实验二: K-Means聚类算法

本实验旨在帮助同学们理解K-Means聚类算法的基本概念,掌握K-Means算法的手动实现,学习使用Scikit-learn进行聚类和应用。

1. K-Means算法

基于中心点的算法,旨在将数据点划分为 K 个不同的簇(clusters),其中 K 是预先指定的簇的数量。算法的目标是最小化每个簇内数据点与簇中心(centroid)的距离平方和。

1.1算法流程

(1) 初始化: 随机选择 K 个数据点作为初始簇中心。

$$C = \{c_1, c_2, \ldots, c_K\}$$

(2) 分配:对于每个数据点,计算它与每个簇中心的距离,并将其分配给最近的簇。

$$L_2(x_i,x_j) = \sqrt{\sum \left(x_i - x_j
ight)^2}$$

(3) **更新**: 计算每个簇的新的簇中心以及计算并更新误差平方和 (SSE) 。

$$c_j = rac{1}{|S_j|} \sum_{x_i \in S_j} x_i$$

$$SSE = \sum_{i=1}^m \min_{c_j} L_2 (x_i - c_j)^2$$

(4) **迭代**: 重复步骤 (2) 和 (3), 直到满足停止条件 (例如簇中心不变或移动小于某个阈值或达到预定的迭代次数)。

1.2 算法实现框架

```
para k: 簇个数
   para distMeas: 距离度量函数,默认为欧氏距离计算函数
   return sampleTag: 一维数组,存储样本对应的簇标签
   return clusterCents: 一维数组, 各簇中心
   retrun SSE:误差平方和
if __name__=='__main__':
   #创建数据样本
   samples = np.array([
       [ 8.76474369, 14.97536963],
       [ 4.54577845, 7.39433243],
       [ 5.66184177, 10.45327224],
       [ 6.02005553, 18.60759073],
       [12.56729723, 5.50656992],
       [ 4.18694228, 14.02615036],
       [ 5.72670608, 8.37561397],
       [ 4.09989928, 14.44273323],
       [ 2.25717893, 1.97789559],
       [ 4.66913545, 0.77178038],
       [ 8.1219476, 0.79762128],
       [ 0.07972278, -1.9386662 ],
       [ 8.37004706, 10.77781799],
       [ 6.6809732, 15.53118858],
       [ 5.99194694, 16.57732864],
       [ 5.64199016, 15.54671014],
       [-2.92514764, 11.0884457],
       [ 4.99694961, 1.98673206],
       [ 3.8665841, -1.75282591] ,
       [ 2.62642744, 22.08897582] ,
       [ 5.65622583, 14.77736975],
       [-0.33882279, 5.56931142],
       [10.93574482, 11.24487206],
       [ 4.65023576, 12.78869503],
       [ 8.49848513, 9.78769711],
       [ 7.53046709, 8.50232567],
       [ 6.17118371, 21.74394049],
       [-0.93339496, 1.59414249],
       [-6.37700491, 3.46389409],
       [ 7.13598091, 14.17794597]
       1)
   clusterCents, sampleTag, SSE = kMeans(samples, k)
```

2. K-means++算法

K-means++算法是基于传统K-means的改进版,改进的地方在于,它的聚类中心不是随机产生的,而是通过一种有效的方式给选出来了:

- 随机选择第一个聚类中心: 从数据集中随机选择一个样本作为第一个簇中心。
- 按概率分布选择后续簇中心: 对于数据集中的每个样本点, 计算它与已有簇中心中最近的距离(D(x_i))。然后, 计算每个样本被选为下一个聚类中心的概率。最后按照轮盘法选择下一个聚类中心。

$$P(x_i) = rac{D(x_i)^2}{\sum_j D(x_j)^2}$$

• **重复直到选择了 K 个质心**: 重复上述过程,直到选择了 K 个簇中心。

3. Scikit-learn

Scikit-learn (通常简称为 sklearn) 是一个开源的机器学习库,包括了几乎所有主流的机器学习算法,如分类、回归、聚类和降维等。它是建立在NumPy、SciPy和matplotlib这些Python科学计算库之上的,拥有高效的多维数组操作和数学函数处理能力。

3.1安装和导入

• pip安装:

```
In [ ]: pip install scikit-learn
```

• conda安装:

```
In [ ]: conda install scikit-learn
```

安装完成后,可以在Python代码中通过以下方式导入sklearn:

```
In [1]: import sklearn
```

3.2应用sklearn聚类

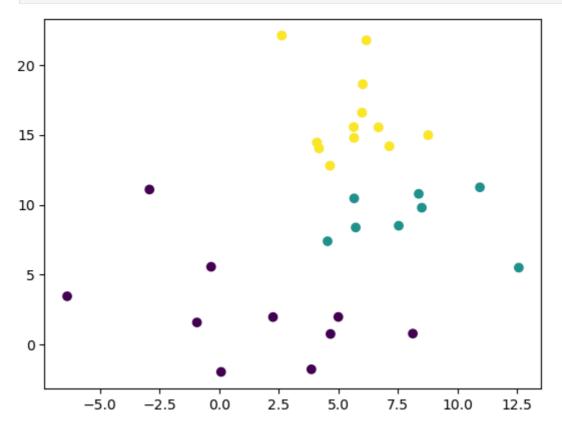
sklearn的cluster包中提供了两种实现k-means算法的方法,分别是KMeans类和k_means函数。

使用KMeans类聚类:

```
In [25]: from sklearn.cluster import k_means
   centroid, label, inertia = k_means(samples, n_clusters=3, init='random', n_init=
```

可视化聚类结果:

```
In [28]: import matplotlib.pyplot as plt
   plt.scatter(samples[:, 0], samples[:, 1], c=label)
   plt.show()
```



KMeans类提供了更丰富的接口和功能,包括方法如 fit(), predict(), 和 transform(); 而k_means函数提供了更快速、更直接的方法执行聚类,直接返回聚类结果,如簇中心、数据点标签和点到最近簇心的平方距离和。