Pathway		(	Gene	e rar	ıks			NES	pval	padj
HALLMARK_PANCREAS_BETA_CELLS	I							1.29	8.9e-02	8.4e-01
HALLMARK_MYC_TARGETS_V2			1					1.37	1.2e-01	8.4e-01
LLMARK_XENOBIOTIC_METABOLISM	1 1				Ш			1.33	1.6e-01	8.4e-01
ARK_OXIDATIVE_PHOSPHORYLATION	-		1	1 1	1.1		l	1.22	2.5e-01	8.7e-01
HALLMARK_MYC_TARGETS_V1		I	II	1		1	I	1.01	4.6e-01	8.7e-01
HALLMARK_HYPOXIA	I		1 1					1.01	4.8e-01	8.7e-01
HALLMARK_MTORC1_SIGNALING			I					0.92	6.2e-01	8.9e-01
HALLMARK_DNA_REPAIR		I		1				0.82	7.5e-01	8.9e-01
HALLMARK_PEROXISOME		I		ı				0.81	7.6e-01	8.9e-01
HALLMARK_APOPTOSIS			1					0.79	8.2e-01	8.9e-01
HALLMARK_PROTEIN_SECRETION						I		-1.05	4.2e-01	8.7e-01
MARK_PI3K_AKT_MTOR_SIGNALING						I		-1.05	4.2e-01	8.7e-01
ARK_ESTROGEN_RESPONSE_EARLY		1		I			I	-1.07	3.9e-01	8.7e-01
MARK_ESTROGEN_RESPONSE_LATE		1					I	-1.11	3.4e-01	8.7e-01
LMARK_TNFA_SIGNALING_VIA_NFKB					ı	1		-1.15	3.0e-01	8.7e-01
HALLMARK_COAGULATION						I		-1.16	2.9e-01	8.7e-01
HALLMARK_HEME_METABOLISM			1	ı		II		-1.22	2.7e-01	8.7e-01
K_UNFOLDED_PROTEIN_RESPONSE			I	ı		I	I	-1.37	1.5e-01	8.4e-01
LMARK_INFLAMMATORY_RESPONSE						1 1		-1.35	1.4e-01	8.4e-01
ARK_CHOLESTEROL_HOMEOSTASIS						١.	I	-1.42	7.9e-02	8.4e-01
	0 1	100	200	300	400	500	)			

Hallmark pathways NES from GSEA

