

Relatório EP2 - Programação Concorrente e Paralela

Alunos:

- Erick Rodrigues de Santana, NUSP: 11222008
- Francisco Eugênio Wernke, NUSP: 11221870
- Tiliago Cuervo Balera, NUSP: 11275297
- Vinicius Pereira Ximenes Frota, NUSP: 11221967

Professor: Alfredo Goldman

Monitores: Elisa Silva e Luciana Marques

O relatório a seguir foi elaborado com base nas instruções do EP2 da Matéria MAC0219 - Programação Concorrente e Paralela.

Objetivos

- Analisar o impacto no uso da biblioteca OpenMPI para paralelização de programas usando processos;
- Analisar a integração entre a biblioteca OpenMPI e as bibliotecas de criação de threads Pthreads e OpenMP;
- Analisar o tradeoff entre uso de threads e processos;
- Estimar os melhores parâmetros de número de processos e threads para o programa especificado;
- Comparar as diferentes versões do EP1 e do EP2.

Introdução

O principal objetivo desse exercício-programa é analisar a utilização da biblioteca OpenMPI para o cálculo do conjunto de Mandelbrot em uma região específica.

Na primeira parte vamos analisar o desempenho de uma paralelização somente com processos, ou seja, utilizando somente a biblioteca OpenMPI. Em seguida, vamos analisar como uma paralelização usando, em conjunto, processos e threads se comporta, utilizando também as bibliotecas de criação de thread Pthreads e OpenMP.

Nesta análise iremos estimar os melhores parâmetros dentro de uma região de interesse que será especificada mais adiante. Esses parâmetros são:

- Número de processos, para a versão usando puramente OpenMPI;
- Número de processos e threads, para as versões com a paralelização mista.

Já na segunda parte, vamos utilizar os melhores parâmetros encontrados na primeira parte e comparar o desempenho entre todas as versões do programa desenvolvidas, ou seja, todas as versões desenvolvidas nesse EP e as versões do EP1.

Metodologia

Nesta seção vamos apresentar algumas decisões de projeto.

Conjunto de Mandelbrot

Como especificado pelo enunciado, os experimentos serão feitos usando um tamanho de imagem de 4096 na região *Triple Spiral Valley*.

Regiões de interesse

Para a realização dos experimentos escolhemos as seguintes regiões de interesse para a análise:

- **Processos:** $2^0, \dots, 2^4$
- **Threads:** $2^0, \dots, 2^5$

A escolha dessas regiões levou em conta a capacidade computacional da rede Linux com o intuito de não monopolizar todo o poder computacional para o nosso grupo.

Escolha dos melhores parâmetros das versões do EP1

Com base no relatório do EP anterior, escolhemos 32 threads como melhor parâmetro das versões openmp e Pthreads puras.

Poder computacional

Para rodar todos os experimentos, utilizamos a máquina *Neozil* da rede Linux. Essa máquina possui 32 cores e 62.8GB de memória RAM.

Executando o programa

Para executar o programa *mandelbrot* nas versões com OpenMPI, adicionamos um argumento extra para definir o número de processos a serem criados (*num_processes*). Além disto, nas versões com OpenMP e Pthreads, ainda existe o argumento de quantas threads serão criadas (*num_threads*). Antes de executar os comandos, é necessário gerar os binários desta forma:

```
cd src
make
```

Agora, pode-se executar as três formas do *mandelbrot* com OpenMPI da seguinte forma:

```
mpirun -np <num_processes> mandelbrot_mpi
mpirun -np <num_processes> mandelbrot_mpi_omp <num_threads>
mpirun -np <num_processes> mandelbrot_mpi_pth <num_threads>
```

Já para as versões do EP1:

```
./mandelbrot_seq
./mandelbrot_omp <num_threads>
./mandelbrot_pth <num_threads>
```

Paralelização

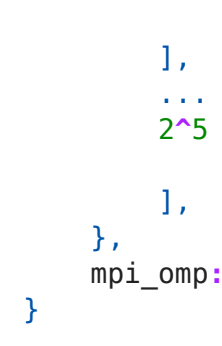
Nesta seção iremos apresentar qual foi a estratégia de paralelização adotada.

Visão geral

Todas as versões possuem uma função chamada *mpi_management* que é responsável por gerenciar toda a sincronização da biblioteca OpenMPI. A função é responsável por separar a imagem em blocos, definindo o valor de *i, y* para cada processo, chamar a função *compute_mandelbrot* e, por fim, sincronizar todos os dados no processo *Host*.

Sincronização dos dados

Para esta etapa, optamos por usar a função *MPI_Gather* oferecida pela biblioteca OpenMPI. Essa função reúne dados de vários processos diferentes e junta todos eles em um único processo usando o *rank* de cada processo como forma de ordenação. A imagem abaixo ilustra o funcionamento dessa função:



Nossa estratégia foi reunir todos os dados de iteração de cada pixel no processo *Host*. Para isso, cada processo processa um bloco de pixels, armazenando somente o número de iterações (e não mais o código RGB) e, após o processamento, manda esses dados para o processo *Host*, que é o responsável por montar a imagem final.

Armazenar somente o número de iterações ajuda na otimização de memória e também na otimização do uso da biblioteca OpenMPI.

Estrutura do programa OpenMPI puro

Para essa versão, calculamos o valor do *chunk* de cada processo como

```
chunk = i_y_maxnum_processes
i_y como
```

```
chunk = i_y_maxnum_processes
i_y como
```

```
i_y = chunk
```

```
i_y = chunk
```

Após isto, cada processo calcula todos os pixels no intervalo $[i_y, i_y + \text{chunk}]$

Estrutura dos programas OpenMPI+Pthreads e OpenMPI+OpenMP

Estas versões definem o *i, y* da mesma forma, entretanto, o processamento do intervalo $[i_y, i_y + \text{chunk}]$ é separado entre as threads, implementando uma ideia similar a base e limite.

Descrição geral dos experimentos

Geração dos dados

Para a geração dos .csv, utilizamos alguns scripts em Bash que podem ser encontrados no nosso [repositório](#).

Medições

Foram feitas 15 medições.

Tempo observado

O tempo coletado nos experimentos foi somente do período de processamento, ou seja, somente do período de execução da função *mpi_management*.

Intervalo de confiança

Para 95% de nível de confiança e *n*-1 (14) graus de liberdade, obtemos pela tabela da t-student o valor 2.1448 para *z*. O código abaixo implementa uma função que retorna somente os limiares:

```
In [80]: '''
Recebe um vetor de dados e a média desses dados.
Retorna os limiares do intervalo de confiança.
'''
def confidence_interval(vector, mean):
    z = 2.1448
    n = len(vector)
    sigma = 0
    for i in vector:
        sigma += (1 - mean)**2;
    sigma /= n-1;
    sigma = sqrt(sigma);
    return z * sigma/sqrt(n);
```

Experimentos

Bibliotecas importadas:

```
In [89]: import numpy as np
import pandas as pd
import matplotlib.pyplot as plt
from math import sqrt
```

Parte 1 - Estimativa dos melhores parâmetros

Sumário:

- Organização dos dados
- MPI - Visualização dos resultados
- MPI - Discussão dos resultados
- MPI Multithreads - Visualização dos resultados
- MPI Multithreads - Discussão dos resultados

O arquivo *data.csv* gerado por um dos scripts tem a estrutura apresentada abaixo.

```
In [90]: csv = pd.read_csv("../measurements/data.csv")
print(csv)
```

```
0      tipo  processos  threads      tempo
1      mpi1      1      1      24237.128952
2      mpi1      1      1      24395.895348
3      mpi1      1      1      24355.067738
4      mpi1      1      1      24333.412352
5      mpi1      1      1      24386.424296
6      ...      ...      ...      ...
770     mpi_omp      16      32      1168.375492
771     mpi_omp      16      32      1426.877981
772     mpi_omp      16      32      1414.572239
773     mpi_omp      16      32      1179.588924
774     mpi_omp      16      32      1176.867618
```

[975 rows x 4 columns]

Organização dos dados

Para agrupar os dados coletados usamos a estrutura de dados de dicionário. A estrutura pode ser entendida assim:

```
{
  mpi: {
    2^0 processo: Pair<Média, Intervalo de confiança>,
    2^1 processos: Pair<Média, Intervalo de confiança>,
    ...
    2^4 processos: Pair<Média, Intervalo de confiança>
  },
  mpi_pth: {
    2^0 thread: [
      2^0 processo: Pair<Média, Intervalo de confiança>,
      2^1 processos: Pair<Média, Intervalo de confiança>,
      2^2 processos: Pair<Média, Intervalo de confiança>,
      2^3 processos: Pair<Média, Intervalo de confiança>,
      2^4 processos: Pair<Média, Intervalo de confiança>
    ],
    2^1 threads: [
      ...Mesmo que para 1 thread
    ],
    2^5 threads: [
      ...Mesmo que para 1 thread
    ],
  },
  mpi_omp: { ...Mesmo que mpi_pth }
```

Como o intervalo de confiança é simétrico em torno da média, só armazenamos os limiares.

```
In [91]: '''
Definição das estruturas de dados
'''
data = {"mpi": [], "mpi_pth": [], "mpi_omp": []}
```

Assim, podemos processar as 15 medições e armazenar a média e o intervalo de confiança nas estruturas de dados:

```
In [92]: '''
Processamento dos dados
'''
threads = [2**i for i in range(6)]

MPI Puro
'''
for i in range(5):
    vector = csv["tempo"][i*15:(i+1)*15]
    mean = sum(vector)/15
    pair = (mean, confidence_interval(vector, mean))
    data["mpi"].append(pair)

MPI+Pthreads
MPI+OpenMP
'''
tipos = ["mpi_pth", "mpi_omp"]
for tipo in tipos:
    for thread in threads:
        data[tipo][thread] = []

        filtered = csv[csv["tipo"] == tipo]
        filtered = filtered[filtered["threads"] == thread]
        filtered = list(filtered["tempo"])
        for i in range(5):
            vector = filtered[i*15:(i+1)*15]
            mean = sum(vector)/15
            pair = (mean, confidence_interval(vector, mean))
            data[tipo][thread].append(pair)
```

A função auxiliar abaixo será usada para exibir os dados nas próximas seções:

```
In [93]: '''
Recebe os valores a serem printados.
Printa os valores numa tabela.
'''
def data_print(values):
    print("{:<10}&{:<20}&{:<30}&".format("Processos", "Tempo", "Limiar do intervalo de confiança"))
    for idx, value in enumerate(values):
        mean, confidence_interval = value
        print("{:<10}&{:<20}&{:<30}&".format(2**idx, mean, confidence_interval))
```

MPI - Visualização dos resultados

Para visualizar os resultados, plotamos um gráfico que possui o número de processos dos experimentos em função do seu tempo de processamento, em milissegundo.

Por motivos de melhor visualização dos resultados, optamos por exibir o eixo y em escala logarítmica com base 2.

```
In [94]: '''
Definição do eixo x
'''
x = [2**i for i in range(5)]
```

```
In [95]: '''
Coleta dos dados necessários para o plot do MPI
'''
y_mpi = [i[0] for i in data["mpi"]]
y_mpi = np.array(y_mpi)

confidence_mpi = [i[1] for i in data["mpi"]]
confidence_mpi = np.array(confidence_mpi)

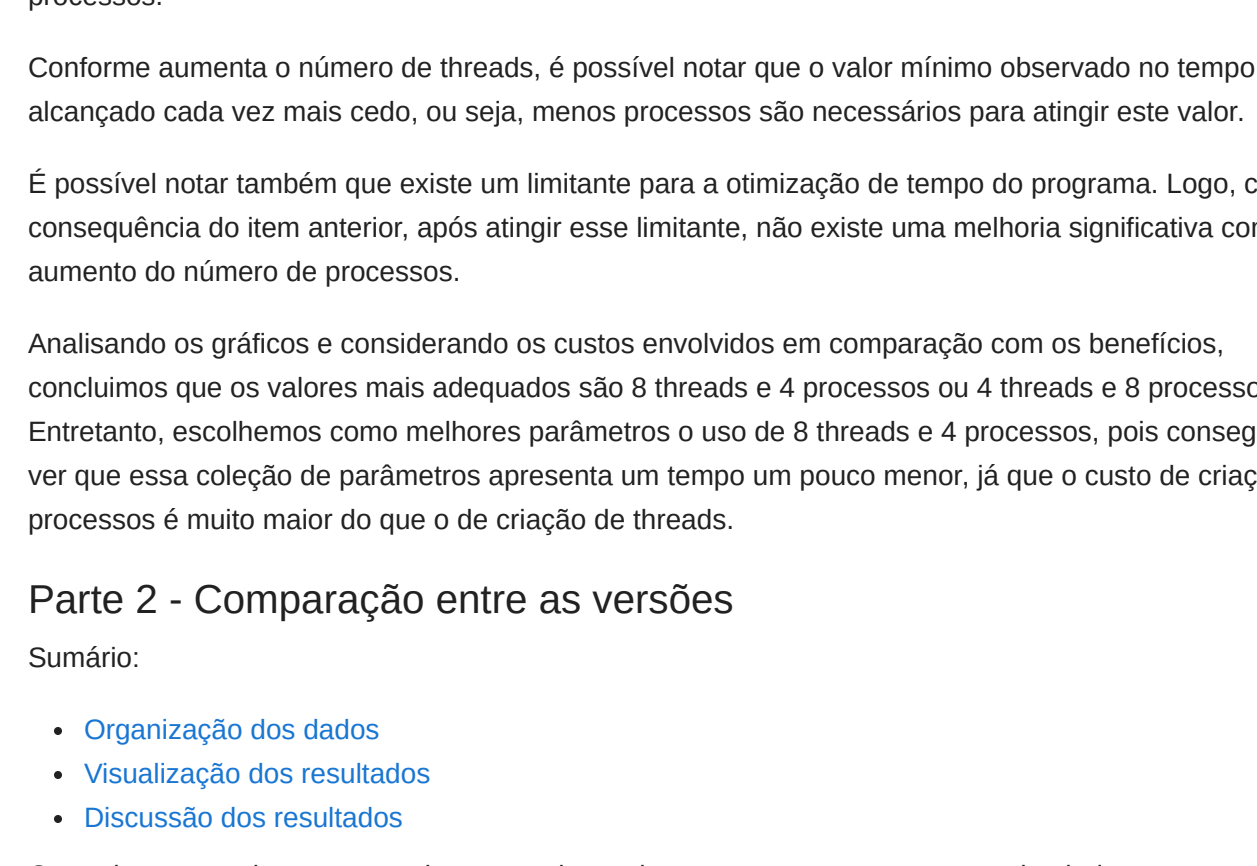
'''
Plot
'''
plt.figure(figsize=(6, 4), dpi=80)
plt.fill_between(x, y_mpi, confidence_mpi), (y_mpi, confidence_mpi), color='pink', alpha=0.5)
plt.scatter(x, y_mpi)

plt.grid(color='black', linewidth=0.5, axis = 'y')

plt.title("MPI")
plt.xlabel("Número de processos")
plt.ylabel("Tempo(ms)")
plt.legend(("Intervalo de confiança", "Medições"))

plt.yscale("log", base = 2)
plt.show()

'''
Print dos valores
'''
data_print(data["mpi"])
```



Processos Tempo Limiar do intervalo de confiança

1 24386.128647733333 73.27152111694031

2 13894.284884066667 70.34995560144774

4 6841.701110133333 82.62360109746395

8 3642.672579666666 81.44316271243856

16 1995.612674666666 75.7045419957342

MPI - Discussão dos resultados

Podemos notar de imediato que há uma melhor conforme aumento o número de processos. Entretanto, é possível visualizar que a taxa de redução do tempo é cada vez menor. Uma hipótese é de que o custo de criação dos processos começa a superar o ganho no uso dos mesmos.

Porém, conseguimos ver que o ganho de desempenho foi muito grande, reduzindo cerca de 22s quando comparamos a versão sequencial (1 processo) e a versão com 16 processos.

Escolhemos como melhor parâmetro o uso de 16 processos.

MPI Multithreads - Visualização dos resultados

Para visualizar os resultados, plotamos um gráfico para cada tamanho de thread comparando os diferentes números de processos em cada uma das versões.

Por motivos de melhor visualização dos resultados, optamos por exibir o eixo y em escala logarítmica com base 2.

```
In [96]: '''
Definição do eixo x
'''
x = [2**i for i in range(5)]
```

A função abaixo recebe o número de threads e plota uma comparação entre as versões OpenMPI+Pthreads e OpenMPI+OpenMP

```
In [97]: '''
Recebe um número de thread.
Coleta os dados para o número fornecido
e plota o gráfico de cada versão
'''
def plot_threads(threads):
    y = []
    confidence = []

    y_mpi_pth = [i[0] for i in data["mpi_pth"][threads]]
    y.append(np.array(y_mpi_pth))

    y_mpi_omp = [i[0] for i in data["mpi_omp"][threads]]
    y.append(np.array(y_mpi_omp))

    confidence_mpi_pth = [i[1] for i in data["mpi_pth"][threads]]
    confidence.append(np.array(confidence_mpi_pth))

    confidence_mpi_omp = [i[1] for i in data["mpi_omp"][threads]]
    confidence.append(np.array(confidence_mpi_omp))

    fig, axs = plt.subplots(1, 2, figsize=(12, 4), dpi=80)
    titles = ["MPI Pthreads", "MPI OpenMP"]
    for i, title in enumerate(titles):
        axs[i].fill_between(x, y[i], confidence[i]), (y[i], confidence[i]), color='pink', alpha=0.5)
        axs[i].scatter(x, y[i])
        axs[i].set_ylabel("Tempo(ms)", color='y')
        axs[i].set_yscale("log", base=2)
        axs[i].grid(color='black', linewidth=0.5, axis='y')
        axs[i].legend(("Intervalo de confiança", "Medições"))
        fig.supxlabel(str(threads) + " threads(s)")
    plt.show()

    '''
    Print dos valores
    '''
    print("{:<60}&".format("Pthreads"))
    data_print(data["mpi_pth"][threads])
    print("\n")
    print("{:<60}&".format("OpenMP"))
    data_print(data["mpi_omp"][threads])
```

Utilizando a função para os valores definidos:

```
In [98]: for i in range(6):
plot(2**i)
```


Processos Tempo Limiar do intervalo de confiança

1 24386.128647733333 73.27152111694031

2 13894.284884066667 70.34995560144774

4 6841.701110133333 82.62360109746395

8 3642.672579666666 81.44316271243856

16 1995.612674666666 75.7045419957342

Processos Tempo Limiar do intervalo de confiança

1 24386.128647733333 73.27152111694031

2 13894.284884066667 70.34995560144774

4 6841.701110133333 82.62360109746395

8 3642.672579666666 81.44316271243856

16 1995.612674666666 75.7045419957342

Processos Tempo Limiar do intervalo de confiança

1 24386.128647733333 73.27152111694031

2 13894.284884066667 70.34995560144774

4 6841.701110133333 82.62360109746395

8 3642.672579666666 81.44316271243856

16 1995.612674666666 75.7045419957342

Processos Tempo Limiar do intervalo de confiança

1 24386.128647733333 73.27152111694031

2 13894.284884066667 70.34995560144774

4 6841.701110133333 82.62360109746395

8 3642.672579666666 81.44316271243856

16 1995.612674666666 75.7045419957342

Processos Tempo Limiar do intervalo de confiança

1 24386.128647733333 73.27152111694031

2 13894.284884066667 70.34995560144774

4 6841.701110133333 82.62360109746395

8 3642.672579666666 81.44316271243856

16 1995.612674666666 75.7045419957342

Processos Tempo Limiar do intervalo de confiança

1 24386.128647733333 73.27152111694031

2 13894.284884066667 70.34995560144774

4 6841.701110133333 82.62360109746395

8 3642.672579666666 81.44316271243856

16 1995.612674666666 75.7045419957342

Processos Tempo Limiar do intervalo de confiança

1 24386.128647733333 73.27152111694031

2 13894.284884066667 70.34995560144774

4 6841.701110133333 82.62360109746395

8 3642.672579666666 81.44316271243856

16 1995.612674666666 75.7045419957342

Processos Tempo Limiar do intervalo de confiança

1 24386.128647733333 73.27152111694031

2 13894.284884066667 70.34995560144774

4 6841.701110133333 82.62360109746395

8 3642.672579666666 81.44316271243856

16 1995.612674666666 75.7045419957342

Processos Tempo Limiar do intervalo de confiança

1 24386.128647733333 73.27152111694031

2 13894.284884066667 70.34995560144774

4 6841.701110133333 82.62360109746395

8 3642.672579666666 81.44316271243856

16 1995.612674666666 75.7045419957342

Processos Tempo Limiar do intervalo de confiança

1 24386.128647733333 73.27152111694031

2 13894.284884066667 70.34995560144774

4 6841.701110133333 82.62360109746395

8 3642.672579666666 81.44316271243856

16 1995.612674666666 75.7045419957342

Processos Tempo Limiar do intervalo de confiança

1 24386.128647733333 73.27152111694031

2 13894.284884066667 70.34995560144774

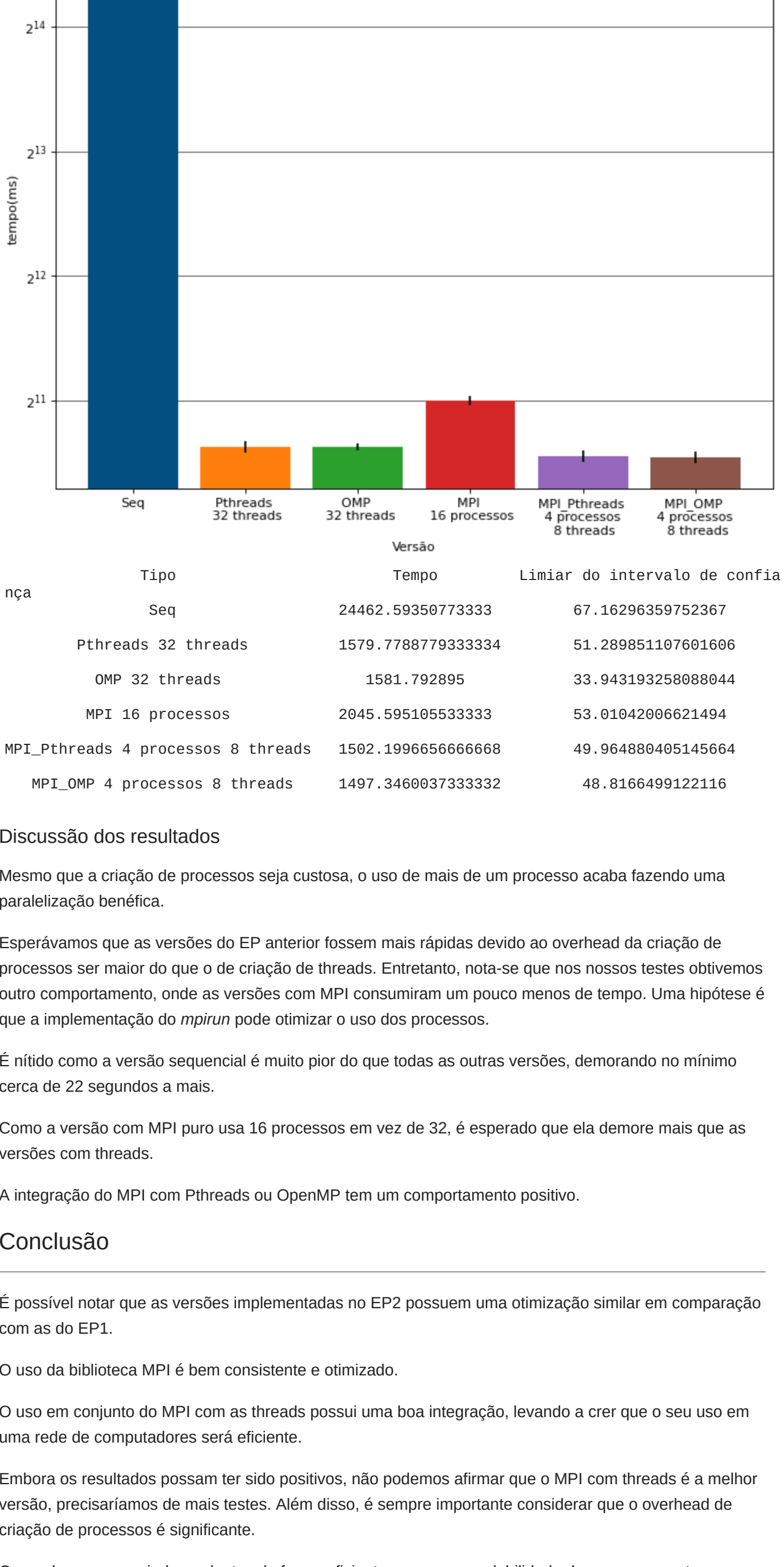
4 6841.701110133333 82.62360109746395

8 3642.672579666666 81.44316271243856

16 1995.612674666666 75.7045419957342

Processos Tempo Limiar do intervalo de confiança

Comparação entre as versões usando os parâmetros determinados



Discussão dos resultados

Mesmo que a criação de processos seja custosa, o uso de mais de um processo acaba fazendo uma paralelização benéfica.

Esperávamos que as versões do EP anterior fossem mais rápidas devido ao overhead da criação de processos ser maior do que o de criação de threads. Entretanto, nota-se que nos nossos testes obtivemos outro comportamento, onde as versões com MPI consumiram um pouco menos de tempo. Uma hipótese é que a implementação do *mpirun* pode otimizar o uso dos processos.

É nítido como a versão sequencial é muito pior do que todas as outras versões, demorando no mínimo cerca de 22 segundos a mais.

Como a versão com MPI puro usa 16 processos em vez de 32, é esperado que ela demore mais que as versões com threads.

A integração do MPI com Pthreads ou OpenMP tem um comportamento positivo.

Conclusão

É possível notar que as versões implementadas no EP2 possuem uma otimização similar em comparação com as do EP1.

O uso da biblioteca MPI é bem consistente e otimizado.

O uso em conjunto do MPI com as threads possui uma boa integração, levando a crer que o seu uso em uma rede de computadores será eficiente.

Embora os resultados possam ter sido positivos, não podemos afirmar que o MPI com threads é a melhor versão, precisaríamos de mais testes. Além disso, é sempre importante considerar que o overhead de criação de processos é significante.

O uso de processos independentes de forma eficiente promove escalabilidade do processamento em rede, o que não era possível somente com o uso de threads.