Pathway	Gene ranks				NES	pval	padj	
HALLMARK_PANCREAS_BETA_CELLS	I					1.30	5.9e-02	9.4e-01
HALLMARK_MYC_TARGETS_V2		ı				1.37	1.0e-01	9.7e-01
HALLMARK_MYC_TARGETS_V1		1 1 11		1.1	ı	1.14	3.1e-01	9.7e-01
LLMARK_XENOBIOTIC_METABOLISM	1			1	ı	1.11	3.8e-01	9.7e-01
HALLMARK_HYPOXIA	I	11				1.04	4.5e-01	9.7e-01
ARK_OXIDATIVE_PHOSPHORYLATION		İ		ı	1.1	0.94	5.5e-01	9.7e-01
HALLMARK_MTORC1_SIGNALING		1				0.82	7.6e-01	9.7e-01
HALLMARK_APOPTOSIS		I				0.79	8.1e-01	9.7e-01
HALLMARK_PEROXISOME		I	1 1			0.68	8.6e-01	9.7e-01
HALLMARK_DNA_REPAIR		I		1		0.67	8.8e-01	9.7e-01
MARK_PI3K_AKT_MTOR_SIGNALING						-0.94	5.6e-01	9.7e-01
HALLMARK_UV_RESPONSE_DN				ı		-1.01	5.0e-01	9.7e-01
HALLMARK_HEME_METABOLISM		I	1 1		П	-1.09	3.6e-01	9.7e-01
MARK_ESTROGEN_RESPONSE_LATE		I			I	-1.14	3.4e-01	9.7e-01
ARK_ESTROGEN_RESPONSE_EARLY		I			I	-1.14	3.4e-01	9.7e-01
K_UNFOLDED_PROTEIN_RESPONSE		П		1		-1.22	2.4e-01	9.7e-01
HALLMARK_COAGULATION					1	-1.19	2.4e-01	9.7e-01
LMARK_TNFA_SIGNALING_VIA_NFKB				1.1		-1.24	2.0e-01	9.7e-01
LMARK_INFLAMMATORY_RESPONSE				ı	1	-1.29	1.4e-01	9.7e-01
ARK_CHOLESTEROL_HOMEOSTASIS			_		п.	-1.40	6.1e-02	9.4e-01
	0 1	100 200	300	400	500			

Hallmark pathways NES from GSEA

