

昵称: victorchew 园龄: 1年10个月 粉丝: 1

关注: 0 +加关注

< 2018年5月						>
日	_	=	Ξ	四	五	<u>, , , , , , , , , , , , , , , , , , , </u>
29	30	1	2	3	4	5
6	7	8	9	10	11	12
13	14	15	16	17	18	19
20	21	22	23	24	25	26
27	28	29	30	31	1	2
3	4	5	6	7	8	9

🅊 搜索



🤎 常用链接

我的随笙

我的评论

我的参与 最新评论

我的标签

更多链接

🤎 随笔档案

2016年7月 (13)

🤎 阅读排行榜

- 1. 蚁群算法简介(part3: 蚁群算法之更 新信息素)(2313)
- 2. 遗传算法在JobShop中的应用研究 (part1: 绪论) (499)
- 3. 遗传算法在JobShop中的应用研究 (part 2: 编码)(294)
- 4. 蚁群算法简介(part2: 蚁群算法之构 造路径)(278)
- 5. 蚁群算法简介(part 1: 蚁群算法之 绪论)(271)

遗传算法在JobShop中的应用研究(part3:交叉)

2. 交叉

交叉是遗传算法中的一个重要操作,它的目的是从两条染色体中各自取出一部 分来组合成一条新的染色体这里, 在车间调度中一种常见的交叉方法叫 Generalized Order Crossover方法(GOX), 假设有三个工件A,B,C, 每个工件下面 包含三道工序,根据这一信息我们可以利用上一节介绍的编码技术随机生成两条染 色体如下:

BABBCACCBA Parent1:

ABBACABCBC Parent2:

我们可以用一个list来存储一条染色体,

这个list中的每个元素是一个有序偶,有序偶的第一个元素是工件号,第二个元素是工序号。 Parent1用list可以表示为[(B,1),(A,1),(B,2),(B,3),(C,1),(A,2),(C,2),(C,3),(B,1),(A,3))]

> Parent1: BABBCACCBA

1 1 2 3 1 2 2 3 4 3 $\mathbf{Index:}$ 有序偶的图示为

GOX交叉就是从Parent2中随机抽取其中的一部分把它移植到Parent1中生成新的染色体,比 如, 我们选取 "(A,2)(C,1)(A,3)(B,3)" 这个片段

ABBACABCBC Parent2: 2 1 3 3 Index:

我们首先随机选取Parent1中的一个位置,把这个"(A,2)(C,1)(A,3)(B,3)"片段插到该位置之

BABBC A ACABCCB A Parent1: Index:

同时,我们把原Parent1中与从Parent2中移植过来的部分中重复的有序偶删掉,即可以得到 新的交叉后的染色体:

Offspring: BABACABCCB 1 1 2 2 1 3 3 2 3 4 Index:

上述过程的实现代码如下:

1 def Crossover(p1, p2, I)://p1,p2是两条待交叉的染色体, I存放工序和工件的信息(见编码部分) """Crossover operation for the GA. Generalized Order Crossover (GOX).""" def Index(p1, I)://Index(p1,I)//这个函数接收两个参数p1和I,返回p1对应的有序偶list

```
ct = [0 for j in xrange(I.n)]
 5
              s = []
 6
             for i in p1:
7
                 s.append((i, ct[i]))
8
                 ct[i] = ct[i] + 1
9
          idx_p1 = Index(p1, I) //p1的有序偶list,p1即上文的Parent2
10
11
          idx_p2 = Index(p2, I) //p2的有序偶list,p2即上文的Parent1
12
          nt = len(idx p1) //p1的长度
13
          i = randint(1, nt)//1到nt间的随机数
14
          j = randint(0, nt-1)//0 到nt间的随机数
15
          k = randint(0, nt)//k为插入Parent1时的插入点
          //implant 相当于上面的"(A,2)(C,1)(A,3)(B,3)"即从Parent2抽取的片段
          implant = idx_p1[j:min(j+i,nt)] + idx_p1[:i - min(j+i,nt) + j]17
16
          lft_child = idx_p2[:k]
18
19
          rgt_child = idx_p2[k:]
20
          for jt in implant://从Parent1删除与插入片段重复的有序偶
21
             if jt in lft child: lft child.remove(jt)
             if jt in rgt_child: rgt_child.remove(jt)
22
          //Child: 即相当于BABACABCCB
23
          child = [ job for (job, task) in lft_child + implant + rgt_child ]
25
          return child
```





victorchew

粉丝 - 1





+加关注

«上一篇:遗传算法在JobShop中的应用研究(part 2:编码) » 下一篇: 遗传算法在JobShop中的应用研究 (part4:变异)

posted @ 2016-07-16 18:07 victorchew 阅读(200) 评论(0) 编辑 收藏

刷新评论 刷新页面 返回顶部

注册用户登录后才能发表评论,请登录或注册,访问网站首页。

最新IT新闻:

- · 上交所向格力发问询函 要求就收购资金来源等作说明
- · 360拟非公开发行A股募资不超过108亿元 股票明日复牌
- · 迅雷Q1净利润约800万美元 同比扭亏
- ·华为再发声明: 感谢联想投票 5G需要产业携手合作
- · 拍拍贷第一季度净利润7000万美元 同比扭亏
- » 更多新闻...

最新知识库文章:

- · 评审的艺术——谈谈现实中的代码评审
- ·如何高效学习
- 如何成为优秀的程序员?
- ·菜鸟工程师的超神之路 -- 从校园到职场
- ·如何识别人的技术能力和水平?
- » 更多知识库文章...

