<code>get config <sec> <opt></code>	liefert den Wert der angegebenen Option
<code>set config <sec> <opt> <val></code>	Setzt die angegebene Option auf den angegebenen Wert
<code>set password</code>	Öffnet eine Passwordeingabe zur Eingabe des Passworts der SSH-Verbindung zum neuronalen Netz
<code>save config</code>	Speichert die Änderungen in der Konfigurationsdatei
<code>start <algorithm> <params...></code>	Startet einen Optimierungsalgorithmus mit den gegebenen Parametern

Bevor eine Optimierung gestartet wird sollten folgende Befehle aufgerufen werden:

Befehl	Auswirkung
<code>set password</code>	Setzt das SSH Passwort
<code>set config SSH host <user@ip></code>	Setzt die Serveradresse
<code>set config SSH net <cmd></code>	Setzt den Befehl zur Ausführung des neuronalen Netzes
<code>set config SSH analysis <cmd></code>	Setzt den Befehl zur Ausführung der Analyse

Anschließend können beliebige Optimierungsalgorithmen gestartet werden.

Beispiel:

```
>set config SSH host "bachelor1@localhost"
>set config SSH net "cd ~/acnet2 && genesis acnet2.g"
>set config SSH analysis "cd ~/acnet2 && python ./analysis.py"
>save config
>set password
>start random_search 4
```

4.3 GUI