



机器学习

第七章:集成学习

黄斐然

三个臭皮匠赛过诸葛亮



什么是集成学习?

分类器1

分类器2

分类器3

分类器4

• • • • •

集成多个分类器,进行综合判断 (少数服从多数)

集成分类算法

■ 什么是集成学习:

- 集成学习的主要思路是先通过一定的规则生成多个学习器,再采用某种集成策略进行组合,最后综合判断输出最终结果。一般而言,通常所说的集成学习中的多个学习器都是同质的"弱学习器"。基于该弱学习器,通过样本集扰动、输入特征扰动、输出表示扰动、算法参数扰动等方式生成多个学习器,进行集成后获得一个精度较好的"强学习器"。
- 目前集成学习算法主要由bagging、boosting两种思想,其他还有Stacking和Blending。

集成分类算法

■ Sklearn集成学习:

```
ensemble_clf.fit(X_train, y_train)
ensemble_clf.score(X_test, y_test)
```

0.896

Bagging

■ Bagging的算法过程:

- 从原始样本集中使用有放回抽样(Bootstraping)方法随机抽取n个训练样本,共进行k轮抽取,得到k个训练集(k个训练集之间相互独立,元素可以有重复)。
- 对于k个训练集,我们训练k个基础模型,(这个模型可根据具体的情况而定,可以是决策树,knn等)
- 对于分类问题:由投票表决产生的分类结果;对于回归问题,由k个模型预测结果的均值作为最后预测的结果(所有模型的重要性相同)。

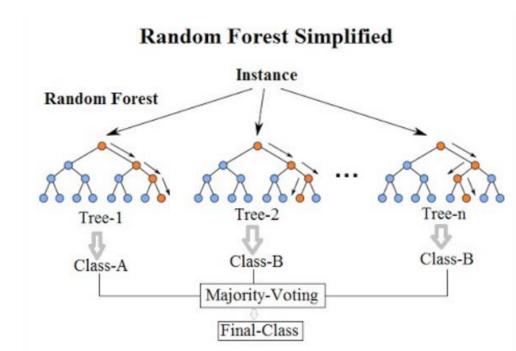
Bagging

■ 算法过程:



Bagging 的思路是所有基础模型都一致对待,每个基础模型手里都只有一票。然后使用民主投票的方式得到最终的结果。

- 随机森林(Random Forest) 是Bagging 算法的进化版,也就是说,它的思想仍然 是bagging,但是进行了独有的改进。相 对于bagging,RF一方面在引入数据随 机,另一方面也引入了特征随机。
- 随机森林非常简单,易于实现,计算开销也很小,但是它在分类和回归上表现出非常惊人的性能,因此,随机森林被誉为"代表集成学习技术水平的方法"。



- 随机森林步骤如下:
 - 从样本集中用Bootstrap采样选出n个样本; (样本随机)
 - 从所有属性中随机选择k个属性,选择最佳分割属性作为节点建立决策 树;(特征随机)
 - 重复以上两步m次,即建立了m棵决策树
 - 这m个决策树形成随机森林,通过投票表决结果,决定数据属于哪一类

■ 随机森林使用sklearn实现:

- from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier
- RandomForestClassifier(n_estimators=' warn', criterion=' gini', max_depth=None, min_samples_split=2, min_samples_leaf=1, min_weight_fraction_leaf=0.0, max_features=' auto', max_leaf_nodes=None, min_impurity_decrease=0.0, min_impurity_split=None, bootstrap=True, oob_score=False, n_jobs=None, random_state=None, verbose=0, warm_start=False, class_weight=None)

● 重要参数:

- n_estimators:决策树数目。默认为10。
- criterion:特征选择方法。默认'gini'。也可以选择 'entropy'。
- bootstrap:是否有放回采样。默认 'True'。
- n_jobs:使用的线程数。默认1个。

■ 随机森林实现:

```
In [15]:
           1 from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier
           2 from sklearn.datasets import load_breast_cancer
             from sklearn.model_selection import KFold
           4 from sklearn import metrics
             import numpy as np
             dataset = load_breast_cancer()
           8 X = dataset['data']
             y = dataset['target']
          10
             avg_scores = []
         12 for i in range(5):
         13
         14
                 kf = KFold(n splits=10, shuffle=True)
         15
                 score = []
         16
                 for train_inx, test_inx in kf.split(X):
                     clf = RandomForestClassifier().fit(X[train_inx],y[train_inx])
         17
                     y_pre = clf.predict(X[test_inx])
          18
         19
                     y_test = y[test_inx]
                     score.append(metrics.accuracy_score(y_test,y_pre))
          20
         21
                 avg_scores.append(np.mean(score))
          22
             print(np.mean(avg_scores))
         0.95609022556391
```

Extra Trees

■ 随机森林的推广——Extra Trees:

- Extra trees (Extremely randomized trees, 极端随机树)是RF的一个变种, 原理几乎和RF 一模一样, 仅有区别有:
 - 1)对于每个决策树的训练集,RF采用的是随机采样bootstrap来选择采样集作为每个决策树的训练集,而Extra trees一般不采用随机采样,即每个决策树采用原始训练集。
 - 2) 在选定了划分特征后,RF的决策树会基于基尼系数,均方差之类的原则,选择一个最优的特征值划分点,这和传统的决策树相同。但是Extra trees比较的激进,他会随机的选择一个特征值来划分决策树。
- 从第二点可以看出,由于随机选择了特征值的划分点位,而不是最优点位,这样会导致生成的决策树的规模一般会大于RF所生成的决策树。也就是说,模型的方差相对于RF进一步减少,但是偏倚相对于RF进一步增大。在某些时候,Extra trees的泛化能力比RF更好。:

Extra Trees

ExtraTrees使用sklearn实现:

- from sklearn.ensemble import ExtraTreesClassifier
- ExtraTreesClassifier(n_estimators=' warn', criterion=' gini', max_depth=None, min_samples_split=2, min_samples_leaf=1, min_weight_fraction_leaf=0.0, max_features=' auto', max_leaf_nodes=None, min_impurity_decrease=0.0, min_impurity_split=None, bootstrap=False, oob_score=False, n_jobs=None, random_state=None, verbose=0, warm_start=False, class_weight=None)

● 重要参数:

- n_estimators:决策树数目。默认为10。
- criterion:特征选择方法。默认'gini'。也可以选择 'entropy'。
- bootstrap:是否有放回采样。默认 'True'。
- n_jobs:使用的线程数。默认1个。

Extra Trees

■ ExtraTrees实现:

```
In [33]:
           1 from sklearn.ensemble import ExtraTreesClassifier
           from sklearn.datasets import load_breast_cancer
           3 from sklearn.model selection import KFold
           4 from sklearn import metrics
              import numpy as np
              dataset = load_breast_cancer()
           8 X = dataset['data']
             y = dataset['target']
          10
             avg scores = []
          12 for i in range(5):
          13
                  kf = KFold(n_splits=10,shuffle=True)
          14
          15
                  score = []
          16
                 for train_inx, test_inx in kf.split(X):
                      clf = ExtraTreesClassifier().fit(X[train_inx],y[train_inx])
          17
          18
                      y_pre = clf.predict(X[test_inx])
                      y_test = y[test_inx]
          19
                      score.append(metrics.accuracy_score(y_test,y_pre))
          20
                  avg scores.append(np.mean(score))
          21
             print(np.mean(avg_scores))
         0.9602568922305765
```

■ 随机森林优点:

- 1) 训练可以高度并行化,对于大数据时代的大样本训练速度有优势。
- 2)由于可以随机选择决策树节点划分特征,这样在样本特征维度很高的时候,仍然能高效的训练模型。
- 3) 在训练后,可以给出各个特征对于输出的重要性
- 4)由于采用了随机采样,训练出的模型的方差小,泛化能力强。
- 5) 相对于Boosting系列的Adaboost和GBDT, RF实现比较简单。
- 6)对部分特征缺失不敏感。

■ 随机森林缺点:

- 1)在某些噪音比较大的样本集上,RF模型容易陷入过拟合。
- 2)对于小数据或者低维数据(特征较少的数据),可能不能产生很好的分类。(处理高维数据,处理特征遗失数据,处理不平衡数据是随机森林的长处)。

Boosting

- Boosting的算法过程:
 - 通过加法模型将基础模型进行线性的组合。
 - 每一轮训练都提升那些错误率小的基础模型权重,同时减小错误率高的模型 权重。
 - 在每一轮改变训练数据的权值或概率分布,通过提高那些在前一轮被弱分类器分错样本的权值,减小前一轮分对样本的权值,来使得分类器对误分的数据有较好的效果。

Boosting

算法过程:

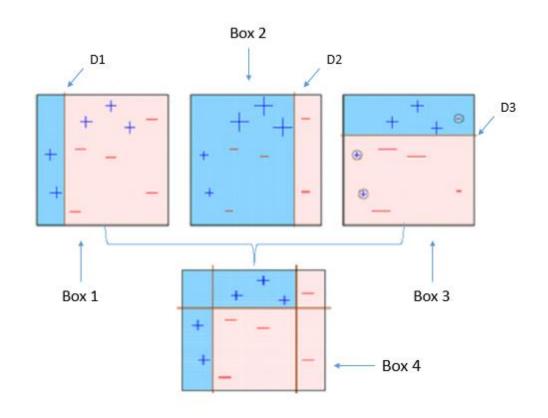


经过不停的考验和筛选来挑选出<mark>精英</mark>,然后给精英更多的投票权,表现不好的基础模型则给较少的投票权,然后综合所有人的投票得到最终结果。

AdaBoost

AdaBoost :

- Adaboost是boosting的主流算法之一。
- Adaboost 算法很有名,全称是adaptive boosting。曾被称为数据挖掘十大算法之一。
- Adaboost是一种基于boosting思想的一种 自适应的迭代式算法。通过在同一个训练数 据集上训练多个弱分类器,然后把这一组 弱分类器ensmble起来,产生一个强分类 器。



AdaBoost

■ Adaboost使用sklearn实现:

- from sklearn.ensemble import AdaBoostClassifier
- AdaBoostClassifier(base_estimator=None, n_estimators=50, learning_rate=1.0, algorithm=' SAMME.R', random_state=None)

重要参数:

- base_estimator:基本分类器。默认为DecisionTreeClassifier(max_depth=1)。
- n_estimators:分类器个数。默认50。
- learning_rate: 学习率。默认1。
- algorithm:学习算法。默认'SAMME.R', SAMME.R算法比SAMME算法收敛速度更快。

AdaBoost

■ Adaboost使用sklearn实现:

```
In [10]:
          1 from sklearn.ensemble import AdaBoostClassifier
           2 from sklearn.datasets import load breast cancer
           3 from sklearn.model_selection import KFold
           4 from sklearn import metrics
           5 import numpy as np
             dataset = load_breast_cancer()
           8 X = dataset['data']
             y = dataset['target']
          10
             avg_scores = []
          12 for i in range(5):
          13
                 kf = KFold(n splits=10, shuffle=True)
          14
          15
                 score = []
          16
                 for train_inx, test_inx in kf.split(X):
                      clf = AdaBoostClassifier().fit(X[train inx],y[train inx])
          17
                     y pre = clf.predict(X[test_inx])
          18
                     y test = y[test inx]
          19
                      score.append(metrics.accuracy score(y test,y pre))
          20
          21
                 avg scores.append(np.mean(score))
          22
          23 print(np.mean(avg_scores))
         0.9627882205513784
```

提升树

■ Boosting主流方法:

● 2)提升树:

- 在Adaboost算法的框架下,以决策树为基函数的提升方法称为提升树。由于树的线性组合可以很好的拟合训练数据,即使数据中的输入与输出之间的关系很复杂也是如此,提升树被认为是统计学习中性能最好的方法之一。
- AdaBoost + 决策树 = 提升树。Adaboost使用sklearn实现时,默认使用决策 树作为基础模型。所以默认即是提升树。

■ Boosting主流方法:

- 3) **GBDT (梯度提升树)**:
 - GBDT(Gradient Boosting Decision Tree) 又叫 MART (Multiple Additive Regression Tree),是一种迭代的决策树算法,该算法由多棵决策树组成,所有树的结论累加起来做最终答案。
 - 提升树利用加法模型与前向分布算法实现学习的优化过程,当损失函数是平方损失或指数损失函数时,每一步优化是很简单的。但对一般损失函数而言,往往每一步优化并不容易,针对这一问题Friedman在2000年提出了梯度提升方法,该方法是最速下降法的近似方法,利用损失函数的负梯度作为回归树提升问题中残差的近似值,拟合一个回归树。

■ Boosting主流方法:

- 3) **GBDT** :
 - GBDT在被提出之初就和SVM一起被认为是泛化能力较强的算法。近些年更因为被用于搜索排序的机器学习模型而引起大家关注。
 - GBDT主要由三个概念组成: Regression Decistion Tree (即DT), Gradient Boosting (即GB), Shrinkage (缩减,算法的一个重要演进分枝,目前大部分源码都按该版本实现)。

■ GBDT使用sklearn实现:

- from sklearn.ensemble import GradientBoostingClassifier
- GradientBoostingClassifier(loss=' deviance', learning_rate=0.1, n_estimators=100, subsample=1.0, criterion=' friedman_mse', min_samples_split=2, min_samples_leaf=1, min_weight_fraction_leaf=0.0, max_depth=3, min_impurity_decrease=0.0, min_impurity_split=None, init=None, random_state=None, max_features=None, verbose=0, max_leaf_nodes=None, warm_start=False, presort=' auto', validation_fraction=0.1, n_iter_no_change=None, tol=0.0001)

● 重要参数:

- loss: GBDT算法中的损失函数。分类模型和回归模型的损失函数是不一样的。对于分类模型,有对数似然损失函数"deviance"和指数损失函数"exponential"两者输入选择。默认是对数似然损失函数"deviance"。在原理篇中对这些分类损失函数有详细的介绍。一般来说,推荐使用默认的"deviance"。它对二元分离和多元分类各自都有比较好的优化。而指数损失函数等于把我们带到了Adaboost算法。
- learning_rate: 学习率。默认0.1。
- n_estimators: 决策树数目。默认100。
- subsample:子采样,取值为(0,1]。这里的子采样和随机森林不一样,随机森林使用的是放回抽样,而这里是不放回抽样。如果取值为1,则全部样本都使用,等于没有使用子采样。

■ GBDT使用sklearn实现:

```
In [21]:
           1 from sklearn.ensemble import GradientBoostingClassifier
           from sklearn.datasets import load_breast_cancer
           3 from sklearn.model_selection import KFold
           4 from sklearn import metrics
             import numpy as np
             dataset = load_breast_cancer()
           8 X = dataset['data']
             y = dataset['target']
          10
             avg_scores = []
          12 for i in range(5):
          13
         14
                 kf = KFold(n_splits=10,shuffle=True)
          15
                 score = []
                 for train_inx, test_inx in kf.split(X):
          16
         17
                     clf = GradientBoostingClassifier().fit(X[train_inx],y[train_inx])
                     y_pre = clf.predict(X[test_inx])
          18
          19
                     y_test = y[test_inx]
                     score.append(metrics.accuracy_score(y_test,y_pre))
          20
          21
                  avg_scores.append(np.mean(score))
          22
          23 print(np.mean(avg_scores))
         0.9606203007518797
```

■ Boosting主流方法:

- 4) **XGBoost**:
 - XGBoost全名叫(eXtreme Gradient Boosting) 极端梯度提升,经常被用在一些比赛中,其效果显著。它是大规模并行boosted tree的工具,它是目前最快最好的开源boosted tree工具包。XGBoost 所应用的算法就是 GBDT的改进,既可以用于分类也可以用于回归问题中。

- 相对于GBDT, XGBoost的改进:
 - 1)将树模型的复杂度加入到正则项中,来避免过拟合,因此泛化性能会优于GBDT。
 - 2)损失函数是用泰勒展开式展开的,同时用到了一阶导和二阶导,可以加快优化速度。
 - 3)和GBDT只支持CART作为基分类器之外,还支持线性分类器,在使用线性分类器的时候可以使用L1,L2正则化。
 - 4)引进了特征子采样,像RandomForest那样,这种方法既能降低过拟合,还能减少计算。

■ 相对于GBDT, XGBoost的改进:

- 5)在寻找最佳分割点时,考虑到传统的贪心算法效率较低,实现了一种近似贪心算法,用来加速和减小内存消耗,除此之外还考虑了稀疏数据集和缺失值的处理,对于特征的值有缺失的样本,XGBoost依然能自动找到其要分裂的方向。
- 6)XGBoost支持并行处理,XGBoost的并行不是在模型上的并行,而是在特征上的并行,将特征列排序后以block的形式存储在内存中,在后面的迭代中重复使用这个结构。这个block也使得并行化成为了可能,其次在进行节点分裂时,计算每个特征的增益,最终选择增益最大的那个特征去做分割,那么各个特征的增益计算就可以开多线程进行。

■ 使用XGBoost包实现:

- 安装: pip install xgboost 或 conda install xgboost
- from xgboost import XGBClassifier
- XGBClassifier(max_depth=3, learning_rate=0.1, n_estimators=100, silent=True, objective='binary:logistic', boo ster='gbtree', n_jobs=1, nthread=None, gamma=0, min_child_weight=1, max_delta_step=0, subsample=1, col sample_bytree=1, colsample_bylevel=1, reg_alpha=0, reg_lambda=1, scale_pos_weight=1, base_score=0.5, random_state=0, seed=None, missing=None, **kwargs)

重要参数:

- booster: gbtree 树模型做为基分类器(默认), gblinear 线性模型, dart引入dropout思想
- colsample_bytree:训练每棵树时,使用的特征占全部特征的比例。默认值为1,典型值为0.5-1。
- learning_rate:学习率,控制每次迭代更新权重时的步长,默认0.3。
- gamma:惩罚项系数,指定节点分裂所需的最小损失函数下降值。
- alpha: L1正则化系数,默认为1。 lambda: L2正则化系数,默认为1

使用XGBoost包实现:

```
1 from xgboost import XGBClassifier
In [38]:
           2 from sklearn.datasets import load breast cancer
           3 from sklearn.model selection import KFold
           4 from sklearn import metrics
           5 import numpy as np
              import warnings
              warnings.filterwarnings(module='sklearn*', action='ignore', category=DeprecationWarning)
          10 dataset = load breast cancer()
          11 | X = dataset['data']
          12 y = dataset['target']
          14 avg_scores = []
          15 for i in range(1):
          16
          17
                 kf = KFold(n_splits=10,shuffle=True)
                 score = []
          18
                 for train inx, test inx in kf.split(X):
          19
                     clf = XGBClassifier().fit(X[train_inx],y[train_inx])
          20
          21
                     y_pre = clf.predict(X[test_inx])
                     y_test = y[test_inx]
          22
                     score.append(metrics.accuracy_score(y_test,y_pre))
          23
          24
                  avg_scores.append(np.mean(score))
          26 print(np.mean(score))
         0.9701441102756894
```

LightGBM

■ Boosting主流方法:

- 4) **LightGBM** :
 - LightGBM (Light Gradient Boosting Machine)是一款基于决策树算法的分布式梯度提升框架。
 - 为了满足工业界缩短模型计算时间的需求,LightGBM的设计思路主要是两点:
 1. 减小数据对内存的使用,保证单个机器在不牺牲速度的情况下,尽可能地用上更多的数据;2. 减小通信的代价,提升多机并行时的效率,实现在计算上的线性加速。由此可见,LightGBM的设计初衷就是提供一个快速高效、低内存占用、高准确度、支持并行和大规模数据处理的数据科学工具。。

LightGBM

■ 使用LightGBM包实现:

- 安装: pip install lightgbm 或 conda install lightgbm
- from lightgbm import LGBMClassifier
- lightgbm.LGBMClassifier(boosting_type='gbdt', num_leaves=31, max_depth=-1, learning_rate=0.1, n_estimators=100, subsample_for_bin=200000, objective=None, class_weight=None, min_split_gain=0.0, min_child_weight=0.001, min_child_samples=20, subsample=1.0, subsample_freq=0, colsample_bytree=1.0, reg_alpha=0.0, reg_lambda=0.0, random_state=None, n_jobs=-1, silent=True, importance_type='split', **kwargs)

重要参数:

- boosting_type:提升树的类型gbdt,dart,goss,rf。
- max_depth=-1:最大树的深度。默认-1,表示没有限制
- learning_rate: 学习率。默认0.1
- n_estimators:拟合的树的棵树。默认100颗。

LightGBM

■ 使用LightGBM包实现:

```
1 from lightgbm import LGBMClassifier
In [62]:
           from sklearn.datasets import load_breast_cancer
           3 from sklearn.model_selection import KFold
           4 from sklearn import metrics
             import numpy as np
             dataset = load_breast_cancer()
           8 X = dataset['data']
             y = dataset['target']
          10
             avg_scores = []
             for i in range(5):
          13
          14
                 kf = KFold(n_splits=10,shuffle=True)
          15
                 score = []
                 for train inx, test inx in kf.split(X):
          16
                      clf = LGBMClassifier().fit(X[train_inx],y[train_inx])
          17
          18
                     y_pre = clf.predict(X[test_inx])
          19
                     y_test = y[test_inx]
                      score.append(metrics.accuracy_score(y_test,y_pre))
          20
                 avg_scores.append(np.mean(score))
          21
          22
             print(np.mean(avg_scores))
         0.9644674185463659
```

Bagging和Boosting的区别

■ 1) 样本选择:

- Bagging:训练集是在原始集中有放回选取的,从原始集中选出的各轮训练集之间是独立的。
- Boosting:每一轮的<mark>训练集不变</mark>,只是训练集中每个样本在分类器中的<mark>权重</mark> 发生变化。而权值是根据上一轮的分类结果进行调整。

■ 2)样例权重:

- Bagging:使用均匀取样,每个样例的权重相等
- Boosting:根据错误率不断调整样例的权值,错误率越大则权重越大。

集成分类算法

■ 3)预测函数:

- Bagging:所有弱分类器的权重相等。
- Boosting:每个弱分类器都有相应的权重,对于分类误差小的分类器会有更大的权重。

■ 4)并行计算:

- Bagging:各个预测函数可以并行生成。
- Boosting:各个预测函数<mark>只能顺序生成</mark>,因为后一个模型参数需要前一轮模型的结果。

问题?

