การพัฒนาชุดคำสั่งการสุ่มเลือกเวชระเบียน แบบชั้นภูมิรายกลุ่มโรคเพื่อตรวจสอบ ความสมบูรณ์เวชระเบียนภายใน : ขั้นตอนที่ 1

บทคัดย่อ

สรปสั้น

บทนำ การตรวจสอบความสมบรณ์ของ เวชระเบียน เป็นกระบวนการที่สำคัญที่ เพิ่มคณภาพการบันทึกเวชระเบียน ซึ่ง ใช้การส่บแบบชั้นภูมิแยกรายกลุ่มโรค เป็นขั้นต่อนที่จะนำสการเลือกเวช ระเบียนที่ผัดรวจสอบเวชระเบียน ต้อง ใช้ในการพำเพาน เทคนิคกระบวนการส่บเป็นไปได้อย่าง

ยากลำบาก เบื่องจากควาบสลับชับช้อน ของวิธีการส่นซึ่งกำหนดโดยกอง ยทธศาสตร์และแผนงาน โปรแกรม ส่าเร็จรปจึงมีความจำเป็นการศึกษานี้จะ พัฒนาโปรแกรมสำเร็จรูปนั้น

วัตถประสงค์ เพื่อพัฒนาชดคำสั่งที่ ท่วยส่มเลือกเวทระเบียน

วิธีการศึกษา: ผู้วิจัยจะใช้โปรแกรม วิเคราะห์ข้อบลทางสถิติที่เป็นบาตรฐาน คือโปรแกรม Stata เพื่อเลือกและสม โดยผู้วิจัยจะพัฒนาคำสั่งการสมชึ่งจะ กำหนดโดยเป็นการส่มแบบชั้นภูมิแยก รายโรค จากดำสั่งที่ใช้ในการสมอย่าง

ผล: ชุดคำสั่งที่เขียนโดยผู้ใช้งาน ถูก พัฒนาขึ้นและแขวนไว้บน GitHub platform เพื่อแจกจ่ายให้กับผัสนใจ

อภิปราย: เนื่องจากโปรแกรม Stata ยังคงมีลิขสิทธิ์ และฐานข้อมูลซึ่ง รวบรวมเอารายชื่อของเวชระเบียนนั้น เก็บไว้จะต้องถูกทำความสะอาดและ จัดเรียงก่อนที่จะนำเข้าส่โปรแกรม

Internal medical record audit ต้องส่มเลือก แบบชั้นภูมิรายกลุ่มโรค แต่ในปัจจบันยังไม่มี โปรแกรมสำเร็จรูปที่จะ ส่มเลือกได้ทันที

จึงต้องเขียนชุดคำสั่ง ์ขึ้นนาเลง

ได้ชุดคำสั่งสำเร็จรูปและ เป็นต้นแบบสำหรับ พัฒนาเป็น application

ข้อเสนอแนะ: สามารถใช้ชุดคำสั่งนี้เป็นดันแบบเพื่อพัฒนาต่อยอดด้วย python-based library ที่นิยม เช่น tkinter

use ipd_opd_stratified sampling.dta,clear

destring hn, replace

stratified sampling the auditation process gen diag group=substr(pdx,1,1)

gen d_diag_group_number=substr(pdx,2,2) if diag_group=="D"
destring d_diag_group_number,replace

count if diag_group=="A" | diag_group=="B"
drop if diag_group==""

10 drop if status=="ipd"

Start sampling set seed 1234

sample 4 if diag_group=="A" | diag_group=="B" ,count sample 2 if d_diag_group_number>=50 & d_diag_group_number!=.,count



There are missing in the principle diagnosis, 414 charts, IPD=2, OPD=412