注意: DBSCAN无predict方法, 只有fit_predict方法

```
In [ ]:
```

```
from sklearn.cluster import DBSCAN

dbscan = DBSCAN().fit(iris.data)
dbscan.labels_

In []:

dbscan.components_
```

```
In [ ]:
```

```
dbscan.fit_predict(iris.data)
```

In []:

```
# 增大距离参数
from sklearn.cluster import DBSCAN

dbscan = DBSCAN(eps = 1).fit(iris.data)
dbscan.labels_
```

6.5 实战练习

将iris数据集的案例顺序彻底随机化,然后重新使用BIRCH方法进行聚类。列出随机化以后聚类结果和真实类别间的交叉表,并且和按照原顺序得到的BIRCH聚类结果和真实类别的交叉表作比较,思考案例顺序随机化处理在BIRCH方法中的重要性。

提示:交叉表描述可使用Pandas中的功能完成,也可以使用7.1.1中将要介绍的混淆矩阵完成。案例随机化可以使用Pandas中的功能完成,如果对Pandas不熟悉,也可以参考8.2.1节中的程序实现方式。

将iris数据集的案例顺序彻底随机化,使用K-Means方法进行聚类操作,并比较随机化前后的聚类结果,思考为什么会和BIRCH方法存在这种差异。

7 评估模型效果

评分方法缩写	Sklearn中的具体函数
Classification (分类)	
'accuracy'	metrics.accuracy_score
'average_precision'	metrics.average_precision_score
'f1'	metrics.f1_score
'precision' etc.	metrics.precision_score
'recall' etc.	metrics.recall_score
'roc_auc'	metrics.roc_auc_score
Clustering (聚类)	
'adjusted_mutual_info_score'	metrics.adjusted_mutual_info_score
'adjusted_rand_score'	metrics.adjusted_rand_score
'completeness_score'	metrics.completeness_score
'fowlkes_mallows_score'	metrics.fowlkes_mallows_score
'homogeneity_score'	metrics.homogeneity_score
'mutual_info_score'	metrics.mutual_info_score
'normalized_mutual_info_score'	metrics.normalized_mutual_info_score
'v_measure_score'	metrics.v_measure_score
Regression (回归)	
'explained_variance'	metrics.explained_variance_score
'neg_mean_absolute_error'	metrics.mean_absolute_error
'neg_mean_squared_error'	metrics.mean_squared_error
'neg_mean_squared_log_error'	metrics.mean_squared_log_error
'neg_median_absolute_error'	metrics.median_absolute_error
'r2'	metrics.r2_score

7.1 类别预测模型

7.1.1 分类结果的呈现:混淆矩阵

可在该矩阵的基础上进一步计算分类别的各种指标

sklearn.metrics.confusion_matrix(y_true, y_pred, labels = None, sample_weight = None)

输出预测类别和实际类别的交叉矩阵(混淆矩阵)

函数返回: array, shape = [n classes, n classes]

```
In [ ]:
```

```
from sklearn.neural_network import MLPClassifier
mlp = MLPClassifier().fit(iris.data, iris.target)
```

In []:

```
from sklearn.metrics import confusion_matrix

cm = confusion_matrix(iris.target, mlp.predict(iris.data))
cm
```

In []:

```
# 自定义类别顺序
confusion_matrix(iris.target, mlp.predict(iris.data), labels = [2, 1, 0])
```

```
In [ ]:
```

```
# 可以考虑用热图的形式加以呈现
sns.heatmap(cm, cmap = sns.color_palette("Blues"), annot = True)
```

7.1.2 分类结果的评价: 评分

sklearn中的常见评分函数:

```
precision_score: 计算准确率
recall_score: 计算召回率
average_precision_score: 计算预测值的AP (平均准确率)
    实际对应了precision-recall曲线下的面积
f1_score: 计算F1值, 也被称为平衡F-score或F-measure
fbeta_score: 计算F-beta score, 即准确率和召回率的加权协调均数
precision_recall_curve: 计算不同概率阀值的precision-recall对
precision_recall_fscore_support: 为每个类计算precision, recall, F-measure和 su
pport
```

7.1.2.1 准确率与召回率

sklearn.metrics.precision_recall_curve(

```
y_true : array, shape = [n_samples], 因变量的真值 probas_pred : array, shape = [n_samples], 模型给出的每个案例的估计概率 pos_label = None : 阳性类别的标签 sample_weight = None : 案例权重
```

)返回:

```
precision : array, shape = [n_thresholds + 1], 准确率
第i个元素为score >= thresholds[i]时的准确率, 最后一个元素为1
recall : array, shape = [n_thresholds + 1], 召回率
第i个元素为score >= thresholds[i]时的召回率, 最后一个元素为0
thresholds : array, shape = [n_thresholds <= 不重复的预测概率列表长度]
用于计算上述两个率的不重复的概率值列表,为升序排列
```

注意: 该函数只能用于二值预测模型, 多类预测问题需要转化为二值问题进行评估。

In []:

```
In [ ]:
```

```
len(precision), len(recall), len(thresholds)
```

```
In [ ]:
thresholds
In [ ]:
precision
In [ ]:
plt.scatter(x = thresholds, y = precision[:-1])
In [ ]:
plt.scatter(x = thresholds, y = recall[:-1])
In [ ]:
plt.scatter(x = recall, y = precision)
In [ ]:
sns.lineplot(recall, precision)
In [ ]:
# 多值预测问题转化为二值问题进行评估
from sklearn.preprocessing import binarize
y = binarize(iris.target.reshape(-1, 1))
In [ ]:
pd.DataFrame(mlp.predict proba(iris.data))[0].head()
In [ ]:
from sklearn.neural network import MLPClassifier
mlp = MLPClassifier().fit(iris.data, y)
In [ ]:
from sklearn.metrics import precision_recall_curve
precision, recall, thresholds = precision recall curve(y,
   pd.DataFrame(mlp.predict proba(iris.data))[0], pos label = 0)
In [ ]:
plt.scatter(x = thresholds, y = recall[:-1])
In [ ]:
plt.scatter(x = recall, y = precision)
```

7.1.2.2 给出预测值的平均准确率

AP: average precision, 所有实际阳性案例的准确率平均值。

```
sklearn.metrics.average_precision_score(
```

```
y_score : array, shape = [n_samples] or [n_samples, n_classes] average = 'macro' : string, 具体的汇总平均方法
        [None, 'micro', 'macro' (default), 'samples', 'weighted']
        None : 分各类别报告指标,不进行平均
        'binary' : 只报告pos_label参数指定类别的结果,仅对两分类有效
        'micro' : 直接对整个样本计算各个指标,显然小类在计算中会相对更重要
        'macro' : 直接基于整个样本的tp, tf等计算评分指标,不考虑样本比例不平衡
        'weighted' : 分类别计算各个指标,然后按照各类别的真实案例数作加权平均
        'samples' : 适用于多标签问题,直接计算每个样本的指标,然后再作加权平均
        sample_weight = None

In []:

**Transklearn metrics import average precision agaze**
```

y_true : array, shape = [n_samples] or [n_samples, n_classes]

```
from sklearn.metrics import average_precision_score
average_precision = average_precision_score(y_true, y_scores)
average_precision
```

7.1.3 评分结果的汇总输出

F1 score

F1 score = 2 (命中率*召回率) / (命中率+召回率)

sklearn.metrics.f1_score(

```
y_true: 各案例的真实类别
y_pred: 各案例的预测类别
pos_label = 1: str or int, 两分类时希望报告的类别,多分类时该参数无效
average = 'binary': 指定多分类时的指标平均方法
    [None, 'binary', 'micro', 'macro', 'samples', 'weighted']
    None: 分各类别报告指标,不进行平均
    'binary': 只报告pos_label参数指定类别的结果,仅对两分类有效
    'micro': 直接对整个样本计算各个指标,显然小类在计算中会相对更重要
    'macro': 直接基于整个样本的tp, tf等计算评分指标,不考虑样本比例不平衡
    'weighted': 分类别计算各个指标,然后按照各类别的真实案例数作加权平均
    'samples': 适用于多标签问题,直接计算每个样本的指标,然后再作加权平均
labels = None, sample weight = None
```

)返回:阳性类别的f1_score(对于两分类),所有类别加权平均后的f1_score(多分类)

```
In [ ]:
```

```
from sklearn.metrics import f1_score

mlp = MLPClassifier().fit(iris.data, iris.target)
f1_score(iris.target, mlp.predict(iris.data), average = 'micro')
```

分类结果的汇总报告

sklearn.metrics.classification report(

```
y_true, y_pred, labels = None, target_names = None
sample weight = None, digits = 2
```

)返回:每个类别的precision, recall, F1 score

In []:

```
from sklearn.metrics import classification_report

# 使用print函数让结果自动格式化
print(classification_report(iris.target, mlp.predict(iris.data)))
```

7.1.4 ROC曲线分值

计算各拆分点的相应指标

sklearn.metrics.roc_curve(

```
y_true, y_score, pos_label = None, sample_weight = None drop_intermediate = True : 是否丟弃一些偏离ROC曲线的次优阈值 该参数对于创建更简明的ROC曲线非常有用
```

)返回:

```
fpr : array, shape = [>2], 假阳性率
tpr : array, shape = [>2], 真阳性率
thresholds : array, shape = [n_thresholds]
用于计算上述两个率的不重复的概率值列表, 为降序排列
```

In []:

```
from sklearn.metrics import roc_curve
roc_curve(y_true, y_scores)
```

```
In [ ]:
```

```
fpr, tpr, thresholds = roc_curve(y_true, y_scores)
```

```
In [ ]:
sns.lineplot(fpr, tpr, ci = None)
plt.ylim(0, 1.01)
plt.plot([0, 1], [0, 1])
计算ROC曲线下面积
sklearn.metrics.roc auc score(
   y_true, y_score, average = 'macro', sample_weight = None
)
In [ ]:
from sklearn.metrics import roc_auc_score
roc auc score(y true, y scores)
7.2 回归类模型
sklearn中常用的连续结果评分指标:
   mean squared error : 即残差平方的均值
   mean_squared_log_error : 原指标自然对数的残差平方均值
      适用于对数正态分布的指标
   mean absolute error : 即残差绝对值的均值
   explained_variance_score : 模型所解释的方差占总方差的比例
   r2_score : 决定系数
sklearn.metrics.r2 score(
   y true, y pred, sample weight = None
   multioutput = 'uniform average' : 多个目标变量时指标的平均方式
       'raw values': 直接返回原始的评分
      'uniform_average' : 返回原始评分的直接平均值
      'variance_weighted': 返回评分按照方差加权的平均值
)
In [ ]:
from sklearn import linear model
```

```
from sklearn import linear_model

reg = linear_model.LinearRegression()

reg.fit(boston.data, boston.target)

y_pred = reg.predict(boston.data)
```

```
In [ ]:
# 无偏估计时两个指标的结果完全相同
from sklearn.metrics import explained_variance_score
from sklearn.metrics import r2 score
print(explained variance score(boston.target, y pred))
print(r2 score(boston.target, y_pred))
7.3 聚类模型
7.3.1 存在ground truth class
sklearn.metrics.adjusted_rand_score(labels_true, labels_pred)
sklearn.metrics.mutual_info_score(labels_true, labels_pred, contingency = None)
In [ ]:
from sklearn.metrics import adjusted rand score
adjusted_rand_score(iris.target, kmeans.labels_)
In [ ]:
from sklearn.metrics import mutual info score
mutual_info_score(iris.target, kmeans.labels_)
In [ ]:
from sklearn.metrics import mutual info score
mutual info score(kmeans.labels , iris.target)
7.3.2 无ground truth class
sklearn.metrics.silhouette score(
   X, labels, metric = 'euclidean', sample size = None
   random state = None, **kwds
```

```
X, labels, metric = 'euclidean', sample_size = None
  random_state = None, **kwds
)
In []:
from sklearn.metrics import silhouette_score
silhouette_score(iris.data, kmeans.labels_)
```

7.4 与随机预测结果相比较 (虚拟估计)

7.4.1 虚拟分类

class sklearn.dummy.DummyClassifier(

```
strategy = 'stratified': str. 预测值的生成策略
      stratified: 通过考虑训练集中各类的分布来生成随机预测
      most frequent : 总是预测训练集中最常见的类标签
      prior : 总是预测训练集中先验概率最大的一类, predict proba返回预测概率
      uniform: 随机产生预测类别
      constant: 总是预测用户提供的常数类标签,这种方法对评估小类别很有效
   random_state = None,
   constant = None : int/str/形如[n outputs]的array,用户提供的常数类标签
)
DummyClassifier类的属性:
   classes : array or list of array of shape = [n classes]
   n classes : array or list of array of shape = [n classes]
   class prior : array or list of array of shape = [n classes]
   n outputs : int,
   outputs_2d_: bool, 输出是否为2d数组
   sparse output : bool
In [ ]:
from sklearn.neural network import MLPClassifier
mlp = MLPClassifier().fit(iris.data, iris.target)
mlp.score(iris.data, iris.target)
In [ ]:
from sklearn.dummy import DummyClassifier
clf = DummyClassifier(random state = 0)
clf.fit(iris.data, iris.target)
clf.score(iris.data, iris.target)
```

7.4.2 虚拟回归

)

class sklearn.dummy.DummyRegressor(

```
strategy = 'mean' : 预测值的生成策略
mean : 总是预测为训练集目标变量的平均值.
median : 总是预测为训练集目标变量的中位数.
quantile : 总是预测为用户提供的训练集目标变量的某一分位数
constant : 总是预测为由用户提供的常数值

constant = None : int / float / 形如[n_outputs]的array
quantile = None : float in [0.0, 1.0],用户指定的百分位数
```

DummyRegressor类的属性:

```
constant_ : float or array of shape [n_outputs]
n_outputs_ : int,
outputs_2d_ : bool,
```

In []:

```
from sklearn import linear_model

reg = linear_model.LinearRegression().fit(boston.data, boston.target)
reg.score(boston.data, boston.target)
```

In []:

```
from sklearn.dummy import DummyRegressor

reg = DummyRegressor().fit(boston.data, boston.target)
reg.score(boston.data, boston.target)
```

7.5 实战练习

以均数为标准将boston数据的因变量拆分为二分类,分别拟合不同的分类预测模型,并进行完整的模型效果评价。

思考在身边可能遇到的聚类分析案例中,有无可能出现ground truth class的情形。

8 数据的拆分

使用建模数据的结果进行模型效果评价,很难避免过拟合发生。

8.1 二分法拆分

sklearn.model_selection.train_test_split(

```
*arrays: 等长度的需要拆分的数据对象 格式可以是lists, numpy arrays, scipy稀疏矩阵或者pandas数据框显然, 对于有监督类模型, x和y需要按相同标准同时进行拆分 test_size = 0.25: float, int, None, 用于验证模型的样本比例, 范围在0~1 为None时所有样本都将用于训练 train_size = None: float, int, or None, 用于训练模型的样本比例, 0~1 为None时自动基于test_size计算 random_state = None shuffle = True: 是否在拆分前对样本做随机排列 stratify = None: array-like or None, 是否按指定类别标签对数据做分层拆分
```

)返回:对输入对象进行拆分后的list, length = 2 * len(arrays)