

# การพัฒนาชุดคำสั่งการสุ่มเลือกเวชระเบียน แบบชั้นภูมิรายกลุ่มโรคเพื่อตรวจสอบ ความสมบูรณ์เวชระเบียนภายใน : ขั้นตอนที่ 1

## บทคัดย่อ

**บทนำ** การตรวจสอบความสมบูรณ์ของเวชระเบียน เป็นกระบวนการที่สำคัญที่เพิ่มคุณภาพการบันทึกเวชระเบียน ซึ่งใช้การสุ่มแบบชั้นภูมิแยกรายกลุ่มโรคเป็นขั้นตอนที่จะนำสู่การเลือกเวชระเบียนที่ผู้ตรวจสอบเวชระเบียน ต้องใช้ในการทบทวน

เทคนิคกระบวนการสุ่มเป็นไปได้อย่างยากลำบาก เนื่องจากความสลับซับซ้อนของวิธีการสุ่มซึ่งกำหนดโดยกองยุทธศาสตร์และแผนงาน โปรแกรมสำเร็จรูปจึงมีความจำเป็นการศึกษาที่จะพัฒนาโปรแกรมสำเร็จรูปนั้น

**วัตถุประสงค์** เพื่อพัฒนาชุดคำสั่งที่ช่วยสุ่มเลือกเวชระเบียน

**วิธีการศึกษา :** ผู้วิจัยจะใช้โปรแกรมวิเคราะห์ข้อมูลทางสถิติที่เป็นมาตรฐานคือโปรแกรม Stata เพื่อเลือกและสุ่ม โดยผู้วิจัยจะพัฒนาคำสั่งการสุ่มซึ่งจะกำหนดโดยเป็นการสุ่มแบบชั้นภูมิแยกรายโรค จากคำสั่งที่ใช้ในการสุ่มอย่างง่าย

**ผล:** ชุดคำสั่งที่เขียนโดยผู้ใช้งาน ถูกพัฒนาขึ้นและแขวนไว้บน GitHub platform เพื่อแจกจ่ายให้กับผู้สนใจ

**อภิปราย:** เนื่องจากโปรแกรม Stata ยังคงมีลิขสิทธิ์ และฐานข้อมูลซึ่งรวบรวมเอารายชื่อของเวชระเบียนนั้นเก็บไว้จะต้องถูกทำความสะอาดและจัดเรียงก่อนที่จะนำเข้าสู่โปรแกรม

**ข้อเสนอแนะ:** สามารถใช้ชุดคำสั่งนี้เป็นต้นแบบเพื่อพัฒนาต่อยอดด้วย python-based library ที่นิยม เช่น tkinter

## สรุปสั้น

Internal medical  
record audit  
ต้องสุ่มเลือก  
แบบชั้นภูมิรายกลุ่มโรค  
แต่ในปัจจุบันยังไม่มี  
โปรแกรมสำเร็จรูปที่จะ  
สุ่มเลือกได้ทันที

จึงต้องเขียนชุดคำสั่ง  
ขึ้นมาเอง

ได้ชุดคำสั่งสำเร็จรูปและ  
เป็นต้นแบบสำหรับ  
พัฒนาเป็น application

```
1 *****IPD*****
2 use ipd_opd_stratified sampling.dta,clear
3 destring hn,replace
4 **stratified sampling the auditation process**
5 gen diag_group=substr(pdx,1,1)
6 gen d_diag_group_number=substr(pdx,2,2) if diag_group=="D"
7 destring d_diag_group_number,replace
8 count if diag_group=="A" | diag_group=="B"
9 drop if diag_group==" "
10 drop if status=="ipd"
11 **There are missing in the principle diagnosis, 414 charts, IPD=2, OPD=412**
12 **Start sampling**
13 set seed 1234
14 sample 4 if diag_group=="A" | diag_group=="B" ,count
15 sample 2 if d_diag_group_number>=50 & d_diag_group_number!=.,count
```