

Praca dyplomowa inżynierska

na kierunku Informatyka

Interfejs użytkownika do manualnego obrysu struktur oraz wybranych anormalności w obrazach medycznych z wykorzystaniem tabletu graficznego

Łukasz Garstecki

Numer albumu 276857

Tomasz Świerczewski

Numer albumu 276915

promotor

dr inż. Magdalena Jasionowska

WARSZAWA 2019



${\bf Streszczenie}$

Interfejs użytkownika do manualnego obrysu struktur oraz wybranych anormalności w obrazach medycznych z wykorzystaniem tabletu graficznego

Przykładowe streszczenie. Do wykonania jako ostatnie.

Słowa kluczowe: slowo1, slowo2, ...

Abstract

English title

Sample abstract in english.

 $\textbf{Keywords:} \ \text{keyword1}, \ \text{keyword2}, \ \dots$

	Warszawa, dnia		
Oświadczenie			
Oświadczam, że moją część pracy inżynierskiej (zgodnie z podziałem zadań opisanym na wstępie) pod tytułem "Interfejs użytkownika do manualnego obrysu struktur oraz wybranych anormalności w obrazach medycznych z wykorzystaniem tabletu graficznego", której promotorem			
jest dr inż. Magdalena Jasionowska, wykonałem samodzielnie, co podpisem.	ooświadczam własnoręcznym		

.....

Spis treści

W	stęp			11
1	Wp	rowadz	enie	12
	1.1	Zagdaı	nienia medyczne związane z aplikacją	12
	1.2	Podzia	ał prac	12
2	Sta	n wiedz	zy	13
	2.1	Przegl	ąd istniejących rozwiązań	13
		2.1.1	Cornerstone	13
		2.1.2	DICOM Web Viewer (DWV)	14
		2.1.3	Dicom-contour	14
		2.1.4	Orthanc	14
	2.2	Propos	nowane rozwiązanie	15
3	Opi	s autor	rskiego systemu informatycznego	17
	3.1	Specyf	ikacja wymagań	17
		3.1.1	Opis biznesowy	17
		3.1.2	Wymagania funkcjonalne	17
		3.1.3	Wymagania niefunkcjonalne	19
	3.2	Archit	ektura rozwiązania	19
	3.3	Oprace	owany algorytm półautomatyczny	19
		3.3.1	Wykrycie krawędzi na bitmapie	21
		3.3.2	Stworzenie grafu z bitmapy	23
		3.3.3	Zapewnienie spójności grafu	28
		3.3.4	Wyszukanie najkrótszych ścieżek w grafie	29
		3.3.5	Optymalizacja	32
	3.4	Moduł	obliczeń statystyk	33

4	4 Przeprowadzone eksperymenty		
	4.1	Zbiór testowy	34
	4.2	Wydajność algorytmu półautomatycznego	34
	4.3	Analiza wyników i wnioski	34
5	Pod	sumowanie	35
	5.1	Napotkane problemy i ograniczenia	35
	5.2	Możliwości dalszego rozwoju	35
Bi	bliog	grafia	36
In	struk	ccja instalacji	38
In	struk	cja użytkowania	39
W	ykaz	symboli i skrótów	40
Sp	Spis zawartości załączonej płyty CD 4		

Wstęp

O czym jest praca? Co się w niej znajduje? Jaki jest wkład autora?

- 1. Wprowadzenie
- 1.1. Zagdanienia medyczne związane z aplikacją
- 1.2. Podział prac

2. Stan wiedzy

W poniższym rozdziałe zostały przestawione istniejące na rynku aplikacje oferujące podobne funkcjonalności do wymagań postawionych przed autorskim systemem do obrysów na obrazach DICOM. Przedstawiono również proponowane rozwiązanie postawionych przed systemem wymagań.

2.1. Przegląd istniejących rozwiązań

2.1.1. Cornerstone

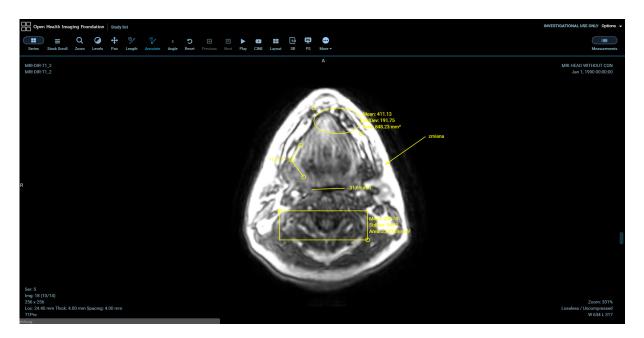
Cornerstone Core to biblioteka, która umożliwia wyświetlanie obrazów medycznych z wykożystaniem elementu canvas z języka HTML5. Biblioteka udostępnia interfejs do wyświetlania obrazów medycznych pozwalający na zarządzanie wyświetlaniem zdjęcia. Podstawowe funkcjonalności obsługiwane przez bibliotekę to:

- Przybliżanie i oddalanie obrazu.
- Obrót obrazu.
- Przesuwanie obrazu w wyświetlanym komponencie.
- Zmiana jasności wyświetlanego obrazu.
- Mapowanie kolorów.
- Interpolacja pikseli w obrazie (dla obrazów o niskiej rozdzielczości).

Ponadto twórcy biblioteki Cornerstone Core stworzyli bibliotekę Cornerstone Tools, która korzysta z biblioteki Cornerstone Core i umożliwia wiele funkcjonalności potrzebnych lekarzom do analizy badań pacjentów. Poza funkcjonalnościami Cornerstone Core umożliwia także:

- Mierzenie odległości w linii prostej na obrazie z podaniem rzeczywistych wartości.
- Oznaczanie obszarów przy pomocy prostokątów oraz elips.
- oznaczanie niewielkich zmian w postaci małego okręgu.
- Mierzenie kątów na podstawie 3 podanych przez użytkownika punktów.

Przykładowym projektem korzystającym z bibliotek Cornerstone jest OHIF¹ Viewer. Aplikacja pozwala na wykorzystanie większości możliwości udostępnianych przez biblioteki Cornerstone. Przykładowe urzycie aplikacji zostało przedstawione na rysunku 2.1.



Rysunek 2.1: Przykład użycia aplikacji OGIF Viewer

2.1.2. DICOM Web Viewer (DWV)

2.1.3. Dicom-contour

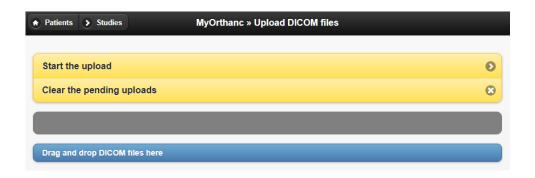
2.1.4. Orthanc

Orthanc to serwer z bazą plików DICOM, który umożliwia łatwe przechowywanie, zarządzanie oraz dostęp do plików medycznych DICOM. Ponadto Orthanc udostępnia REST API, które umożliwia przeglądanie wgranych na serwer plików DICOM podzielonych względem pacjentów, badań i serii.

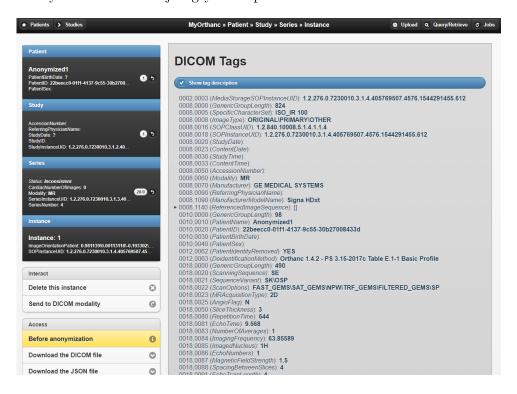
Serwer Orthanc udostępnia również prosty interfejs przeglądarkowy który pozwala na wgrywanie nowych plików (interfejs wgrywania plików przedstawiono na ryskunku 2.2), przeglądanie zapisanych plików — w szczególności tagów (rysunek 2.3) oraz podglądu obrazu (rysunek 2.4). Interfejs przeglądarkowy nie zapewnia żadnej metody rysowania na przeglądanym obrazie. Pozwala natomiast na przełączanie obrazu na kolejny lub poprzedni poprzez kliknięcie lewym przyciskiem myszy w prawą lub część podglądu obrazu.

¹Open Health Imaging Foundation - http://ohif.org/

2.2. Proponowane rozwiązanie

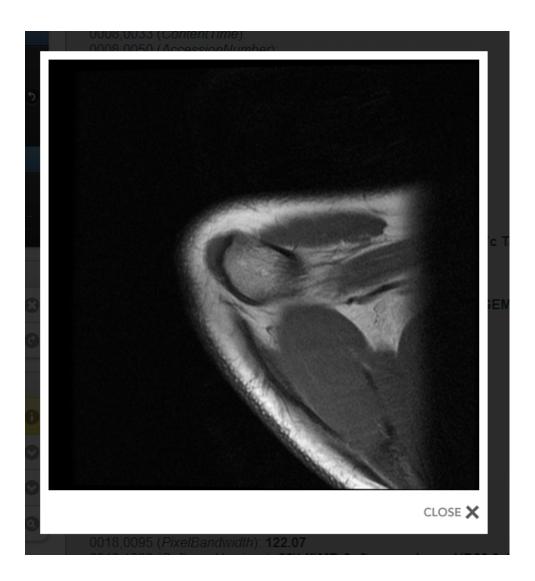


Rysunek 2.2: Interfejs wgrywania plików DICOM do serwera Orthanc



Rysunek 2.3: Podgląd tagów pliku DICOM przez interfejs przeglądarkowy Orthanc

2.2. Proponowane rozwiązanie



Rysunek 2.4: Podgląd obrazu DICOM przez interfejs przeglądarkowy Orthanc

3. Opis autorskiego systemu informatycznego

W poniższym rozdziale zawarto dokumentację techniczną i biznesową tworzonego systemu. Przedstawiono w szczególności: wymagania, architekturę, zastosowane metody półautomatycznego obrysu oraz metody obliczania statystyk obrysu.

3.1. Specyfikacja wymagań

3.1.1. Opis biznesowy

Celem projektu jest stworzenie interfejsu przyjaznego użytkownikowi, który umożliwi przeglądanie plików DICOM, a także przeprowadzanie na tych plikach obrysów. Prace obejmują stworzenie aplikacji webowej, która udostępni użytkownikowi interfejs komunikujący się z bazą danych Orthanc oraz serwera odpowiedzialnego za przechowywanie wygenerowanych przez użytkownika obrysów oraz wyznaczanie obrysów półautomatycznych.

Do podstawowych funkcjonalności systemu zaliczają się:

- Generowanie obrysu manualnego.
- Generowanie obrysu półautomatycznego na podstawie punktów podanych przez użytkownika.
- Zapisywanie wygenerowanych obrysów.
- Anonimizacja¹ danych zapisanych w strukturze pliku DICOM.

3.1.2. Wymagania funkcjonalne

Poniżej przedstawiono wymagania funkcjonalne w postaci historyjek użytkownika (ang. user stories):

¹Anonimizacja (ang. anonymization) — operacja mająca na celu usunięcie z danych informacji o pacjentach, które pozwoliłyby na identyfikację danych z tożsamością pacjenta. Są to między innymi: imiona, nazwisko, pesel. Inne tłumaczenia słowa anonymization — utajnianie, usuwanie danych niejawnych. Z uwagę na fakt, że te tłumaczenia nie oddają dobrze kontekstu zastosowano kalkę językową.

1. Jako użytkownik chcę wczytać obraz DICOM.

Użytkownik może wybrać obraz w menu bocznym, w którym ma możliwość wyboru pacjenta, badania oraz serii. Wybranie serii skutkuje wyświetleniem pierwszego obrazu DI-COM z tej serii.

2. Jako użytkownik chcę zmienić obraz w serii przy użyciu rolki myszy.

Po najechaniu na obraz przewijanie rolką myszy do góry powoduje zmianę wyświetlanego obrazu na kolejny obraz w serii. Gdy przewijamy rolką myszy do góry na ostatnim obrazie w serii wyświetlany obraz nie zmienia się. Analogicznie przewijanie rolką myszy w dół powoduje zmianę wyświetlanego obrazu na poprzedni obraz w serii, a przewijanie w dół rolką myszy na pierwszym obrazie w serii nie powoduje zmiany obrazu.

3. Jako użytkownik chcę wykonać obrys przy użyciu tabletu graficznego.

Po najechaniu na obraz kursorem sterowanym przez tablet graficzny, po wciśnięciu końcówki rysika użytkownik prowadzi kursor po obrazie wykonując obrys bez odrywania końcówki rysika od podkładki. Jeżeli użytkownik nie zakończy obrysu dokładnie w punkcie, w którym go rozpoczął, obrys powinien zakończyć się linią prostą, łączącą punkt końcowy z punktem początkowym.

4. Jako użytkownik chcę wygenerować obrys na podstawie wybranych punktów.

Po najechaniu kursorem na obraz użytkownik może wybierać punkty, na podstawie których zostanie wygenerowany obrys, poprzez wciśnięcie lewego przycisku myszy w miejscach, w których chce, aby znalazły się punkty. Użytkownik może zobaczyć efekt wygenerowanego przez system obrysu

5. Jako użytkownik chcę edytować listę punktów, z której wygenerowany zostanie obrys.

Użytkownik może usunąć wcześniej wybrany punkt po najechaniu na niego kursorem i wciśnięciu lewego przycisku myszy. Użytkownik może dodać nowy punkt do listy punktów poprzez wciśnięcie lewego przycisku myszy w miejscu, w którym chce wstawić punkt.

6. Jako użytkownik chcę wybrać kolor obrysu.

Użytkownik wybiera kolor z palety kolorów lub zdefiniować własny kolor poprzez podanie numeru RGB koloru, który chce wybrać.

7. Jako użytkownik chcę zapisać obrys.

Po wykonaniu obrysu manualnego lub wybraniu listy punktów do wygenerowania obrysu półautomatycznego użytkownik wybiera nazwę obrysu i zapisuje obrys w systemie.

3.2. Architektura rozwiązania

8. Jako użytkownik chcę obejrzeć zapisany obrys.

Użytkownik wybiera z listy po prawej stronie zapisany obrys i przegląda obrys naniesiony na obraz, na którym został wykonany.

9. Jako użytkownik chcę zobaczyć statystyki dotyczące obrysu.

Użytkownik wybiera z listy po prawej stronie zapisany obrys i przegląda statystyki obliczone na podstawie zapisanego obrysu. Do statystyk zalicza się obwód obrysu, pole obrysu, histogram obrazu na obszarze obrysu oraz liczba pikseli wewnątrz obrysu.

10. Jako użytkownik chcę zobaczyć jednocześnie dowolną liczbę zapisanych w systemie obrysów na jednym obrazie DICOM.

Użytkownik wybiera poprzez kliknięcie lewym przyciskiem myszy na nazwie obrysu znajdującej się na liście po prawej stronie. Wybrane obrysy wyświetlane są jednocześnie na przeglądanym przez użytkownika zdjęciu. Użytkownik może wyłączyć podgląd wcześniej wybranego obrysu poprzez ponowne wciśnięcie lewego przycisku myszy na nazwie obrysu na liście po prawej stronie. Na zdjęciu wyświetlane są jedynie obrysy wykonane na tym obrazie.

11. Jako użytkownik chcę zanonimizować dane pacjenta zawarte w pliku DICOM.

Użytkownik może zanonimizować pacjenta, gdy przegląda jego obraz. Użytkownik może anonimizować imię i nazwisko pacjenta, datę urodzenia pacjenta oraz płeć pacjenta poprzez nadanie nowych wartości lub poprzez usunięcie poprzedniej wartości i pozostawienie pustych pól w formularzu.

3.1.3. Wymagania niefunkcjonalne

Tabela 3.1 przedstawia wymagania niefunkcjonalne, które system musi spełnić.

3.2. Architektura rozwiązania

3.3. Opracowany algorytm półautomatyczny

Opracowany algorytm półautomatyczny służy do wykrywania krawędzi na obrazie medycznym. Jest algorytmem półautomatycznym, ponieważ jest wspomagany przez człowieka — użytkownika, który wybiera punkty na ekranie. Te punkty są interpolowane przez algorytm półautomatyczny, zwany dalej algorytmem.

Jako dane wejściowe do algorytmu uzyskujemy następujące informacje:

Tablica 3.1: Spis wymagań niefunkcjonalnych

		s wymagań niefunkcjonalnych
Obszar wymagań	Nr wymaga-	Opis
	nia	
Użyteczność (ang.	1	Każda funkcjonalność aplikacji dostępna dla
Usability)		użytkownika musi mieścić się na pojedynczym
		ekranie przy rozdzielczości 1920x1080 i czcionce
		nie mniejszej niż 12pt.
	2	Aplikacja powinna udostępniać pobranie zapisa-
		nych obrysów przy użyciu serwisu REST.
Niezawo dność	3	Aplikacja ma być dostępna 24h w ciągu doby.
(ang. Reliability)		Dopuszczalne jest brak działania aplikacji w do-
		wolnym momencie przez okres nie dłuższy niż
		przez 12h. Po przerwie w działaniu aplikacja
		musi być dostępna przez kolejne 24h bez utrud-
		nień.
Wydajność (ang.	4	Aplikacja powinna pobierać dane zewnętrzne w
Performance)		postaci pliku DICOM (około 20MB) nie dłużej
		niż 5 sekund
	5	Aplikacja powinna generować obrys półautoma-
		tyczny i zapisywać obrys do systemu w czasie nie
		dłuższym niż 30 sekund.
	6	Aplikacja powinna reagować na działanie użyt-
		kownika (z wyłączeniem generowania obrysu
		półautomatycznego i zapisu obrysu do systemu)
		w czasie nie dłuższym niż 1 sekunda.

3.3. Opracowany algorytm półautomatyczny

- Identyfikator obrazu medycznego, na którym był wykonywany obrys.
- Lista punktów wybranych przez użytkownika. Punkty te zostały wcześniej przeskalowane ze współrzędnych w aplikacji internetowej (aplikacji webowej, ang. web application) na współrzędne odpowiadające rozdzielczości obrazu medycznego.

Algorytm można podzielić na kilka ważnych etapów:

- Wykrycie krawędzi na bitmapie,
- Stworzenie grafu z bitmapy,
- Zapewnienie spójności grafu,
- Wyszukanie najkrótszych ścieżek w grafie.

Poniżej zostaną przedstawione dokładne rozwiązania dla każdego z tych kroków. Przed rozpoczęciem przetwarzania jest pobierany obraz medyczny o danym wcześniej identyfikatorze ze serweru Orthanc. Jest on podstawą do dalszej pracy algorytmu.

3.3.1. Wykrycie krawędzi na bitmapie

Często na obrazach medycznych różnice w charakterystyce poziomów szarości pikseli reprezentujących interesujące nas obiekty są małe, nie są dane dodatkowe informacje o naturze obrazu. Problem opracowania uniwersalnego algorytmu wykrywania krawędzi jest problemem trudnym. Dla wielu algorytmów można znaleźć takie przykłady, że te algorytmy nie wyznaczą poprawnie krawędzi. Ponadto są wymagania dla stwierdzania poprawności działania danego algorytmu, czy też operatora morfologicznego. Zgodnie z [4] "dobry detektor krawędzi powinien spełniać następujące warunki:

- niskie prawdopodobieństwo zaznaczenia punktów nienależących do krawędzi oraz niskie prawdopodobieństwo niezaznaczenia punktów należących do krawędzi,
- zaznaczone pukty krawędzi powinny być możliwie blisko jej osi,
- wyłacznie jedna odpowiedź na pojedyńczy punkt krawędzi."

Po zapoznaniu się z literaturą związaną z przetwarzaniem obrazów medycznych w algorytmie został użyty operator Canny'ego. Jest on powszechnym i dobrze sprawdzonym rozwiązaniem do wykrywania krawędzi. Jak napisał autor [4] "Operator ten (Canny'ego) jest bardzo popularny, chętnie wykorzystywany i adoptowany do wielu zastosowań. (...) Stał on się również standardem często używanym do porównań innych metod wykrywania krawędzi." Zgodnie z rysunkiem 4.25 "Porównanie operatorów wykrywania krawędzi" w [4] najlepiej wykrywał główne narządy, takie jak wątroba czy też trzustka. Z wyżej wymienionych powodów został on wykorzystany w tym algorytmie.

Operator Canny'ego [5] składa się z 3 zasadniczych kroków:

1. Określenie wartości i kąta gradientu.

W tym celu został wykorzystany operator gradientu, a estymatorem gradientu w funkcji dyskrentej, jaką jest obraz zastosowano maskę, czy też operator Sobela. Wykorzystując go uzskano dla każdego piksela wielkość oraz kierunek gradientu, co służy do dalszych obliczeń.

2. Wykrycie miejsc występowania krawędzi.

W tym celu został wykorzystany algorytm non-max suppression. Polega on na wyborze takich pikseli, które mają największą wartość gradientu na linii o kierunku zgodnym z kątem danego gradientu. Możliwe są 4 kierunki: pionowy, poziomy oraz dwa diagonalne. Jeśli dany piksel miał większą wartość gradientu od dwóch swoich sąsiadów, to zaznaczono go jako potencjalny punkt tworzący krawędzie. W ten sposób otrzymano obraz z potencjalnymi krawędziami.

3. Wyznaczanie krawędzi progowaniem histerezy

Po poprzednim kroku na obrazie nadal znajdują się nieistotne krawędzie. W tym celu Canny wprowadził ideę progowania histerezy. Metoda ta wymaga 2 wartości progowych T_1, T_2 takich, że $T_1 < T_2$. Jeżeli wartość gradientu w danym pikselu jest większa od T_2 , to zaznaczono ten punkt jako krawędź. Jeśli tak się stało, to zaczęto proces śledzenia krawędzi — dla każdego sąsiada, którego wartość gradientu jest większa od T_1 zaznaczono go jako krawędź. Jest ona wykonywana rekurencyjnie dla każdego zakwalifikowanego punktu.

Zamiast dokładnych wartości progowych można przekazać do funkcji 2 wartości — t_1, t_2 , które są procentem liczby pikseli, które będą niedopuszczone jako krawędzie. Dla $t_1 = 0.7, t_2 = 0.9$ dopuszczono tylko 10% pikseli jako te, które są większe od T_2 . Podając t_1, t_2 wyznaczono rozkład wartości gradientu w badanym obrazie, obliczono dystrybuantę F(x) i wybrano dla T_1 ten argument, dla którego $F(x) = t_1 * liczbapikseli$ i analogicznie dla T_2 . W ten sposób wyznaczono progi do histerezy.

Operator Sobela [6] to metoda wyznaczania gradientu, a więc zarazem krawędzi zarówno w kierunku poziomym, jak i w pionowym. Dla każdego piksela przeprowadzono operację morflologiczną z następującymi maskami:

Maska rzędów Maska kolumn -1 -2 -1 -1 0 1 0 0 0 -2 0 2 1 2 1 -1 0 1

3.3. Opracowany algorytm półautomatyczny

Po wykonaniu tych operacji otrzymano wartości s_1 i s_2 odpowiednio dla maski rzędów i kolumn. Na podstawie tych danych otrzymano następujące informacje o gradiencie:

Wielkość gradientu Kierunek krawędzi

$$\sqrt{s_1^2 + s_2^2} \qquad \tan^{-1} \left[\frac{s_1}{s_2} \right]$$

Detektory krawędzi oparte na gradiencie, w tym operator Canny'ego są często używane. Za ich główne zalety na podstawie [4] są:

- Dają dobre wyniki dla obrazów o dobrej jakości i bez szumów.
- Są wydajne ich złożoność jest liniowa względem liczby przetwarzanych pikseli.
- Nie wymagają skomplikowanej sztucznej inteligencji do działania.

Zgodnie z [4] za ich główne wady można uznać:

- "Konieczność określenia rozmiaru maski i wartości progowej. Rozmiar maski znacząco wpływa na położenie miejsc, w których gradient przecina zera lub osiąga wartości maksymalne.
- Pomijanie narożników spowodowane faktem, że wartość 1D gradientu w narożnikach jest zwyczajnie mała.
- Operator pierwszej pochodnej wykrywa tylko schodkowe krawędzie.
- Duża wrażliwość na szum."
- Na podstawie obserwacji działania algorytmu rozmyte krawędzie często nie są wykrywane przez małe różnice w wartościach kolejnych sąsiadujących pikseli.

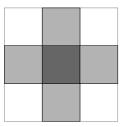
W ten sposób otrzymano macierz, gdzie każde pole w macierzy odpowiada pikselowi w wejściowej bitmapie — obrazie medycznym. Jeśli w komórce macierzy znajduje się 1, to w tym miejscu na bitmapie znajduje się krawędź, w przeciwnym przypadku 0. W ten sposób algorytm wykrył wszystkie znaczące krawędzie na bitmapie. Kolejnym krokiem przetwarzania było stworzenie grafu na podstawie wyżej wymienionej macierzy.

3.3.2. Stworzenie grafu z bitmapy

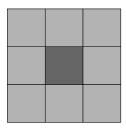
Na tym etapie algorytm potrzebuje następujących danych wejściowych:

- Macierz z wartościami logicznymi prawda/fałsz czy znajduje się danym punkcie krawędź.
 Może to być także realizowane poprzez macierz wartości liczbowych.
- Punkty wybrane przez użytkownika aplikacji.

Przed rozpoczęciem działania algorytmu należy zapewnić łączność 4-krotną (ang. Pixel 4-connectivity) [7]. Jest ona zwana także sąsiedztwem von Neumanna. Przy łączności 4-krotnej sprawdza się tylko sąsiadów w poziomie lub pionie.



Dla łączności 8-krotnej sprawdza się wszystkich możliwych sąsiadów, także po przekątnej. Jest ona zwana także sąsiedztwem Moore'a lub otoczeniem Moore'a [8].



W przypadku zastosowania łączności 8-krotnej przy wyznaczaniu długości krawędzi musiano by zastosować metrykę Czebyszewa, która jest specjalnym przypadkiem odległości Minkowskiego. Jeśli zostanie łączność 4-krotna to długość krawędzi byłaby obliczana zgodnie z metryką miejską, zwaną też metryką Manhattan.

Metryka Manhattan w kontekście dalszego przetwarzania w celu wyszukiwania najkrótszych ścieżek w grafie jest bardziej adekwatna, ponieważ jest intuicyjna w wyznaczaniu odległości na obrazie płaskim w porównaniu do metryki Czebyszewa. W tym przypadku najlepsza byłbay tutaj metryka Euklidesa, lecz mamy do czynienia nie z kolejnymi punktami oddalonymi od siebie, a z sąsiadującymi pikselami. Ponadto w tym algorytmie istotne jest szybkie szacowanie odległości, czy też długości danej krawędzi.

Wykrywanie wierzchołków przy łączności 4-krotnej jest prostsze. Wystarczy zliczyć liczbę sąsiadów. Poniżej zakładamy, że piksel jest oznaczony jako krawędź w macierzy wejściowej. W zależności od liczby sąsiadów mamy następujące przypadki:

- 0 wierzchołek izolowany,
- 1 punkty końcowe (ang. endpixels),
- 2 punkty łączące (ang. linkpixels), czyli fragmenty krawędzi,
- 3–4 punkty węzłowe (ang. vertices), czyli punkty, od których odchodzą co najmniej 3 krawędzie.

3.3. Opracowany algorytm półautomatyczny

W przypadku łączności 8-krotnej do detekcji wierzchołków należałoby stosować przekształcenia Hit-or-Miss z elementami strukturalnymi. Elementy strukturalne do wykrywania odpowiednich punktów są następujące:

• wierzchołek izolowany:

$$\begin{bmatrix} 0 & 0 & 0 \\ 0 & 1 & 0 \\ 0 & 0 & 0 \end{bmatrix},$$

• punkty końcowe (ang. endpixels):

$$\begin{bmatrix} 0 & 0 & 0 \\ 0 & 1 & 0 \\ z & z & z \end{bmatrix},$$

- punkty łączące (ang. linkpixels), czyli fragmenty krawędzi, posiadają dokładnie 2 sąsiadów,
- punkty węzłowe (ang. vertices), czyli punkty, od których odchodzą co najmniej 3 krawędzie:

$$\begin{bmatrix} z & 1 & z \\ z & 1 & z \\ z & z & 1 \end{bmatrix} \text{ lub } \begin{bmatrix} 1 & z & z \\ z & 1 & z \\ 1 & z & 1 \end{bmatrix},.$$

Warto zauważyć, że te elementy strukturalne należy obracać o 90, 180, 270 stopni. Za każdym razem potrzeba wielokrotnie sprawdzać te same piksele. Ponadto należy sprawdzać 8, a nie 4 sąsiadów.

Kolejnym problemem jest fakt, że przy spójności 8-krotnej przekształcenie Hit-or-Miss może w najbliższym otoczeniu punktu krzyżowania się krawędzi oznaczyć kilka otaczających punktów, jako punkty węzłowe. Jest to złe rozwiązanie, ponieważ w ten sposób może nawet kilkukrotnie zwiększyć liczbę wierzchołków w grafie, co przełożyłoby się na niską wydajność algorytmu.

Ostatnim problemem z jakim należałoby się wiązać wybierając łączność 8-krotną jest fakt, że macierz wejściową dla tego etapu algorytmu należałby poddać procesowi szkieletyzacji. Najlepiej byłoby w tym celu skorzystać z algorytmu KMM [9] lub K3M [10]. Te algorytmy musiałby co namniej raz przejrzeć całą macierz z wykrytymi krawędziami w optymistycznym przypadku.

Z wyżej wymienionych powodów zdecydowano się na łączność 4-krotną. Przygotowano i zaimplementowano algorytm tworzący graf z bitmapy, a jego pseudokod znajduje się poniżej.

```
    MATRIX - macierz wejściowa z oznaczonymi krawędziami jako 1
    foreach(punkt A taki, że MATRIX(A) == 1)
    {
    if ( punkt A ma 1 sąsiada albo co najmniej 3 sąsiadów )
```

```
{
 5)
 6)
            // (tzn. jest albo punktem końcowym albo węzłowym)
            wstaw punkt A do kolejki wierzchołków L_V
7)
8)
            while (kolejka wierzchołków L_V niepusta)
9)
            {
10)
                weź wierzchołek V_1 z kolejki L_V
                usuń V_1 z kolejki L_V
11)
                dodaj wierzchołek V_1 do grafu G
12)
                foreach (punkt B sąsiadujący z V_1 )
13)
14)
                {
15)
                    if ( MATRIX(B) == 1 )
                    {
16)
17)
                        stwórz nową krawędź E.
18)
                        dodaj B do E
19)
                        ustaw wierzchołek V_1 jako początek krawędzi E
20)
                        dodaj krawędź E do kolejki przetwarzanych krawędzi L_E
21)
                    }
22)
                    while ( L_E niepusta)
23)
                    {
24)
                        weź krawędź E z L_E
25)
                        usuń E z kolejki
26)
                        stwórz kolejkę potencjalnych punktów krawędzi E, L_P
27)
                        weź punkt C z E
28)
                        usuń C z E
29)
                        dodaj punkt C do kolejki L_P
30)
                        while ( L_P niepusta )
31)
                        {
32)
                            weź punkt D z L_P
33)
                            usuń D z L_P
34)
                            K = liczba sąsiadów D
35)
                             if ( K == 0 lub K > 1 )
36)
                             {
37)
                                 stwórz wierzchołek V_2, który znajduje się w D
38)
                                 do listy krawędzi wierzchołka V_2 dodaj E
```

```
39)
                                  do listy krawędzi wierzchołka V_1 dodaj E
40)
                                  ustaw wierzchołek V_2 jako koniec krawędzi E
41)
                                  dodaj krawędź E do grafu G
42)
                                  dodaj wierzchołek V_2 do kolejki L_V
43)
                              }
44)
                              if ( K == 1 )
                              {
45)
46)
                                  dodaj punkt D do E
47)
                                  foreach ( punkt F sąsiadujący z D )
48)
                                  {
49)
                                      if (MATRIX(F) == 1)
                                       {
50)
51)
                                           dodaj F do L_P
                                      }
52)
                                  }
53)
54)
                              }
55)
                              MATRIX(D) = 1
56)
                          }
57)
                     }
                 }
58)
59)
            }
        }
60)
61) }
62) Zwróć graf G
```

Utworzony w ten sposób graf jest grafem nieskierowanym z wagami, gdzie wagi to liczba pikseli, czy też punktów należących do krawędzi. Graf ten może nie być spójny. Ponadto ten graf może nie zawierać wierzchołków, które pokrywają się z punktami wybranymi przez użytkownika.

Graf ten zazwyczaj jest rzadki, ponieważ liczba jego krawędzi jest rzędu liczby jego wierzchołków. Z uwagi na czasami bardzo dużą liczbę wierzchołków — nawet do kilkudziesięciu tysięcy — próba implementacji przy pomocy macierzy sąsiedztwa mogłaby spowodować zużycie całej możliwej pamięci operacyjnej. Dla 50 tysięcy wierzchołków program musiałby zadeklarować macierz sąsiedztwa zawierającą 2,5 miliarda komórek. Z tych powodów graf został zaimplementowany przy pomoc list sąsiedztwa.

W przyjętej implementacji każda krawędź zawiera dodatkowo informację o tym, jakie piksele

należą do danej krawędzi w rzeczywistym obrazie.

3.3.3. Zapewnienie spójności grafu

W pierwszym kroku na tym etapie przetwarzania grafu dodajemu punkty wybrane przez użytkownika do grafu.

Graf, który uzyskaliśmy w poprzednim kroku może nie być spójny. Powoduje to fakt, że między punktami wybranymi przez użytkownika mogą nie istnieć ścieżki. W celu zapewnienia spójności grafu należy dodawać sztuczne krawędzie. Zostają one dodawane z większymi wagami, niż wynikałoby to w rzeczywistości z liczebności listy pikseli, które reprezentują, ponieważ ma to na celu używanie z większym priorytetem prawdziwych krawędzi, a nie sztucznych. W sytuacji gdy nie istnieje dobre połączenie, to zostaną użyte krawędzie sztuczne. Duże wagi dodatkowo będą zmuszały algorytmy wyszukiwania najkrótszych ścieżek w grafie do minimalizowania długości takich ścieżek.

Do znajdowania spójnych składowych grafu najczęściej używa się albo algorytmu przeszukiwania grafu w głąb (ang. Depth-first search, w skrócie DFS) lub przeszukiwania grafu wszerz (ang. Breadth-first search, w skrócie BFS) [11]. Użyto algorytmu przeszukiwania wszerz, opierając się na przykładowej implementacji w materiałach [14]. Wykorzystano Queue<T>, a zatem kolejkę, więc jest to przeszukiwanie wszerz. Złożoność obliczeniowa tego algorytmu to O(|E|).

Po wyznaczeniu spójnych składowych grafu dla każdej pary składowych znajdowano taką parę wierzchołków, że odległość między nimi jest minimalna. Jeśli ta odległość była mniejsza niż maksymalna odległość między dwoma dowolnymi punktami zaznaczonymi przez użytkownika, to była dodawana sztuczna krawędź o wadze 2,5 razy większej niż odległość wynikająca z metryki Manhattan pomiędzy tymi dwoma wierzchołkami.

Przykład zasady działania tej operacji przedstawia poniższy pseudokod:

```
1) foreach (Spójna składowa grafu s1)
2) {
3)    foreach (Spójna składowa grafu s2, różna od s1 i nie przetwarzana
        wcześniej jako s1)
4)    {
5)        Wybierz wierzchołek v1 z s1 i v2 z s2 takie, że odległość pomiędzy
        nimi jest najmniejsza ze wszystkich takich par
6)        Dodaj sztuczną krawędź pomiędzy v1 i v2
7)    }
8) }
```

W ten sposób osiągnięto spójny graf, który zawiera punkty dodane przez użytkownika.

3.3.4. Wyszukanie najkrótszych ścieżek w grafie

Na tym etapie została zapewniona spójność grafu, z całą pewnością istnieje ścieżka pomiędzy punktami wybranymi przez użytkownika, te punkty są osiągalne. Pozostało wybrać najkrótszą ścieżkę łączącą kolejne te punkty. Zakładamy, że jest dana jest lista punktów wybranych przez użytkownika i zawiera ona kolejne punkty, tzn. pierwszy należy połączyć z drugim, drugi z trzeci, ..., ostatni z pierwszym.

Warto zaznaczyć, że wyszukiwane były ścieżki o minimalnej wadze, czy też o minimalnym koszcie. Z uwagi na fakt, że wagi w grafie są ściśle związane z odległościami to używane jest sformułowanie szukania najkrótszych ścieżek. Wagi w tym grafie są nieujemne. Może istnieć w tym grafie kilka ścieżek z jednego punktu do drugiego o tym samym koszcie, więc algorytm kończy swoje działanie na typ etapie gdy znajdzie jedną z nich. W tym grafie nie występują krawędzie wielokrotne. Ten graf nie zawiera cykli własnych.

Do wyszukiwania najkrótszych ścieżek w grafie po zgłębieniu literatury [11] i [14] były rozważane do użycia 2 algorytmy. Był to algorytm Dijkstry i A^* . Do algorytmu A^* była rozważana heurestyka w postaci odległości miejskiej, Manhattan z wierzchołka v do celu t, ozn. h(v).

Zgodnie z [14] "Funkcja h musi spełniać następujące warunki:

- musi być oszacowaniem dolnym, czyli dla każdego wierzchołka v h(v) <= odległość v od celu t,
- musi być monotoniczna, czylid la dowolnej krawędzi < u,v>h(u)<=waga< u,v>+h(v)."

Heurestyka w postaci metryki Manhattan spełnia te wymagania. Z tego powodu może zostać wykorzystany algorytm A*. Porównując złożoności algorytmu A* i Dijkstry w [14] możemy zauważyć, że algorytm A* w psymistycznym przypadku ma taką samą złożoność jak algorytm Djikstry, czyli O(|E|*log(|V|)) z kolejką priorytetową dla grafów rzadkich, a $O(|V|^2)$ nie wykorzystując kolejki priorytetowej dla grafów gęstych. W praktyce dla grafów rzadkich nie ma potrzeby rozważania znacznej części wierzchołków, co poprawia złożoność średnią. Wynosi ona wtedy O(|E|).

Do implementacji wyszukiwania najkrótszych ścieżek w grafie na podstawie wyżej wymienionych wniosków został wykorzystany algorytm A* z heurestyką w postaci metryki Manhattan. Przykładowy pseudokod tego algorytmie można znaleźć w [14] i jest on następujący:

1) CLOSE = 0 // zbiór (z szybkim sprawdzeniem przynależności)

```
2) OPEN = {s} // kolejka priorytetowa
 3) // priorytety - sumy odległości wierzchołków od źródła
 4) // i oszacowań odległości tych wierzchołków od celu
 5) odległość[s] = 0
 6) while ( OPEN niepusty )
 7) {
 8)
        u = wierzchołek należący do OPEN taki, że
 9)
            odległość[u] + oszacowanie[u,t] <=
10)
            odległość[w] + oszacowanie[w,t]
11)
            dla wszystkich w należących do OPEN
12)
        usuń u z OPEN
        wstaw u do CLOSE
13)
14)
        if (u == t) break
15)
        foreach ( wierzchołek w sąsiadujący z u taki, że w należący do CLOSE )
16)
        {
            if ( w należy do OPEN )
17)
            {
18)
19)
                odległość[w] = nieskończoność
                wstaw w do OPEN
20)
            }
21)
22)
               ( odległość[w] > odległość[u] + waga<u,w> )
23)
            {
                odległość[w] = odległość[u] + waga<u,w>
24)
                aktualizacja priorytetu wierzchołka w (w OPEN)
25)
26)
                poprzedni[w] = u
27)
            }
28)
        }
29) }
```

Aby maksymalnie dobrze wykorzystać niską złożoność obliczeniową algorytmu A^* należało wykorzystać dobre struktury danych do tego algorytmu. Zbiór CLOSE, wymagał szybkiego sprawdzania przynależności. Po przenalizowaniu rekomendowanych struktur danych [15] został użyty HashSet<T>.

Zbiór Open oferował zastosowanie znacznie bardziej finezyjnych struktur danych. Wymagane było od niego, aby był kolejką priorytetową, czyli aby był sortowany po priorytetach będącymi

sumą odległości wierzchołków od źródła i oszacowań odległości tych wierzchołków od celu. Warto zauważyć, że oprócz sortowania często są wstawiane do niego wierzchołki, pobierane, usuwane i modyfikowane wartości priorytetu. Bardzo często jest sprawdzana przynależność i wyszukujemy według klucza.

W [12] na stronie 317 możemy znaleźć tabelę 7.1. Przedstawia one prównanie czasów różnych operacji dla różnych klas słownikowych zaimplementowanych w technologii .NET. Najlepszą strukturą danych byłoby SortedDictionary<K,V>, która jest implementowane przed drzewo czerowon-czarne gdyby nie fakt, że jest sortowane po kluczu, a nie tak jak nam jest potrzebne sortowanie po wartości. Poszukiwano zatem struktury danych, która sortuje po wartościach i ma łatwy dostęp przez klucz.

W naszym rozwiązaniu została zaimplementowana struktura danych opierająca się na dwóch podstrukturach - zainplementowanej kolejki priorytetowej poprzez listę, oraz słownik Dictionary<K,V> z technologii .NET, który opiera się o Tablicę skrótów. Zaimplementowana lista miała nastepującą strukturę:

```
public class MySortedListElement
{
    public Vertex Key;
    public double Value;
    public MySortedListElement next;
    public MySortedListElement previous;
}
```

Struktura ta miała zaimplementowane sortowanie przez wstawianie, zatem modyfikacja tylko jednego elementu wymagała w pesymistycznym przypadku tylko O(n) porównań. Wstawianie nowego elementu ma złożoność pesymistyczną O(n), usuwanie O(1). Zbadanie przynależności po kluczu to O(n) i nie zaleca się tego robić.

Niezależnie od tej struktury jest przechowywana druga struktura danych, Dictionary<K,V>, gdzie kluczami są wierzchołki, a wartości to referencje na elementy tej listy. Zmienne odpowiedzialne za przechowanie kolejki priorytetowej OPEN zostały zadeklarowane w sposób nastepujący:

```
Dictionary<Vertex, MySortedListElement> OpenDictionary =
   new Dictionary<Vertex, MySortedListElement>();
MySortedList OpenList = new MySortedList();
```

W ten sposób w połaczeniu tych dwóch podstruktur otrzymujemy strukturę danych o następujących własnościach:

- dodawanie w czasie O(n),
- wyszukiwanie po kluczu w czasie O(1),
- najmniejszy po wartości w czasie O(1),
- usuwanie w czasie O(1)
- modyfikowanie jednego elementu w czasie O(n).

Algorytm A* jest odpalany dla każdego punktu wybranego przez użytkownika. Wyszukuje on najkrótszą ścieżkę do kolejnego punktu wybranego przez użytkownika. Po wszystkich obliczeniach kontur składa się z poszczególnych ścieżek. Są one konsolidowane i zwracane jako lista pikseli na podstawie danych z krawędzi o listach pikseli, z których jest zbudowana krawędź. W ten sposób jest wykrywany obrys pomiędzy punktami zaznaczonymi przez użytkownika.

W sytuacji, gdy nie istnieją prawdziwe krawędzie lub tylko jej fragmenty, to algorytm w miarę możlwości będzie starał się używać prawdziwych krawędzi, dzięki odpowiedniej wadze krawędzi sztucznych. Dzięki sztucznym krawędziom na pewno istnieje droga między kolejnymi punktami, zatem algorytm z całą pewnością zwróci poprawny wynik. Co najwyżej będzie to wielokąt z punktami wybranymi przez użytkownika.

Algorytm dla sztucznych krawędzi generuje listę pikseli algorytmem Bresenhama [16]. Jest to algorytm, który dodaje w najbardziej optymalny sposób krawędzie. W celu zapewnienia łączności 4-krotnej jest przeprowadzana operacja morflologiczna z wykrywaniem 2 pikseli po przekątnej z maską 4-pikselową. Gdy zostaną takie piksele wykryte, to na jednym z rogów jest dodawany piksel w celu zapewnienia łączności 4-krotnej.

3.3.5. Optymalizacja

Większość plików medycznych ma rozdzielczości rzędu kilkaset na kilkaset pikseli, a więc na całym obrazie znajduje się kilkaset tysięcy pikseli. Zdarzają się też pliki w znacznie większej rozdzielczości, a takimi jest między innymi mammografia i zdjęcie rentgenowskie. Na tych obrazach znajduje się do kilkudziesięciu milionów pikseli. W celu sprawnego przetwarzania tych informacji potrzebne były optymalizacje do algorytmu. Zostały dodane następujące usprawnienia:

1. Zmniejszenie rozmiaru obrazu roboczego

W pierwszym kroku zmniejszono rozmiar obrazu roboczego. Wyznaczono najmniejszy prostokąt, w którym mieszczą się wszystkie punkty zaznaczone przez użytkownika. Powiększono ten prostokąt o marginesy w taki sposób, a by wyjściowy prostokąt nadal był w

3.4. Moduł obliczeń statystyk

środku, a pole powiększonego było 4-krotnie większe. Innymi słowami — dodano marginesy po 50% szerokości / wysokości do każdego wymiaru. Jeśli rozmiar powiększonego jest większy niż obrazu, to nie jest zmieniany obraz roboczy. Optymalizując w ten sposób w sytuacji, gdy użytkownik stworzył mały obrys, to rozmiar przetwarzanego obrazu od momentu operatora Sobela jest już najczęściej kilkukrotnie mniejszy, czasami nawet kilkadziesiąt razy. W sytuacji gdy obrys zajmuje prawie cały obraz medyczny, to nadal musi być przetwarzany cały obraz.

2. Sieganie do pamięci zamiast to bitmapy

W celu przyśpieszenia działania operatora Sobela i liczenia statystyk zamiast sięgać do bitmapy metodą .GetPixel() na platformie .NET bitmapa została zapisana do tablicy bajtów i był z niej bezpośredni dostęp. Została wykorzystana do tego funkcja .LockBits(). Zysk na tej operacji był kilkudziesięcio krotny. Na późniejszch etapach algorytmu pracowano na macierzy, która nie była już bitmapą, więc operacje te wykonywały się znacznie szybciej.

3. Dzielenie zbyt długich krawędzi

W sytuacji, gdy wczytane krawędzie do grafu są bardzo długie, to może zdarzyć się taka sytuacja, że punkt zaznaczony przez użytkownika znajduje się bardzo blisko krawędzi, ale daleko od punktu poczatkowego lub końcowego krawędzi. W tym celu jest wprowadzony mechanizm dzielenia zbyt długich krawędzi na kilka krótszych.

4. Problem z ilością punktów

Dla każdego punktu jest uruchamiany algorytm A*, zatem w sposób liniowy od ilości punktów zależny liczba wywołań algorytmu A*. Nie można wyznaczyć, czy w złożoności średniej całego algorytmu algorytm jest zależny liniowo od ilości punktów, czy w sposób logarytmiczny, czy też w sposób stały. W przypadku małej liczby punktów (<20) dominującą częścią dla obrazów o średniej rozdzielczości (kilkaset tysięcy pikseli) będą operacje na obrazie, takie jak operator Sobela, histereza. Gdy zostanie wykryta duża liczba wierzchołków i krawędzi, czyli np. na obrazie o wysokiej rozdzielczości, to złożoność całęgo algorytmu będzie zależała liniowo od ilości punktów. Dla dużej liczby punktów będzie zależała liniowo niezależnie od rozdzielczości, ponieważ stanie się to czynnikiem dominującym. Te przypuszczenia zostaną sprawdzone w części o eksperymentach.

3.4. Moduł obliczeń statystyk

4. Przeprowadzone eksperymenty

- 4.1. Zbiór testowy
- 4.2. Wydajność algorytmu półautomatycznego
- 4.3. Analiza wyników i wnioski

5. Podsumowanie

- 5.1. Napotkane problemy i ograniczenia
- 5.2. Możliwości dalszego rozwoju

Bibliografia

- [1] Nowacki R., Plechawska-Wójcik M.: Analiza porównawcza narzędzi do budowania aplikacji Single Page Application AngularJS, ReactJS, Ember.js, Journal of Computer Sciences Institute 2, Politechnika Lubelska, Instytut Informatyki, Lublin, 2016, 98–103
- [2] Microsoft Corporation: Dokumentacja platformy .NET. Oficjalna strona: https://docs.microsoft.com/pl-pl/dotnet/ [Dostęp 22 stycznia 2019]
- [3] Microsoft Corporation: Informacje o platformie .NET Core. https://docs.microsoft.com/pl-pl/dotnet/core/about [Dostęp 22 stycznia 2019]
- [4] Kronis K., Uhanova M.: Performance Comparision of Java EE and ASP.NET Core Technologies for Web API Development. Applied Computer Systems 23, Riga Technical University, Ryga, 2018, 37–44
- [4] Cytowski J., Gielecki J., Gola A.: Cyfrowe przetwarzanie obrazów medycznych: Algorytmy. Technologie. Zastosowania. Akademicka Oficyna Wydawnicza EXIT, Warszawa, 2008, 88–94.
- [5] Canny J. F.: Finding Edges and Lines in Images. Technical report no. 720, Massachusetts Institute of Technology (MIT), Cambridge, Massachusetts, USA, 1983.
- [6] Sobel I., Feldman G.: An 3x3 Isotropic Image Gradient Operator for Image Processing.

 Presentation at Stanford Aartificial Intelligence Project (SAIL) in 1968, 2014
- [7] Rosenfeld A., Kak A. C.: Digital Picture Processing, Academic Press, Inc., Nowy Jork, 1982
- [8] Weisstein, Eric W.: Moore Neighborhood. From MathWorld-A Wolfram Web Resource. http://mathworld.wolfram.com/MooreNeighborhood.html [Dostep 22 stycznia 2019]
- [9] Saeed K., Rybnik M., Tabędzki M., Adamski M.: Algorytm do Ścieniania Obrazów: Implementacja i Zastosowania Zeszyty Naukowe Politechniki Białostockiej 2002 Informatyka Zeszyt 1, Białystok, 2002

Bibliografia

- [10] Saeed K., Tabędzki M., Rybnik M., Adamski M.: K3M: A Universal Algorithm for Image Skeletonization and a Review of Thinning Techniques International Journal of Applied Mathematics and Computer Science, 2010, 20(2) Białystok, 2010, 317–335
- [11] Sedgewick R., Wayne K.: Algorytmy Wydanie IV, Helion, Gliwice, 2012, 526-706
- [12] Albahari J., Albahari B.: C 6.0 w pigułce, Helion, O'Reilly Media, Inc., Gliwice, 2016, page-page
- [13] Hart P. E., Nilsson N. J., Raphael B.: A Formal Basis for the Heurestic Determination of Minimum Cost Paths IEEE Transactions on Systems Science and Cybernetics 4(2), 1968, 100-107
- [14] Bródka J.: Wykłady z przedmiotu Algorytmy i Struktury Danych 2 *Politechnika Warszawska*, *Wydział Matematyki i Nauk Informacyjnych* Materiały dostępne na stronie: http://mini.pw.edu.pl/brodka/ASD2.html [Dostęp 22 stycznia 2019]
- [15] Microsoft Corporation: Dokumentacja rekomendowanych struktur danych platformy .NET. Oficjalna strona: https://docs.microsoft.com/pl-pl/dotnet/standard/collections/ [Dostęp 22 stycznia 2019]
- [16] Bresenham J. E.: Algorithm for computer control of a digital plotter. *ICM System Journal* 4(1) 1965

Instrukcja instalacji

Instrukcja użytkowania

Wykaz symboli i skrótów

nzw. nadzwyczajny

- * operator gwiazdka
- ~ tylda

Jak nie występują, usunąć.

Spis zawartości załączonej płyty CD

Spis załączników

- 1. Załącznik 1
- 2. Załącznik 2
- 3. Jak nie występują, usunąć rozdział.