

Яндекс. Тренировки по алгоритмам июнь 2021, занятие 3

2 апр 2024, 05:02:03

старт: 4 июн 2021, 21:00:00

...

Объявления жюри

Положение участников

Задачи

Посылки

Ф. Инопланетный геном

Ограничение времени	1 секунда
Ограничение памяти	64Mb
Ввод	стандартный ввод или input.txt
Вывод	стандартный вывод или output.txt

Геном жителей системы Тау Кита содержит 26 видов оснований, для обозначения которых будем использовать буквы латинского алфавита от A до Z, а сам геном записывается строкой из латинских букв. Важную роль в геноме играют пары соседних оснований, например, в геноме «АВВАСАВ» можно выделить следующие пары оснований: АВ, ВВ, ВА, АС, СА, АВ. Степенью близости одного генома другому геному называется количество пар соседних оснований первого генома, которые встречаются во втором геноме.

Формат ввода

Вам даны два генома, определите степень близости первого генома второму геному. Программа получает на вход две строки, состоящие из заглавных латинских букв. Каждая строка непустая, и её длина не превосходит 10^5 .

Формат вывода

Программа должна вывести одно целое число – степень близости генома, записанного в первой строке, геному, записанному во второй строке.

Пример

Ввод	Вывод
АВВАСАВ ВСАВВ	4

Примечания

Следующие пары оснований первого генома встречаются во втором геноме: АВ, ВВ, СА, АВ. Обратите внимание на то, что пара АВ в первом геноме встречается два раза, поэтому и подсчитана в ответе два раза.

Система оценивания:

Решение, правильно работающее только для случаев, когда длины данных строк не превосходят 100, будет оцениваться в 60 баллов.

- ✓

А. Количество различных чисел
- ✓

В. Пересечение множеств
- ✓

С. Кубики
- ✓

Д. Количество слов в тексте
- ✓

Е. OpenCalculator
- ✓

Ф. Инопланетный геном
- ✓

Г. Черепахи
- ✓

Н. Злые свинки
- ✓

І. Полиглоты
- ✓

Ј. Пробежки по Манхэттену

Язык

Python 3.12.1

▼

Набрать здесь

Отправить файл

```
1 inp_file = open('input.txt')
2
3 s1 = inp_file.readline().rstrip()
4 s2 = inp_file.readline().rstrip()
5
6 pairs = set()
7 for i in range(len(s2)-1):
8     pairs.add(s2[i:i+2])
9
10 count = 0
11 if pairs:
12     for i in range(len(s1)-1):
13         if s1[i:i+2] in pairs: count += 1
14
15 print(count)
```

Отправить

!

осталось 96 попыток

Предыдущая

Следующая

Время посылки	ID	Задача	Компилятор	Вердикт	Тип посылки	Время	Память	Тест	Баллы
20 окт 2023, 01:24:59	93808110	F	Python 3.12.1	OK	-	109ms	4.23Mb	-	-
20 окт 2023, 01:23:31	93807974	F	Python 3.12.1	WA	-	46ms	4.26Mb	1	-
20 окт 2023, 01:20:02	93807656	F	Python 3.12.1	WA	-	48ms	4.14Mb	5	-
20 окт 2023, 01:19:24	93807592	F	Python 3.12.1	CE	-	0ms	0B	-	-