Секвенирование посредством терминирования растущей цепи.

Aka Циклосеквенирование.

Aka Один из методов секвенирования **по Сенгеру**.

Туранов С.В.

ННЦМБ ДВО РАН

Лаб. Молекулярной систематики

Для циклосеквенирования необходимы:

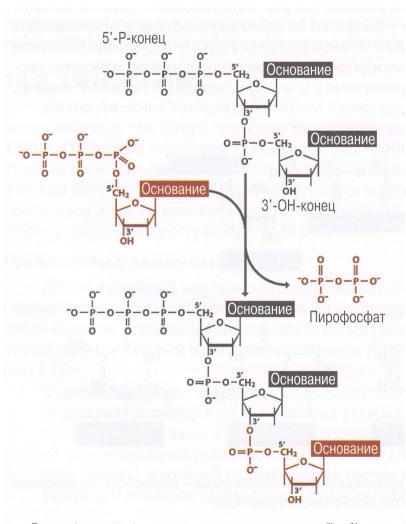
- 1. Haбop BigDye® Terminator v3.1 Cycle Sequencing Kit. (~ 90000 руб на 100 реакций).
- 2. Очищенные ампликоны интересующего нас участка генома.
- 3. Праймеры (чаще всего используются те, с помощью которых нарабатывались ампликоны).
- 4. Вода (деионизированная).
- 5. Амплификатор.
- 6. Пластик (наконечники, пробирки).



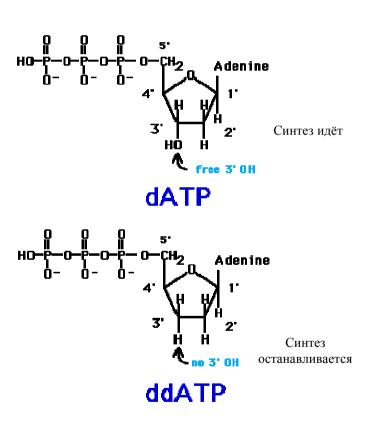
Очистка ампликонов:

- 1. Добавляем 2-3 объёма 95% этанола.
- 2. Интенсивно встряхиваем.
- 3. Центрифугируем (20-35 мин на максимальных оборотах ~ 13000).
- 4. Сливаем надосадочную жидкость.
- 5. Два раза промываем осадок 70% этанолом с центрифугированием.
- 6. Подсушиваем осадок и растворяем в 10-25 мкЛ деионизированной воды либо буфера для хранения ДНК.

Химизм секвенирования посредством терминирования растущей цепи

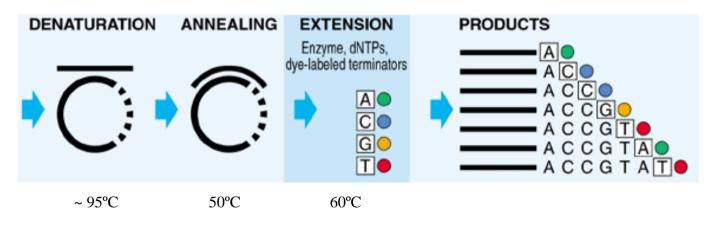


Синтез (рост цепи) полинуклеотида в направлении 5`→3`



Отличие *дезокси*аденинтрифосфата от *дидезокси*аденинтрифорсфата

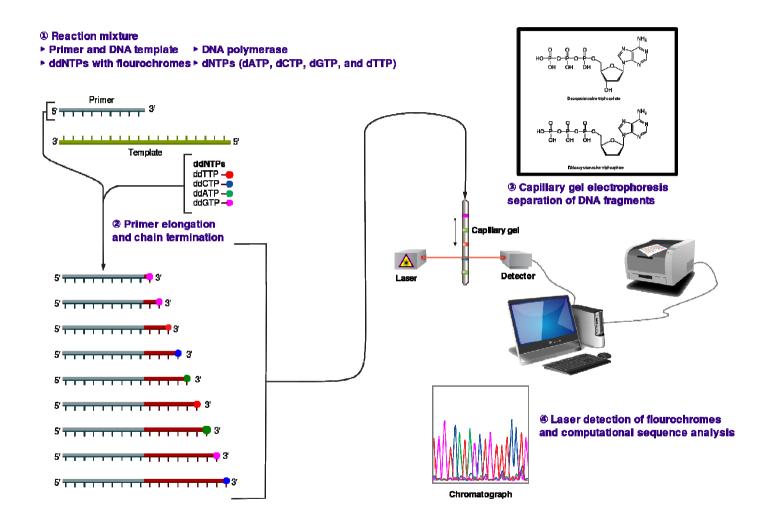
Химизм секвенирования посредством терминирования растущей цепи



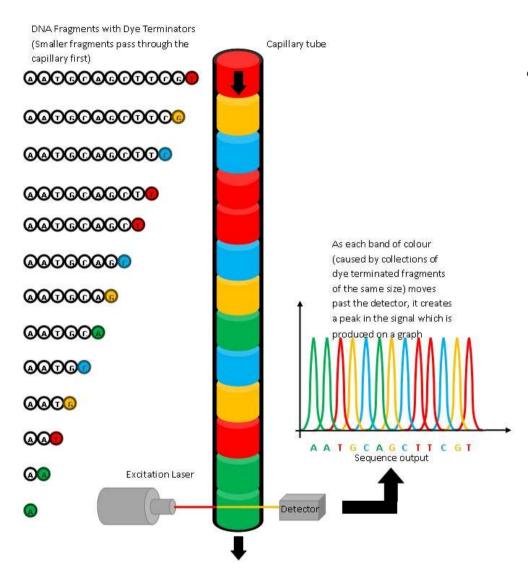


Набор для секвенирования помимо обычных фосфатов содержит *дидезокси*фосфаты с флуоресцирующей меткой индивидуального цвета для каждого из 4 нуклеотидов.

Капиллярный электрофорез



Капиллярный электрофорез



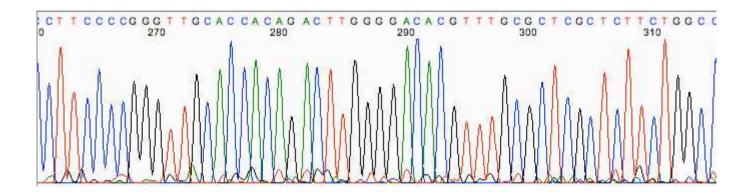
А ещё лучше посмотреть ролик

(https://www.youtube.com/watch?v=ezAefHhvecM&eurl=http://video.google.com/videosearch?hl=en&q=DNA%20sequencing&um=1&ie=UTF-8&sa=N&tab=wv)





Что мы получаем



Литература:

Ребриков Д. В., Коростин Д. О., Шубина Е. С., Ильинский В. В. NGS: высокопроизводительное секвенирование. — М. : БИНОМ. Лаборатория знаний, 2014.