

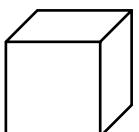


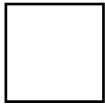
Data Intelligence Lab

Progress

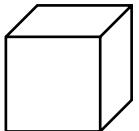
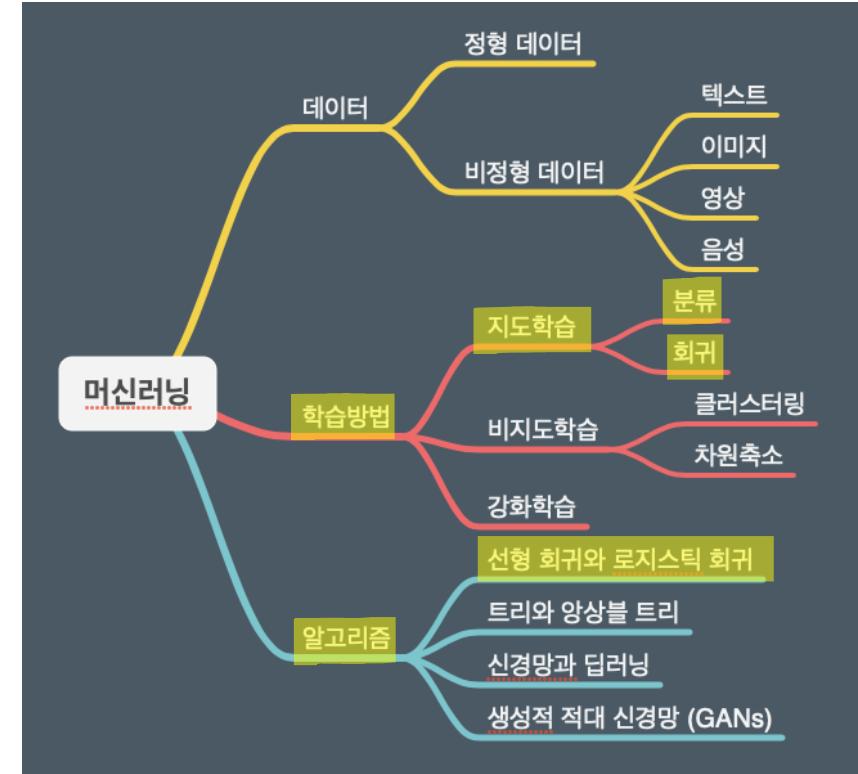
6월 22 ~ 29

인천대학교 컴퓨터공학부 강병하



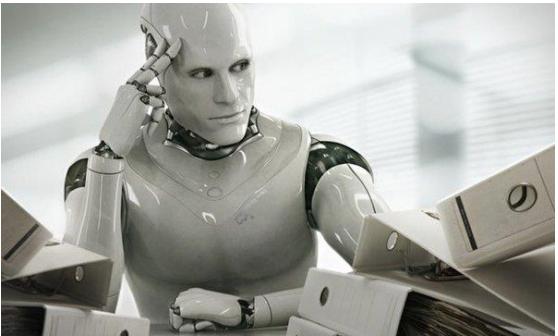


무엇을 공부했는가



세 가지 모델 실습

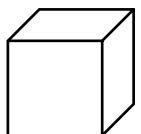
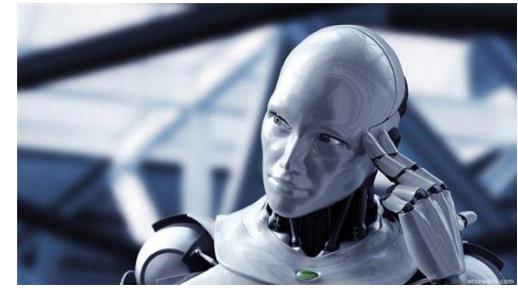
1. 빙어인지 도미인지
판별하는 이진분류 모델



2. 농어의 무게를 예측하는
회귀 모델



3. 생성의 종을 판별하는
로지스틱 회귀 모델

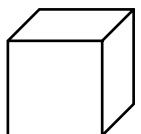


첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류

```
bream_length = [25.4, 26.3, 26.5, 29.0, 29.0, 29.7, 29.7, 30.0, 30.0, 30.7, 31.0, 31.0,  
31.5, 32.0, 32.0, 32.0, 33.0, 33.0, 33.5, 33.5, 34.0, 34.0, 34.0, 34.5, 35.0,  
35.0, 35.0, 35.0, 36.0, 36.0, 37.0, 38.5, 38.5, 39.5, 41.0, 41.0]  
bream_weight = [242.0, 290.0, 340.0, 363.0, 430.0, 450.0, 500.0, 390.0, 450.0, 500.0, 475.0, 500.0,  
500.0, 340.0, 600.0, 600.0, 700.0, 700.0, 610.0, 650.0, 575.0, 685.0, 620.0, 680.0,  
700.0, 725.0, 720.0, 714.0, 850.0, 1000.0, 920.0, 955.0, 925.0, 975.0, 950.0]
```

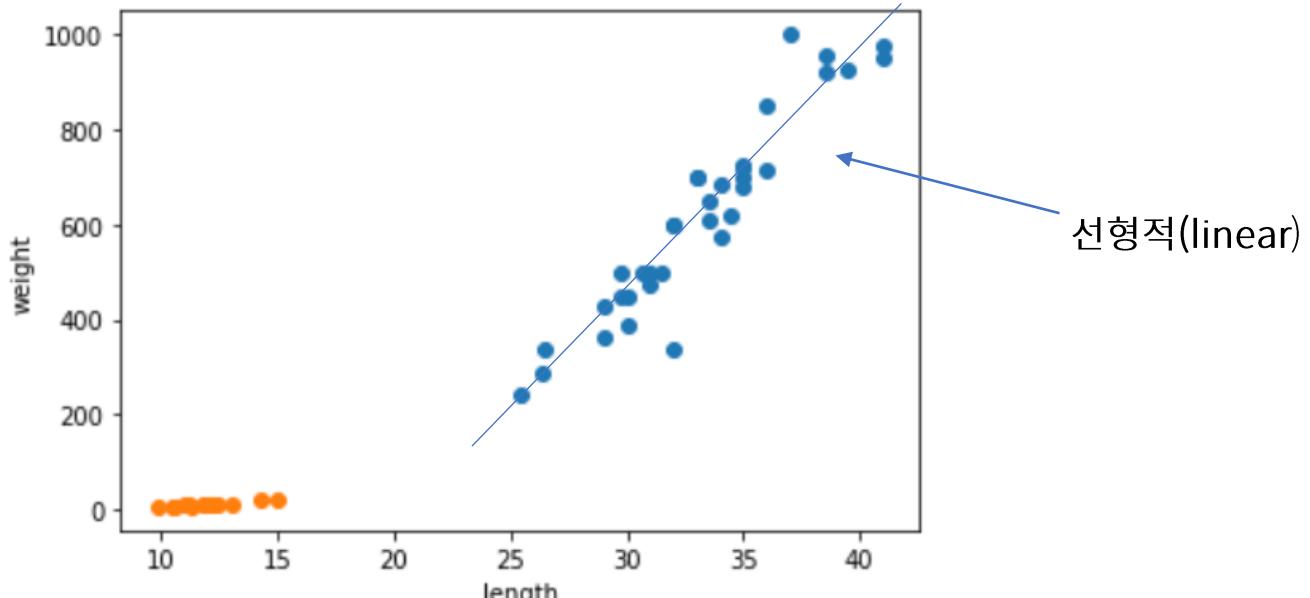
특성(feature) : 데이터의 특징

```
smelt_length = [9.8, 10.5, 10.6, 11.0, 11.2, 11.3, 11.8, 11.8, 12.0, 12.0, 12.2, 12.4, 13.0, 14.3, 15.0]  
smelt_weight = [6.7, 7.5, 7.0, 9.7, 9.8, 8.7, 10.0, 9.9, 9.8, 12.2, 13.4, 12.2, 19.7, 19.9]
```

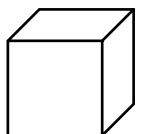


첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 - 데이터 시각화

```
:  
plt.scatter(bream_length, bream_weight)  
plt.scatter(smelt_length, smelt_weight)  
plt.xlabel('length')  
plt.ylabel('weight')  
plt.show()
```

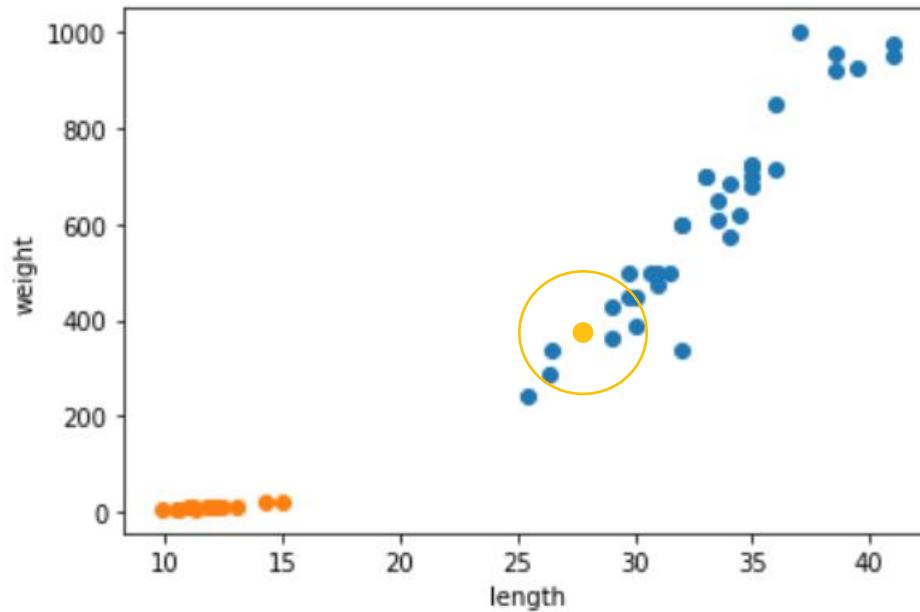


파란색 : 도미 주황색 : 빙어

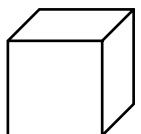


첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 - k 최근접 이웃 알고리즘

k 최근접 이웃 알고리즘 -> 주위의 다른 데이터(기본값 5개)를 보고 다수를 차지하는 것으로 판단



“근접한 5개 모두 도미이므로
28cm 400g 생선은 빙어가 아니라 도미일 것”



첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 – 데이터 준비

```
length = bream_length + smelt_length  
weight = bream_weight + smelt_weight
```

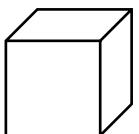
```
fish_data = [[l,w] for l, w in zip(length, weight)]
```

행렬 형태로 변환 (이중리스트)

도미는 1, 빙어는 0이라고 가정한다.

```
fish_target = [1] * 35 + [0] * 14  
print(fish_target)
```

정답은 벡터 형태



첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 - 훈련 및 평가

```
from sklearn.neighbors import KNeighborsClassifier
```

```
kn = KNeighborsClassifier()
```

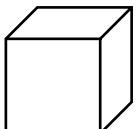
```
kn.fit(fish_data, fish_target)
```

지도학습에서는 입력(input)과 정답(target)을 전달.

```
kn.score(fish_data, fish_target)
```

1.0

정답을 외우고 시험을 치른 꼴



첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 - 훈련 세트, 테스트 세트

훈련에 사용하는 데이터와 평가에 사용하는 데이터는 달라야 한다.

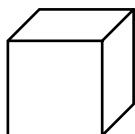
-> 준비된 데이터에서 일부를 떼어냄

```
# 훈련 데이터  
train_input = fish_data[:35]  
  
# 훈련 타깃(정답)  
train_target = fish_target[:35]  
  
# 테스트 데이터  
test_input = fish_data[35:]  
  
# 테스트 타깃  
test_target = fish_target[35:]
```

```
kn = kn.fit(train_input, train_target)  
kn.score(test_input, test_target)
```

0.0

하나도 맞추지 못함 Why?



첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 - 샘플링 편향(sampling bias)

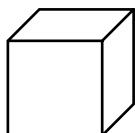
하나의 생선 데이터 -> 샘플(sample) 총 49개의 샘플

```
fish_length = [25.4, 26.3, 26.5, 29.0, 29.0, 29.7, 29.7, 30.0, 30.0, 30.7, 31.0, 31.0,  
               31.5, 32.0, 32.0, 32.0, 33.0, 33.0, 33.5, 33.5, 34.0, 34.0, 34.0, 34.5, 35.0,  
               35.0, 35.0, 35.0, 36.0, 36.0, 37.0, 38.5, 38.5, 39.5, 41.0, 41.0, 9.8,  
               10.5, 10.6, 11.0, 11.2, 11.3, 11.8, 11.8, 12.0, 12.2, 12.4, 13.0, 14.3, 15.0]  
fish_weight = [242.0, 290.0, 340.0, 363.0, 430.0, 450.0, 500.0, 390.0, 450.0, 500.0, 475.0, 500.0,  
               500.0, 340.0, 600.0, 600.0, 700.0, 700.0, 610.0, 650.0, 575.0, 685.0, 620.0, 680.0,  
               700.0, 725.0, 720.0, 714.0, 850.0, 1000.0, 920.0, 955.0, 925.0, 975.0, 950.0, 6.7,  
               7.5, 7.0, 9.7, 9.8, 8.7, 10.0, 9.9, 9.8, 12.2, 13.4, 12.2, 19.7, 19.9]
```

훈련 세트 -> 도미 35마리, 테스트 세트 -> 빙어 14마리

샘플이 골고루 섞여 있지 않음 -> 샘플링 편향.

과도한 샘플링 편향이 있다면 제대로 된 모델을 만들 수 없다.



첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 - 샘플링 편향 제거

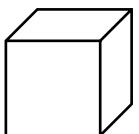
```
import numpy as np
```

```
# 파이썬 리스트를 넘파이 배열로 바꾸기  
input_arr = np.array(fish_data)  
target_arr = np.array(fish_target)
```

```
np.random.seed(42) #시드값을 같게 주면 일정한 결과를 얻을 수 있다.  
index = np.arange(49) # 0부터 48까지 1씩 증가하는 배열을 만들어준다. [0 1 2 ... 48]  
np.random.shuffle(index) # 무작위로 섞는다.
```

```
# 훈련 세트 만들기  
train_input = input_arr[index[:35]] # 랜덤하게 섞인 인덱스들로 하나씩 선택  
train_target = target_arr[index[:35]]
```

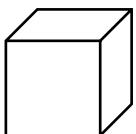
```
# 테스트 세트 만들기  
test_input = input_arr[index[35:]]  
test_target = target_arr[index[35:]]
```



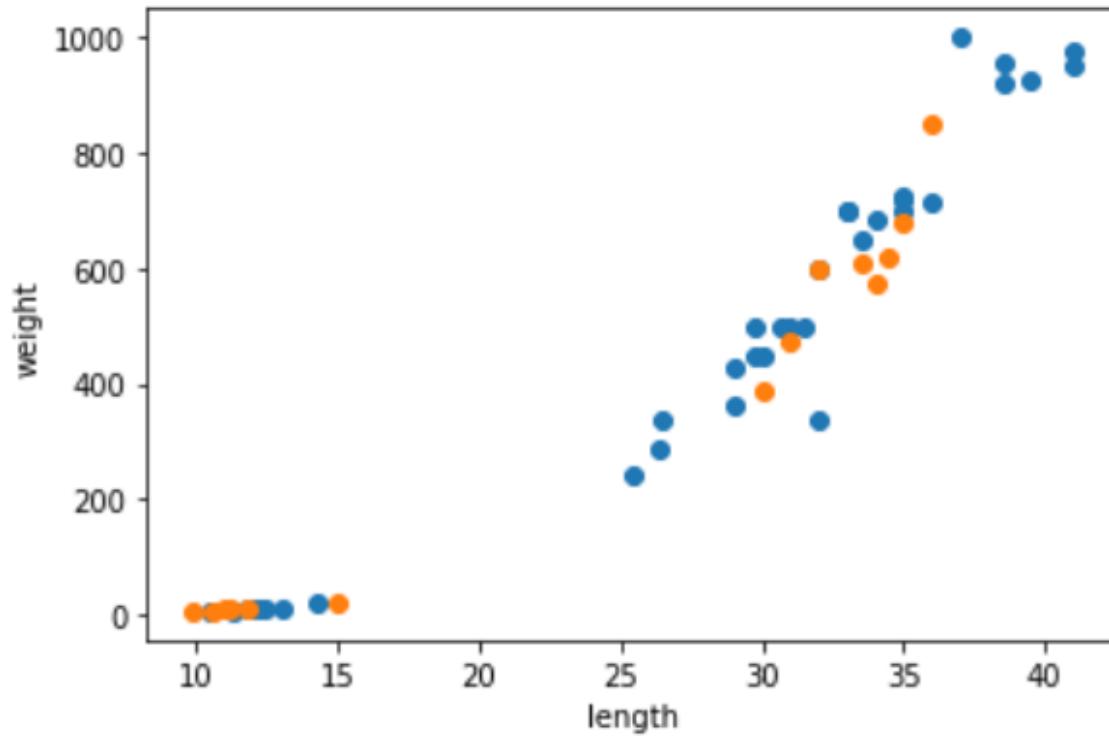
첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 - 샘플링 편향 제거

```
from sklearn.model_selection import train_test_split  
  
train_input, test_input, train_target, test_target = train_test_split(fish_data, fish_target, random_state=42)
```

사이킷런의 `train_test_split()` 메서드
알아서 훈련 세트와 테스트 세트를 분리 시켜줌
(전체에서 25%를 테스트 세트로)



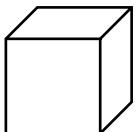
첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 - 샘플링 편향 제거



훈련 세트와 테스트 세트의
구성 비율이 비슷한 것이 좋다.

파란색이 훈련 세트, 주황색이 테스트 세트이다.

훈련 세트와 테스트 세트가 골고루 섞여 있는 것을 볼 수 있다.



첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 - 재훈련 및 평가

```
kn = kn.fit(train_input, train_target)
```

```
kn.score(test_input, test_target)
```

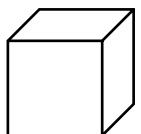
1.0

```
kn.predict(test_input) # 넘파이 배열. 사이킷런 모델의
```

```
array([0, 0, 1, 0, 1, 1, 1, 0, 1, 1, 0, 1, 1, 0])
```

```
test_target
```

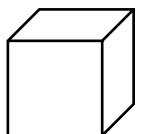
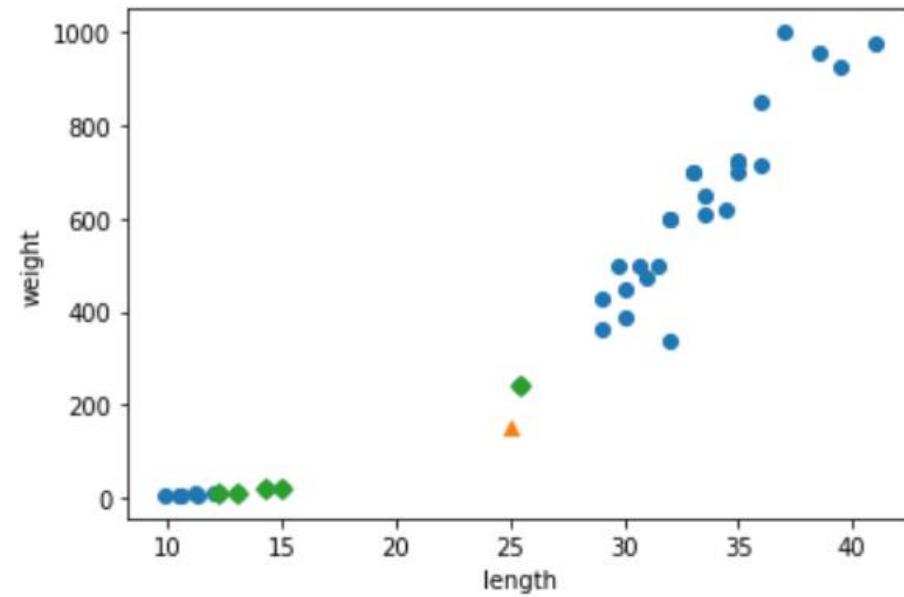
```
array([0, 0, 1, 0, 1, 1, 1, 0, 1, 1, 0, 1, 1, 0])
```



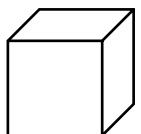
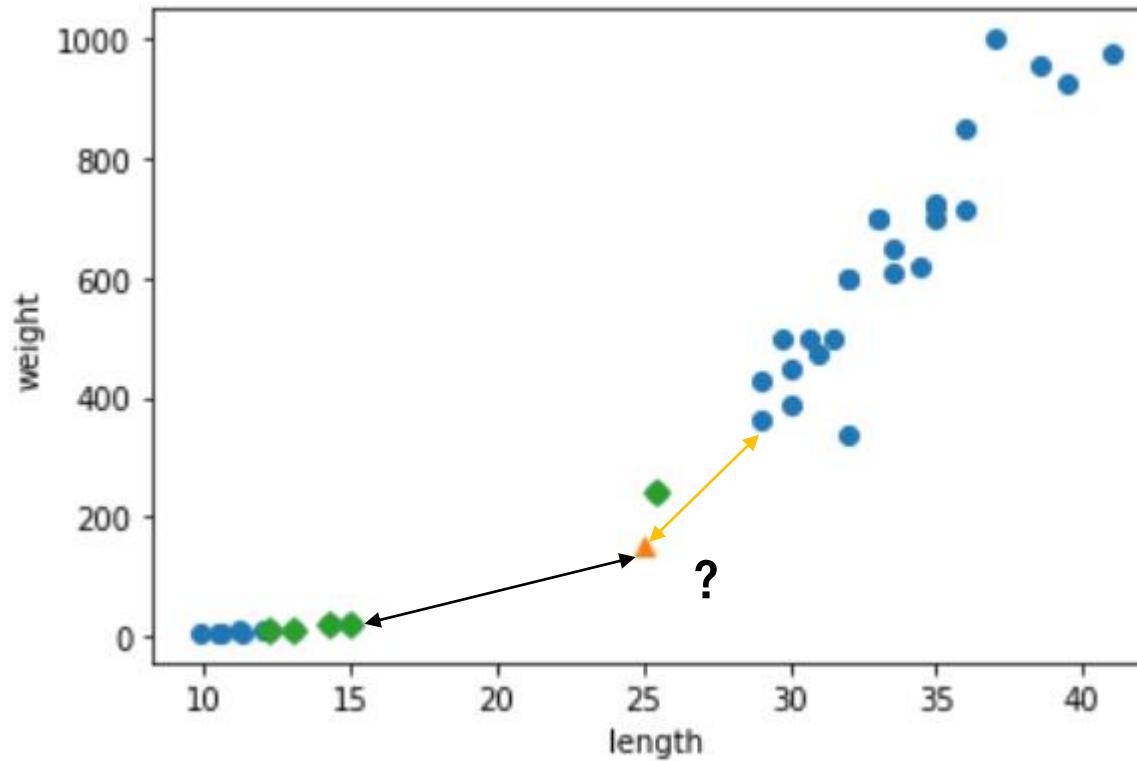
첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 - 모델의 오류

```
✓ 0초
▶ kn.predict([[25, 150]])
array([0])
1: 도미
0: 빙어
```

길이 25cm, 무게 150g의 도미를 빙어라 판단

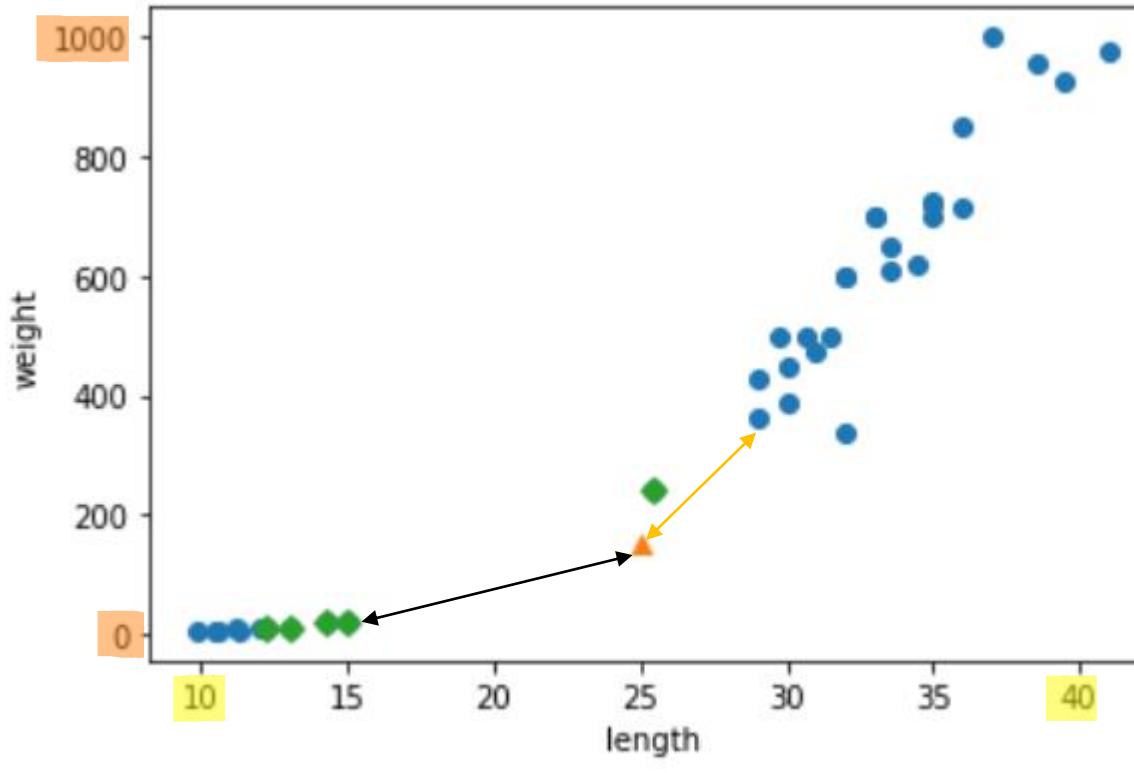


첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 - 오류 원인 분석



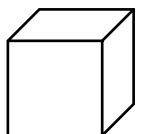
첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 - 오류 원인 분석

weight : 0 ~ 1000



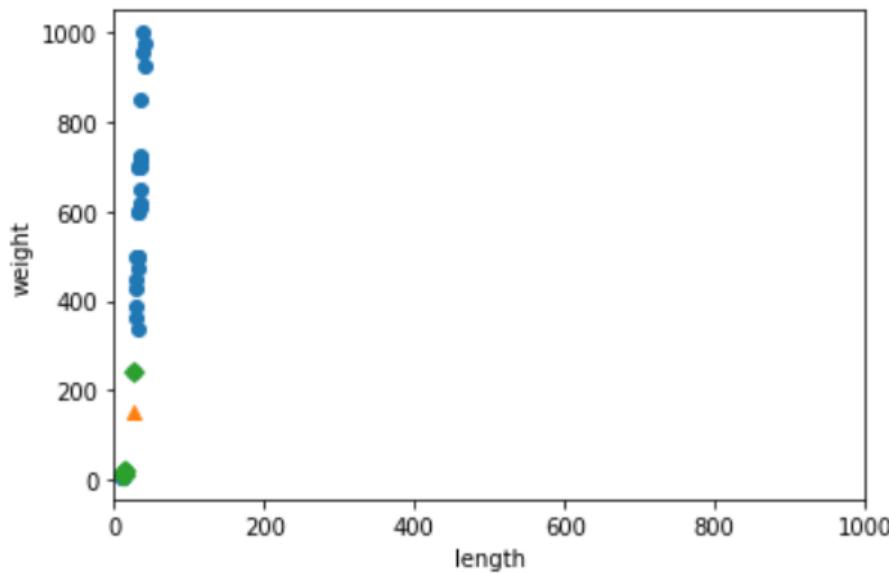
Length : 10 ~ 40

x축과 y축의 범위가 다르다
= 특성의 값의 범위가 다르다
= 스케일이 다르다



첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 - 오류 원인 분석

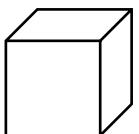
```
: plt.scatter(train_input[:,0], train_input[:,1])
plt.scatter(25, 150, marker='^')
plt.scatter(train_input[indexes,0], train_input[indexes,1], marker='D')
plt.xlim((0,1000)) # 범위를 튜플로 입력
plt.xlabel('length')
plt.ylabel('weight')
plt.show()
```



(특히 거리 기반 알고리즘의 경우)

기준이 다르다면 올바른 예측 불가능

-> 특성을 일정한 기준으로 맞춰야 한다.



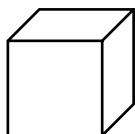
첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 - 데이터 전처리(data preprocessing)

표준점수(standard score), z점수

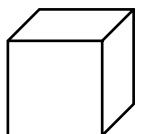
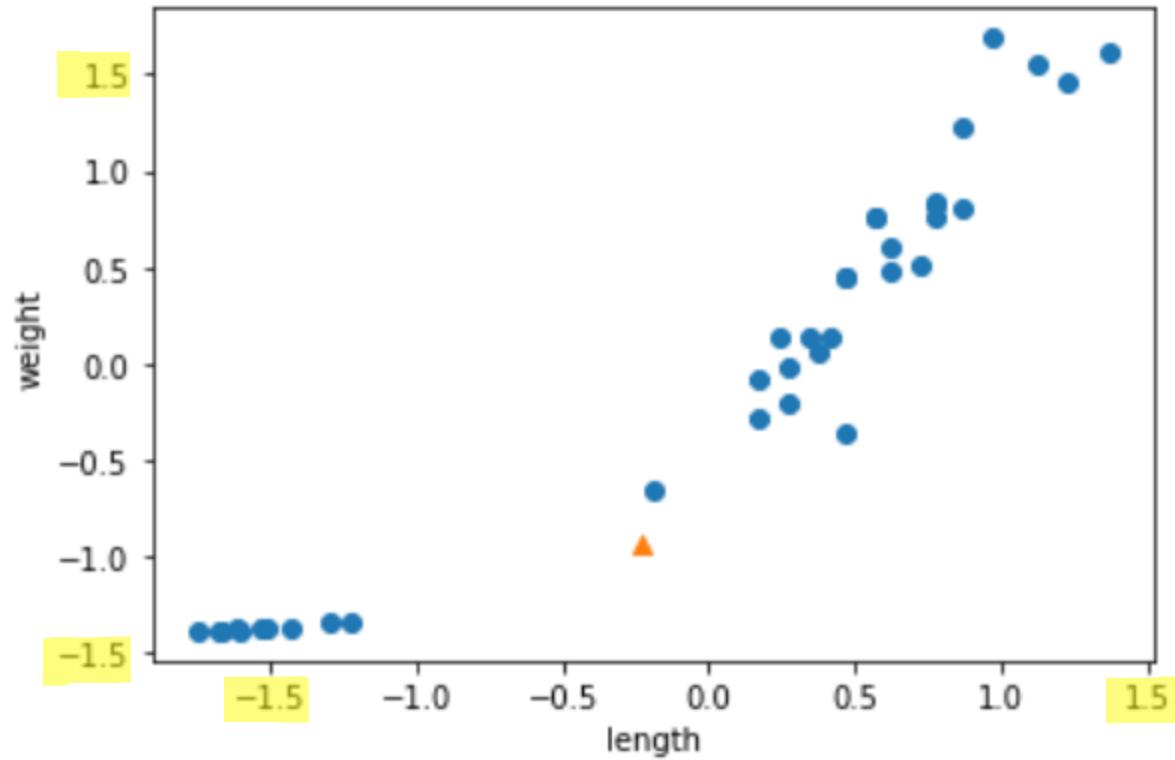
평균으로부터
표준편차의 몇 배만큼 떨어져 있는가?

```
# 표준점수 구하기  
  
train_scaled = (train_input - mean) / std
```

* 표준편차 = 분산의 양의 제곱근
분산(편차의 제곱의 평균)
전체적으로 얼마만큼 분산되어 있는가



첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 - 스케일 변환



첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 - 스케일 변환 후 재훈련

```
# 표준점수 구하기
```

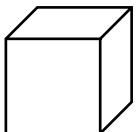
```
train_scaled = (train_input - mean) / std
```

```
kn.fit(train_scaled, train_target)
```

```
test_scaled = (test_input - mean) / std
```

```
kn.score(test_scaled, test_target)
```

1.0



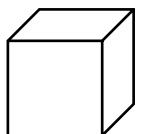
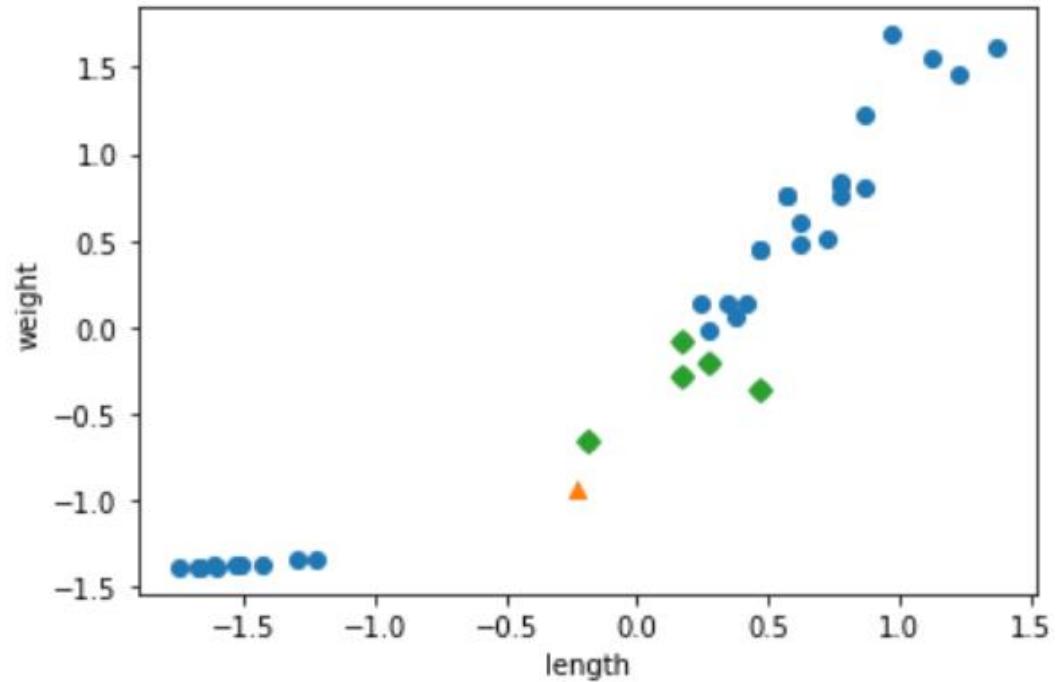
첫 번째 모델 : 빙어와 도미의 이진분류 - 오류 해결

```
new = ([25, 150] - mean) / std
```

```
print(kn.predict(([new])))
```

```
[1.]
```

이제 1(도미)로 잘 예측하는 것을 확인할 수 있다.



두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀)

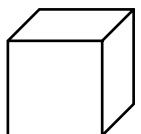
```
import numpy as np

perch_length = np.array([8.4, 13.7, 15.0, 16.2, 17.4, 18.0, 18.7, 19.0, 19.6, 20.0, 21.0,
    21.0, 21.3, 22.0, 22.0, 22.0, 22.0, 22.5, 22.5, 22.7,
    23.0, 23.5, 24.0, 24.0, 24.6, 25.0, 25.6, 26.5, 27.3, 27.5, 27.5,
    27.5, 28.0, 28.7, 30.0, 32.8, 34.5, 35.0, 36.5, 36.0, 37.0, 37.0,
    39.0, 39.0, 39.0, 40.0, 40.0, 40.0, 40.0, 42.0, 43.0, 43.0, 43.5,
    44.0])
```

```
perch_weight = np.array([5.9, 32.0, 40.0, 51.5, 70.0, 100.0, 78.0, 80.0, 85.0, 85.0, 110.0,
    115.0, 125.0, 130.0, 120.0, 120.0, 130.0, 135.0, 110.0, 130.0,
    150.0, 145.0, 150.0, 170.0, 225.0, 145.0, 188.0, 180.0, 197.0,
    218.0, 300.0, 260.0, 265.0, 250.0, 250.0, 300.0, 320.0, 514.0,
    556.0, 840.0, 685.0, 700.0, 700.0, 690.0, 900.0, 650.0, 820.0,
    850.0, 900.0, 1015.0, 820.0, 1100.0, 1000.0, 1100.0, 1000.0,
    1000.0])
```



1200g

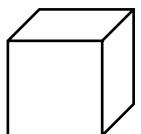


□ 두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 회귀(regression)

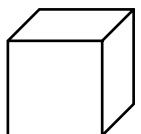
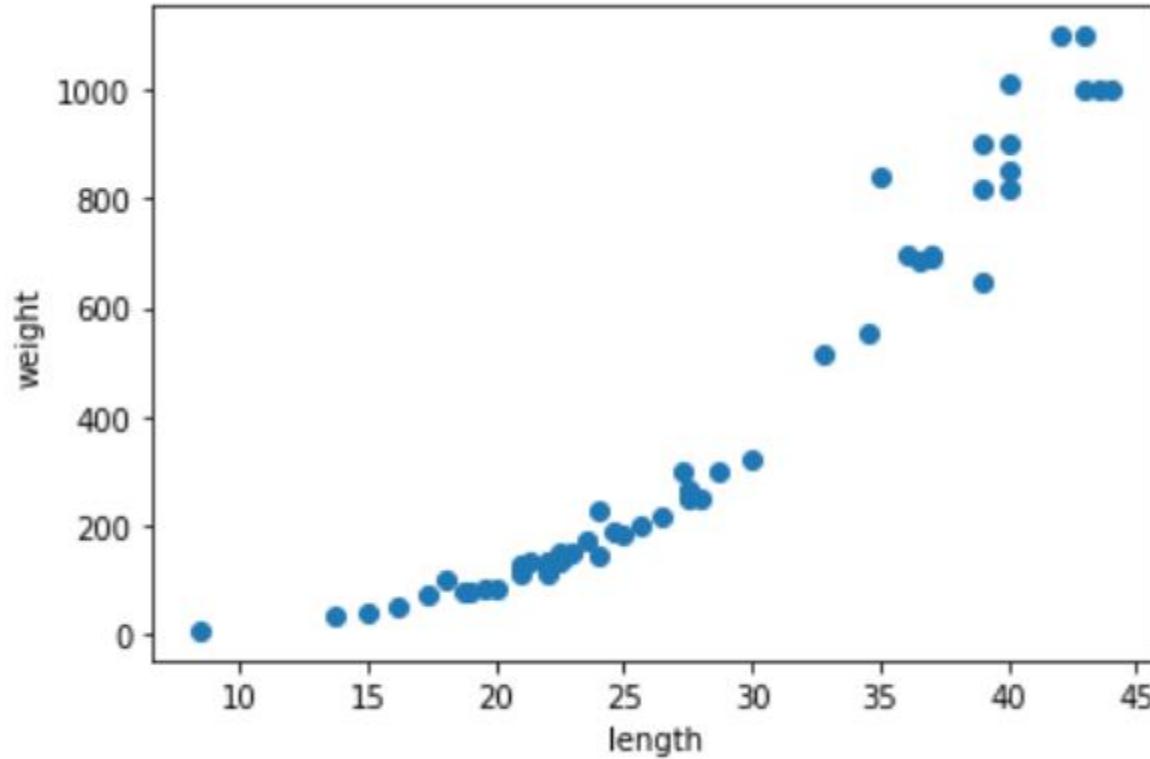
변수 간의 상관관계를 파악-> 변수가 주어졌을 때 특정 값 예측

Ex) 내년도 경제 성장을 예측, 배달 도착 시간 예측

농어의 길이(cm)  농어의 무게(g)

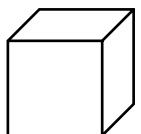
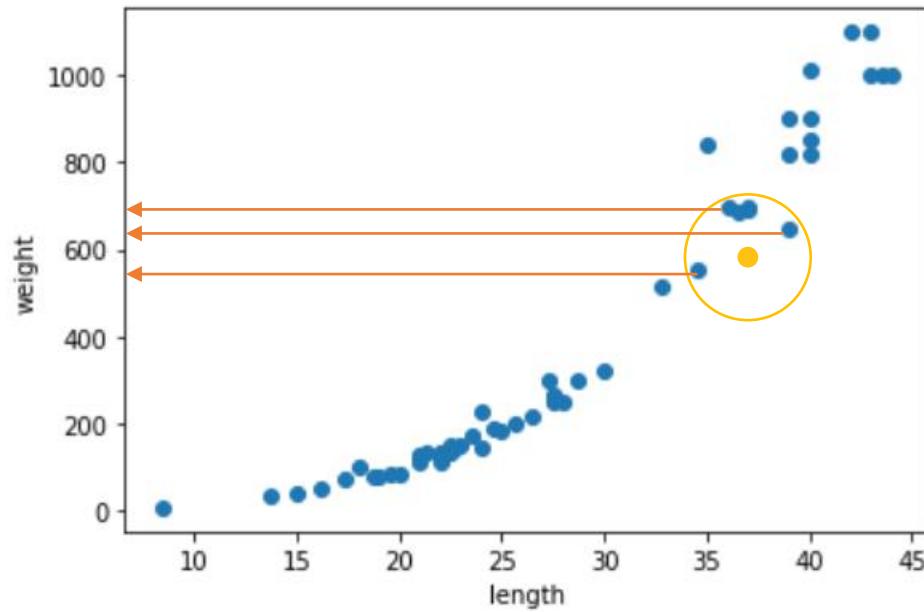


□ 두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) – 데이터 시각화



□ 두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - k 최근접 이웃 회귀

이웃한 샘플의 평균으로 예측값 도출



두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 훈련 및 평가

훈련 세트와 테스트 세트 나누기

```
from sklearn.model_selection import train_test_split  
train_input, test_input, train_target, test_target = train_test_split(perch_length, perch_weight, random_state=42)
```

```
train_input = train_input.reshape(-1, 1) # -1을 전달하면 나머지 원소 개수의 배열들로 모두 채우게 된다.  
test_input = test_input.reshape(-1, 1)  
print(train_input.shape, test_input.shape)
```

(42, 1) (14, 1) 행렬 형태로 변환

```
from sklearn.neighbors import KNeighborsRegressor  
knr = KNeighborsRegressor()
```

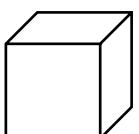
```
knr.fit(train_input, train_target)
```

```
print(knr.score(test_input, test_target))
```

0.992809406101064

분류에서는 정확하게 분류한 비율

회귀에선 정확하게 수치를 맞춘 비율? -> 불가능



두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) – 결정계수(coefficient determination)

결정계수(R^2)

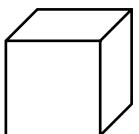
회귀에서 모델을 평가하는 값

$$R^2 = 1 - \frac{\text{타깃 - 예측)}^2 \text{의 합}}{\text{타깃 - 평균)}^2 \text{의 합}}$$

예측이 정답(타깃)에 가까울수록 1에 근접 -> good

예측이 타깃 평균에 가까울 수록 0에 근접 -> bad

예측이 타깃 평균에 가까운 수준 => 성능 안 좋음



두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) – 과대적합 과소적합

```
print(knr.score(train_input, train_target))
```

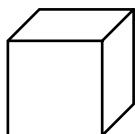
```
0.9698823289099254
```

훈련 세트의 점수가 테스트 세트의 점수에 비해 낮음
-> 과소적합

```
print(knr.score(test_input, test_target))
```

```
0.992809406101064
```

훈련 세트가 전체 데이터를 반영한다고 보기 때문에
훈련 세트의 점수가 조금 더 높거나 비슷한 것이 이상적



두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) – 과대적합 과소적합

과대적합(overfitting)

: 훈련 세트에만 너무 잘 맞는 것.

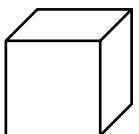
- 모델이 과하게 복잡한 경우
- 필요 이상의 특징 파악

과소적합(underfitting)

: 훈련 세트에 적절히 훈련되지 않는 것.

- 모델이 너무 단순한 경우
- or 훈련 세트 테스트 세트의 크기가 작은 경우

-> 모델을 좀 더 복잡하게 만들기



■ 두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) – 과소적합 해결하기 (k 최근접 이웃 회귀)

K 최근접 이웃 회귀를 더 복잡하게

- ⇒ 더 적은 수의 이웃 샘플 확인(기본값 5 -> 3)
- ⇒ 보다 좁은 범위에서 섬세하게 판단하겠다

```
knr.n_neighbors = 3  
  
knr.fit(train_input, train_target)
```

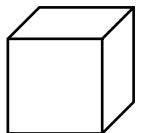


```
print(knr.score(train_input, train_target))
```

0.9804899950518966

```
print(knr.score(test_input, test_target))
```

0.9746459963987609



두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - k 최근접 이웃 회귀의 한계

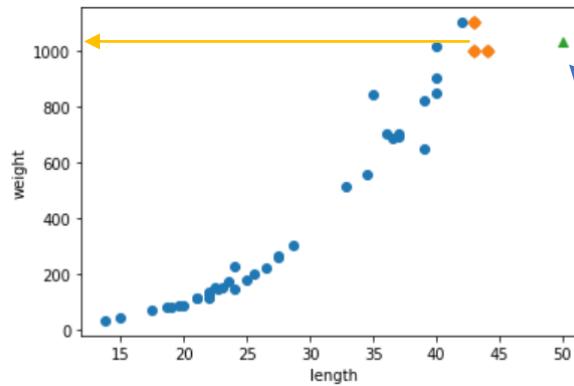
K 최근접 이웃 회귀 – 기존의 데이터 기반 예측 => 사례 기반 학습

길이가 50cm인 농어 예측해보기

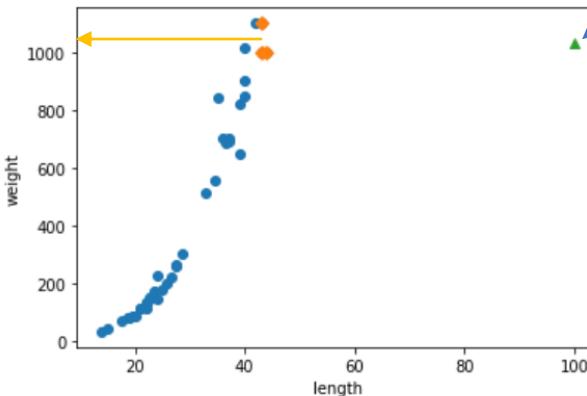
```
knr.predict([[50]])
```

```
array([1033.33333333])
```

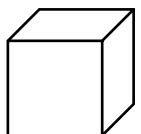
실제로는 길이 50cm 무게 1.5kg



기존 데이터에서 크게 벗어난
이례적인 데이터 예측 불가



How?



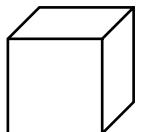
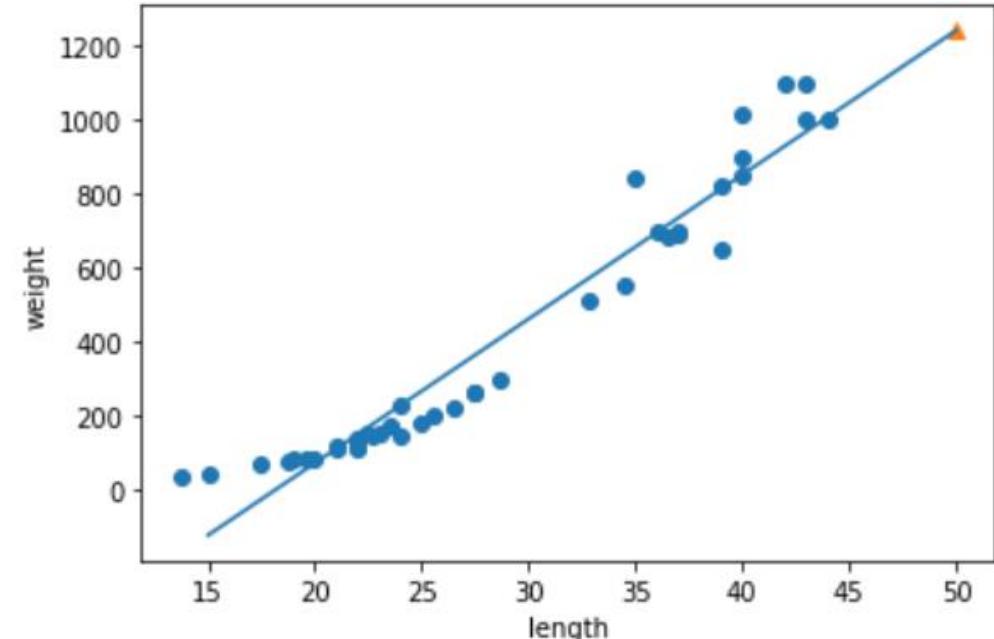
두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 선형 회귀(linear regression)

데이터로 직선의 방정식을 구한다면
어떤 x (length)도 예측 가능

선형 회귀(Linear regression)
종속변수 Y 와 독립변수 X 와의 선형상관관계를 모델링

$$Y = aX + b$$

계수(가중치) Y 절편



두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 선형 회귀(linear regression)

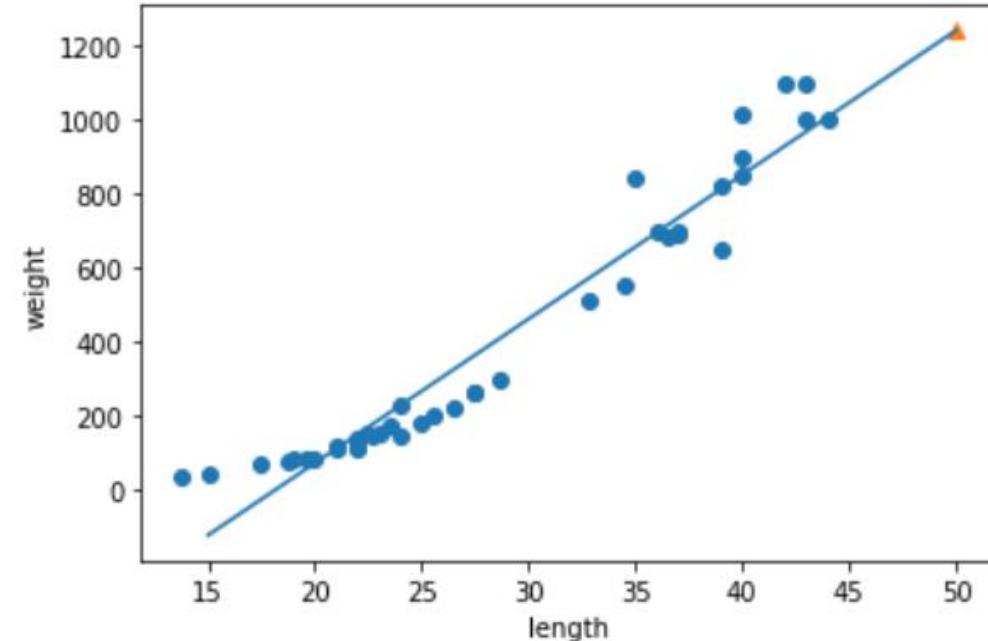
데이터로 직선의 방정식을 구한다면
어떤 x (length)도 예측 가능

선형 회귀(Linear regression)
종속변수 Y 와 독립변수 X 와의 선형상관관계를 모델링

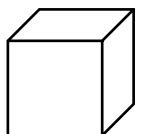
$$Y = aX + b$$

계수(가중치) Y 절편
모델 파라미터

머신러닝 -> 최적의 모델 파라미터를 찾는 것



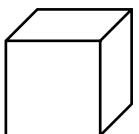
모델 기반 학습



■ 두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 선형 회귀 훈련

```
from sklearn.linear_model import LinearRegression  
lr = LinearRegression()  
  
# 선형 회귀 모델 훈련  
lr.fit(train_input, train_target)  
  
# 50cm 농어에 대해 예측  
print(lr.predict([[50]]))
```

[1241.83860323]



두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 모델 파라미터 확인하기

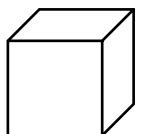
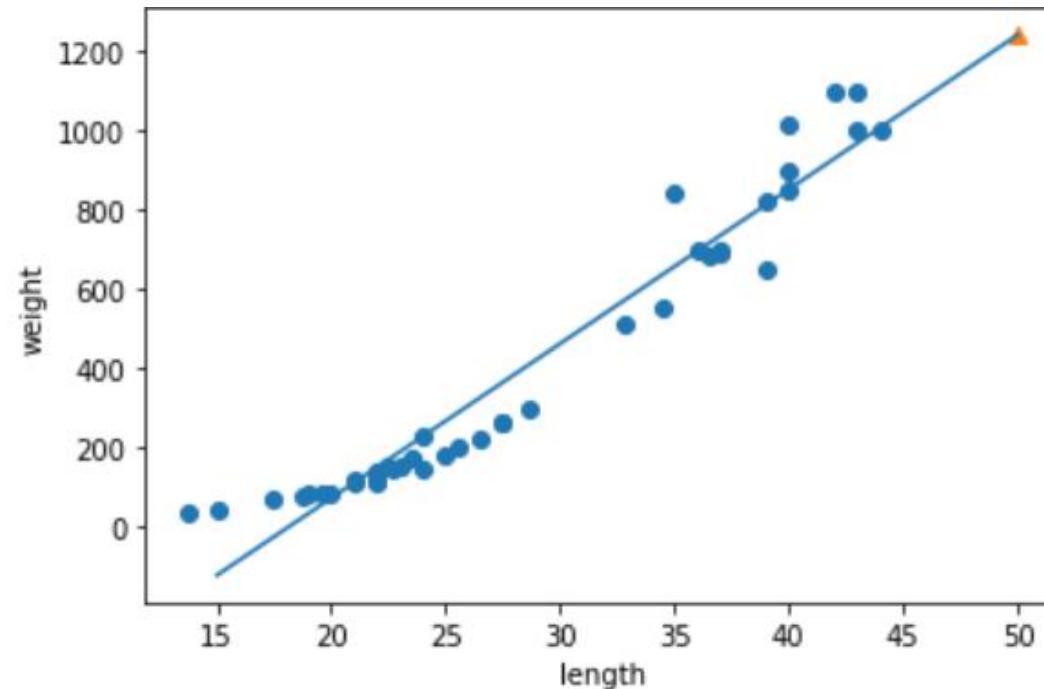
```
print(lr.coef_, lr.intercept_)
```

```
[39.01714496] -709.0186449535477
```

가중치

Y절편

$$Weight = (39.01) * (Length) - 709.01$$



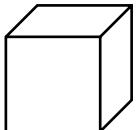
□ 두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 선형 회귀 평가

```
print(lr.score(train_input, train_target))  
print(lr.score(test_input, test_target))
```

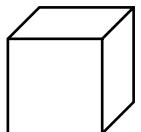
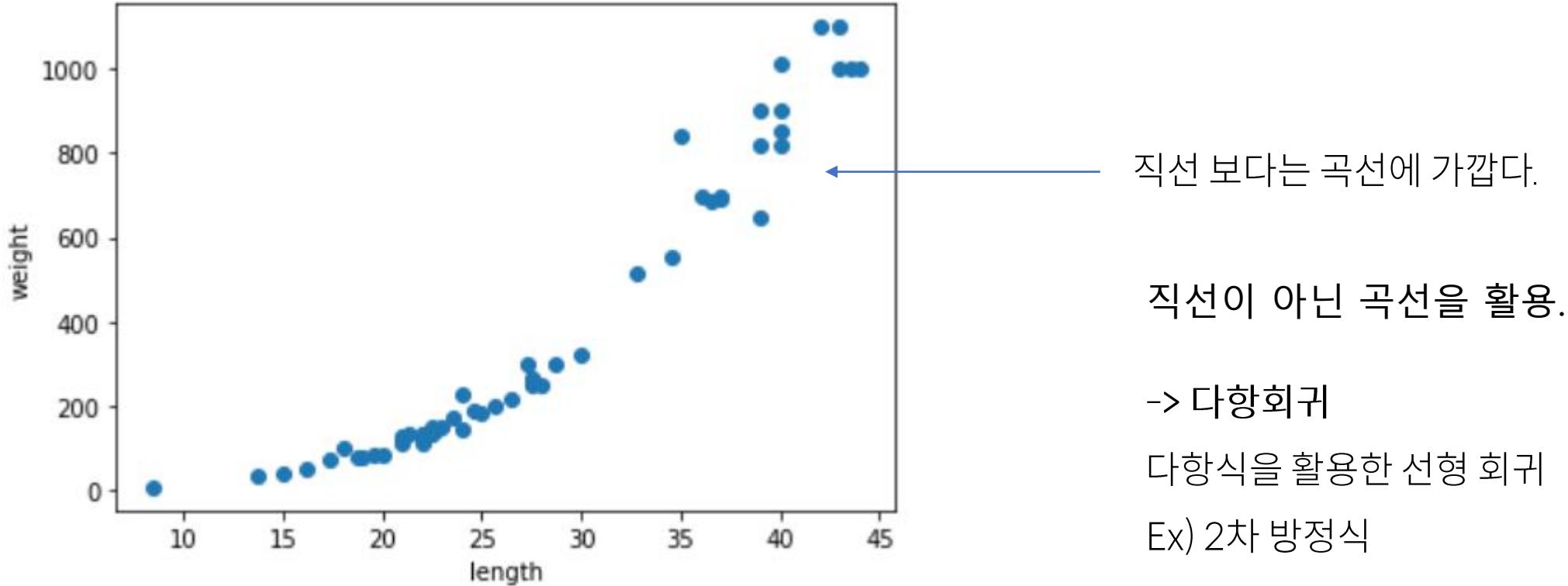
0.939846333997604

0.8247503123313558

-> 과소적합 => 모델이 너무 단순함



□ 두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) – 과소적합 원인



두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 다항 회귀(polynomial regression) 훈련

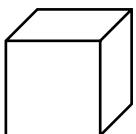
```
train_poly = np.column_stack((train_input ** 2, train_input))  
test_poly = np.column_stack((test_input ** 2, test_input))
```

x^2 데이터에 추가하기

```
lr = LinearRegression()  
lr.fit(train_poly, train_target)  
  
print(lr.predict([[50**2, 50]]))
```

[1573.98423528]

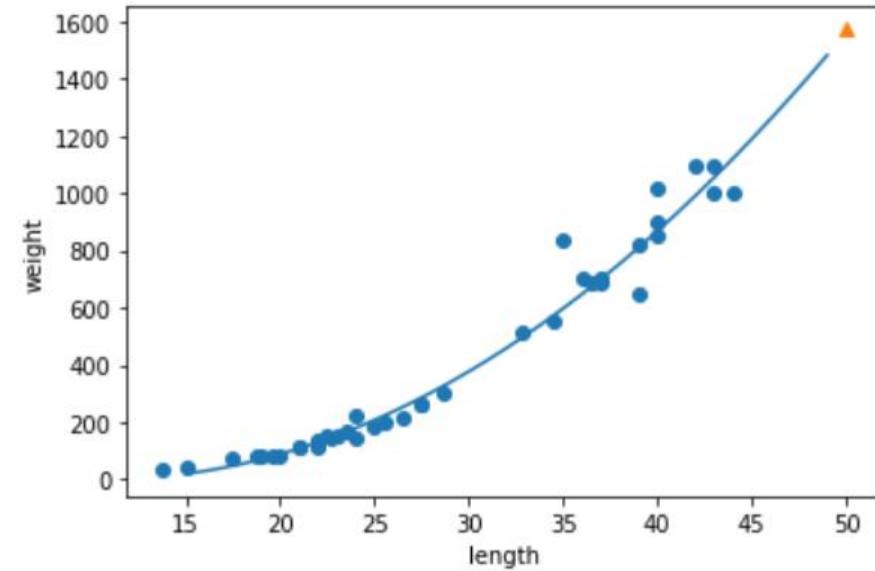
실제 무게 1.5kg와 유사



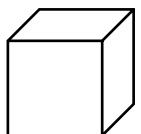
두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 다항 회귀 모델 파라미터 확인

```
print(lr.coef_, lr.intercept_)
```

```
[ 1.01433211 -21.55792498] 116.0502107827827
```



$$(Weight) = (1.014) * (\text{Length})^2 - 21.557 * (\text{Length}) + 116.050$$

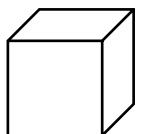


■ 두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 다항 회귀 평가

```
print(lr.score(train_poly, train_target))  
print(lr.score(test_poly, test_target))
```

0.9706807451768623
0.9775935108325122

과소적합 -> 보다 복잡한 모델 필요



두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 다중 회귀(Multiple Regression)

다중회귀(multiple regression)

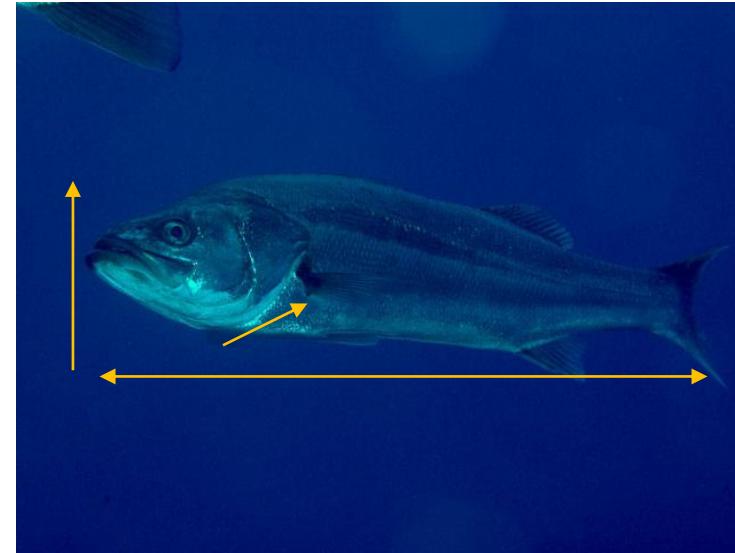
: 여러 개의 특성을 사용한 선형회귀

```
import pandas as pd
df = pd.read_csv('https://bit.ly/perch_csv_data')
perch_full = df.to_numpy() # 넘파이 배열로 변환
print(perch_full)
```

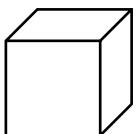
```
[[ 8.4  2.11  1.41]
 [13.7  3.53  2. ]
 [15.   3.82  2.43]
 [16.2  4.59  2.63]
 [17.4  4.59  2.94]
 [18.   5.22  3.32]
 [18.7  5.2   3.12]
 ...  ...  ...]
```

길이 높이 너비

```
import numpy as np
perch_weight = np.array([5.9, 32.0, 40.0, 51.5, 70.0, 100.0, 78.0, 80.0, 85.0, 85.0, 110.0,
 115.0, 125.0, 130.0, 120.0, 120.0, 130.0, 135.0, 110.0, 130.0,
 150.0, 145.0, 150.0, 170.0, 225.0, 145.0, 188.0, 180.0, 197.0,
 218.0, 300.0, 260.0, 265.0, 250.0, 250.0, 300.0, 320.0, 514.0,
 556.0, 840.0, 685.0, 700.0, 700.0, 690.0, 900.0, 650.0, 820.0,
 850.0, 900.0, 1015.0, 820.0, 1100.0, 1000.0, 1100.0, 1000.0,
 1000.0])
```



1200g



두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 특성 공학(feature engineering)

특성공학

: 기존의 특성으로 새로운 특성을 만들어내는 것.

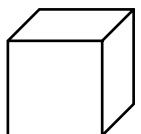
길이, 높이, 너비, 길이×높이, 길이×너비, 길이×너비, ...

```
from sklearn.preprocessing import PolynomialFeatures
```

```
poly = PolynomialFeatures(include_bias=False)
poly.fit(train_input)
train_poly = poly.transform(train_input)
print(train_poly.shape)
```

(42, 9)

3개의 특성을 9개로 만듦.



■ 두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 다중 회귀 훈련 및 평가

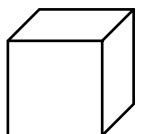
```
from sklearn.linear_model import LinearRegression  
lr = LinearRegression()  
lr.fit(train_poly, train_target)  
print(lr.score(train_poly, train_target))
```

0.9903183436982124

```
print(lr.score(test_poly, test_target))
```

0.9714559911594134

⇒ 과소 적합 해결



두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 특성의 수가 많을수록 좋은가?

```
poly = PolynomialFeatures(degree=5, include_bias=False) #degree로 최대 차수를 지정.  
poly.fit(train_input)  
train_poly = poly.transform(train_input)  
test_poly = poly.transform(test_input)  
print(train_poly.shape)
```

(42, 55)

특성을 55개까지 늘림

```
lr.fit(train_poly, train_target)  
print(lr.score(train_poly, train_target))
```

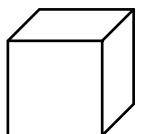
0.999999999991097

```
print(lr.score(test_poly, test_target))
```

-144.40579242684848

과대적합

-> 필요이상으로 모델이 복잡함

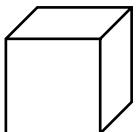


□ 두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) – 규제(regularization)

규제(regularization)

: 과도하게 학습하지 못하도록 훠방하는 것 How? -> 가중치의 크기를 작게

- 릿지(ridge) 회귀
- 라쏘(lasso) 회귀 (계수를 아예 0으로 만들 수도 있음)



두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 릿지 회귀

계수를 제곱한 값을 기준으로 규제 적용

```
from sklearn.preprocessing import StandardScaler  
ss = StandardScaler()  
ss.fit(train_poly) # 훈련 세트로 학습한 변환기  
train_scaled = ss.transform(train_poly)  
test_scaled = ss.transform(test_poly) # 테스트 세트는 꼭 훈련 세트로 학습한 변환기를 사용해 변환해야 한다.
```

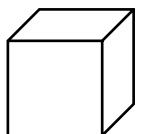
특성 스케일 정규화

```
from sklearn.linear_model import Ridge  
ridge = Ridge()  
ridge.fit(train_scaled, train_target)  
print(ridge.score(train_scaled, train_target))
```

0.9896101671037343

```
print(ridge.score(test_scaled, test_target))
```

0.9790693977615397



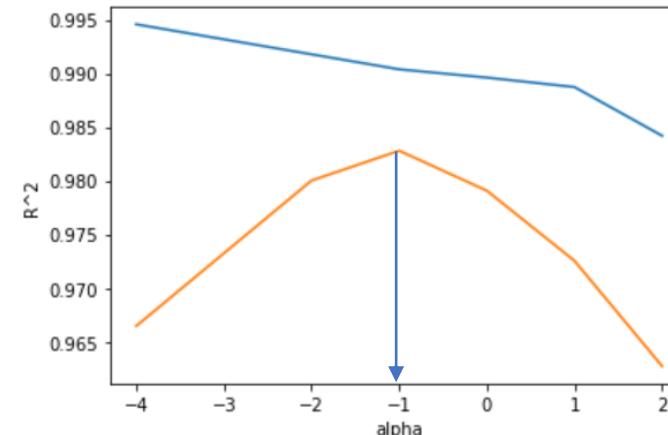
두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 규제의 강도 조절 (alpha값 조절)

Alpha 값이 클수록 규제의 강도 세짐. (하이퍼 파라미터)

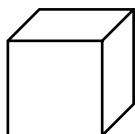
적절한 Alpha값? → 훈련 세트 점수와 테스트 세트 점수가 가장 가까운 지점 (가장 적은 과리율)

```
alpha_list = [0.0001, 0.01, 0.1, 1, 10, 100]
for alpha in alpha_list:
    ridge = Ridge(alpha=alpha)
    ridge.fit(train_scaled, train_target)
    train_score.append(ridge.score(train_scaled, train_target))
    test_score.append(ridge.score(test_scaled, test_target))
```

```
plt.plot(np.log10(alpha_list), train_score)
plt.plot(np.log10(alpha_list), test_score)
plt.xlabel('alpha')
plt.ylabel('R^2')
plt.show()
```



최적 alpha
= 0.1

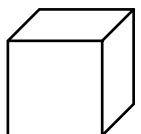


□ 두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) – 릿지 회귀 with 최적 alpha

```
ridge =Ridge(alpha=0.1)
ridge.fit(train_scaled, train_target)
print(ridge.score(train_scaled, train_target))
print(ridge.score(test_scaled, test_target))
```

0.9903815817570366

0.9827976465386926



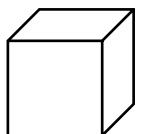
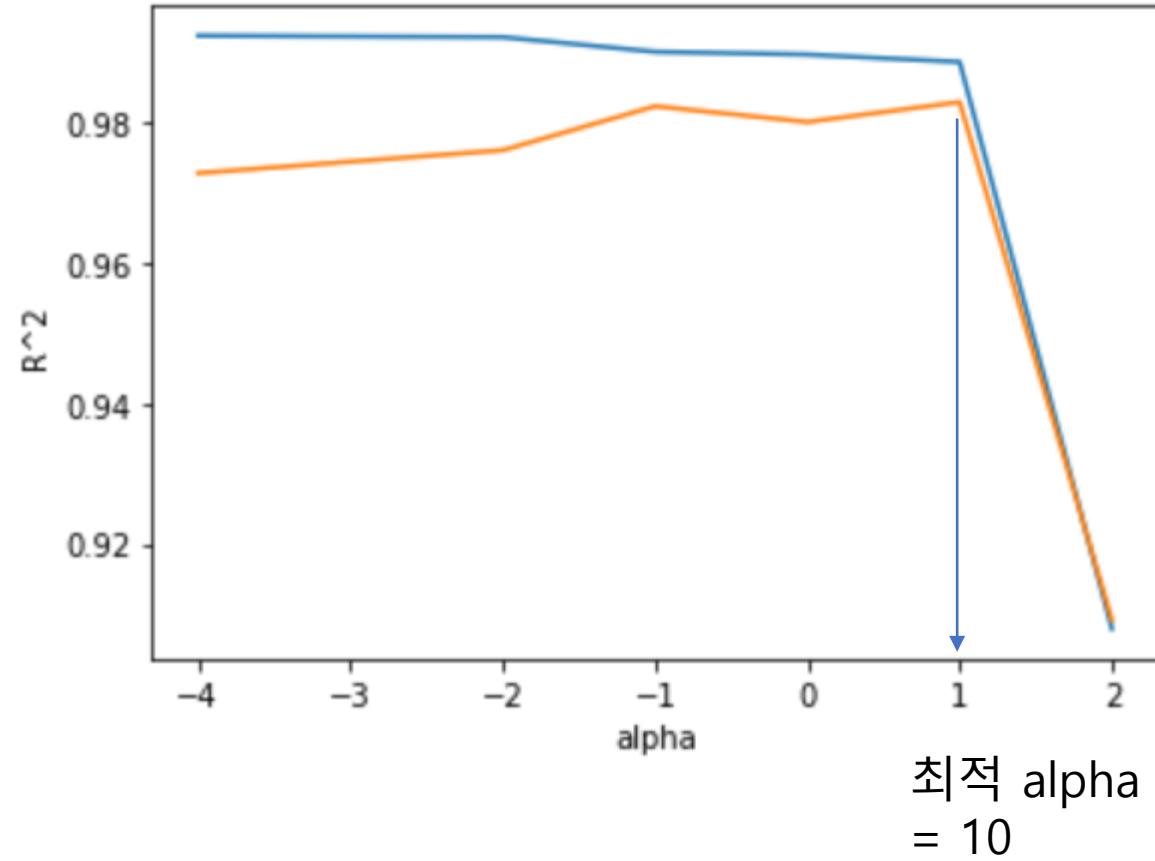
두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 라쏘 회귀

```
from sklearn.linear_model import Lasso  
lasso = Lasso()  
lasso.fit(train_scaled, train_target)  
print(lasso.score(train_scaled, train_target))
```

0.989789897208096

```
print(lasso.score(test_scaled, test_target))
```

0.9800593698421883



두 번째 모델 : 농어의 무게 예측(회귀) - 라쏘 회귀 with 최적 alpha

```
lasso = Lasso(alpha=10)
lasso.fit(train_scaled, train_target)
print(lasso.score(train_scaled, train_target))
print(lasso.score(test_scaled, test_target))
```

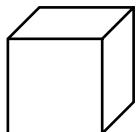
0.9888067471131867
0.9824470598706695

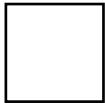
```
print(np.sum(lasso.coef_ == 0))
```

40

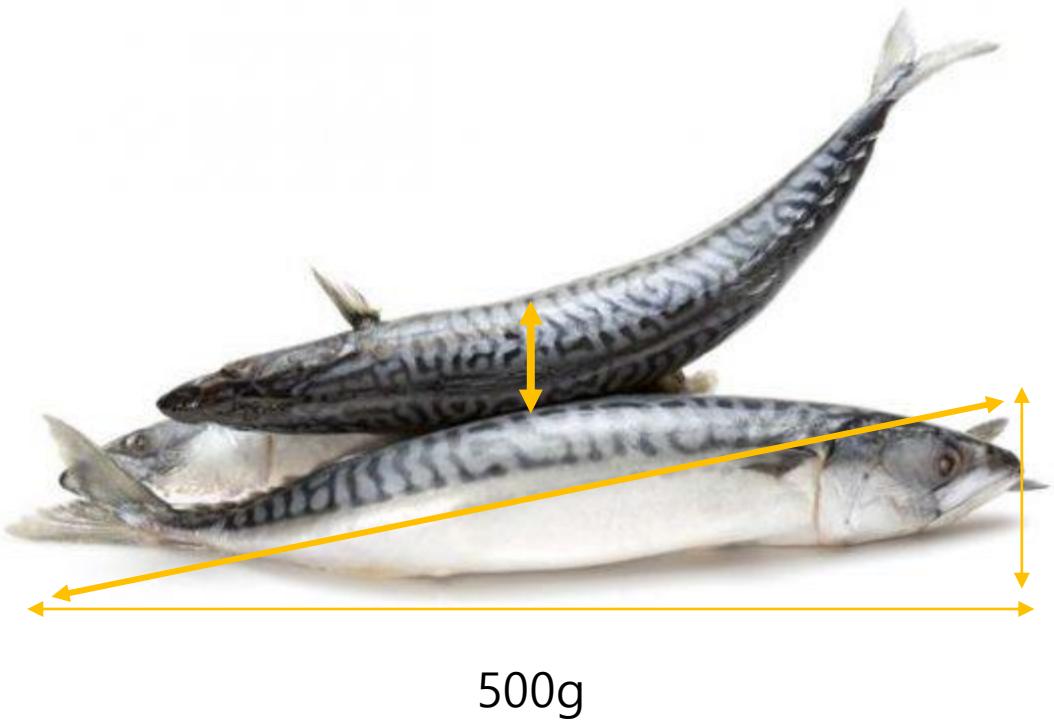
55개의 특성 중 15개만 사용

-> 유용한(의미 있는) 특성을 골라내는데 사용 가능

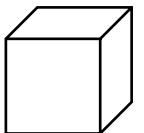




세 번째 모델 : 생선 종 예측(로지스틱 회귀)



; Weight Length Diagonal Height Width



['Bream' 'Roach' 'Whitefish' 'Parkki' 'Perch' 'Pike' 'Smelt']

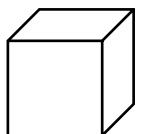


세 번째 모델 : 생선 종 예측(로지스틱 회귀) – 로지스틱 회귀(Logistic Regression)

이름은 회귀이지만 다중 클래스 분류 모델. 선형 방정식을 구해 z 값 산출.

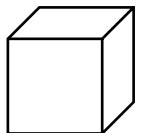
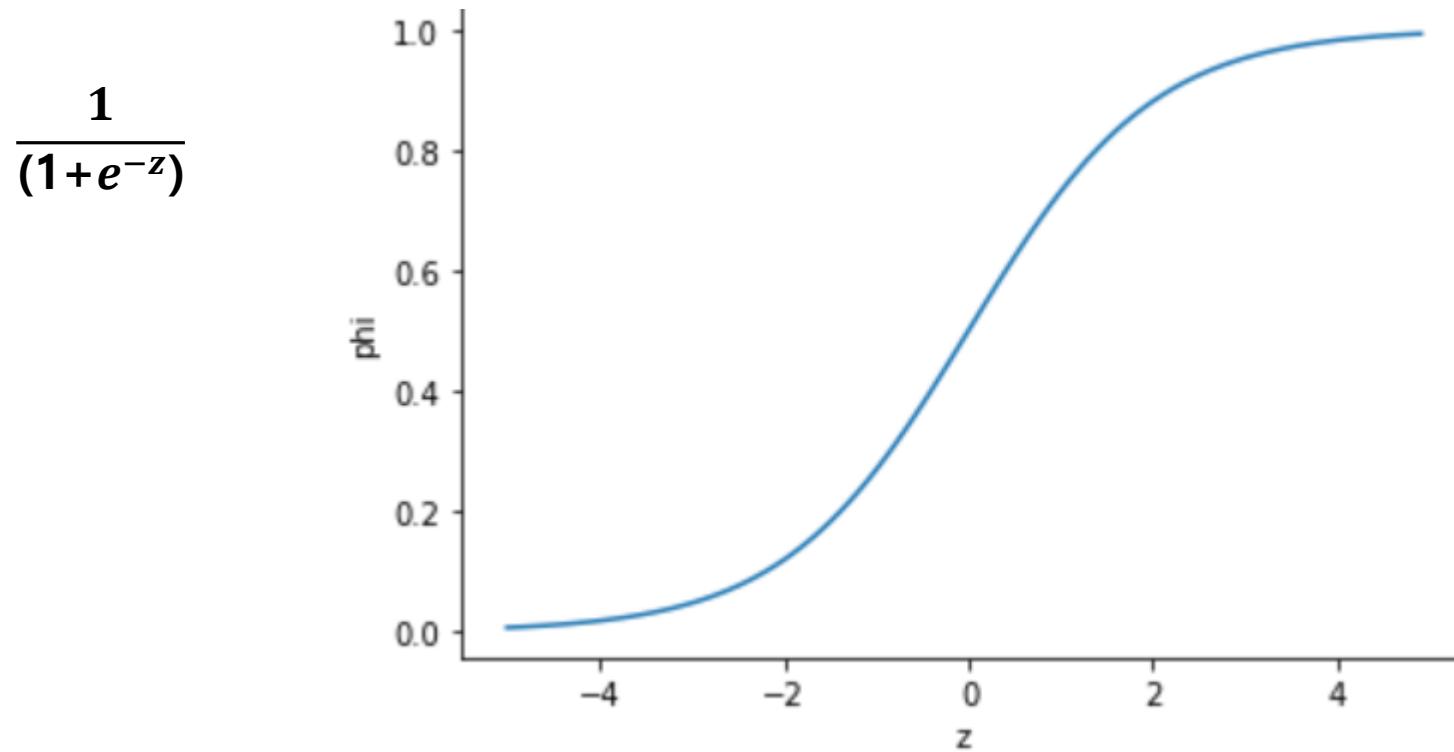
$$z = a(\text{Weight}) + b(\text{Length}) + c(\text{Diagonal}) + d(\text{Height}) + e(\text{Width}) + f$$

Z는 실수, 어떻게 확률로 변환?



세 번째 모델 : 생선 종 예측(로지스틱 회귀) – 시그모이드 함수(sigmoid function)

실수를 0과 1 사이의 값으로 변환 -> 확률



세 번째 모델 : 생선 종 예측(로지스틱 회귀) - 이진 분류

```
# 로지스틱 회귀 모델 훈련해보기
```

```
from sklearn.linear_model import LogisticRegression  
lr = LogisticRegression()  
lr.fit(train_bream_smelt, target_bream_smelt)
```

```
# 처음 5개 샘플 예측해보기
```

```
print(lr.predict(train_bream_smelt[:5]))
```

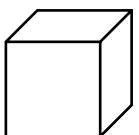
```
['Bream' 'Smelt' 'Bream' 'Bream' 'Bream']
```

```
# 판단 확률보기
```

```
print(lr.predict_proba(train_bream_smelt[:5]))
```

```
[0.99759855 0.00240145]  
[0.02735183 0.97264817]  
[0.99486072 0.00513928]  
[0.98584202 0.01415798]  
[0.99767269 0.00232731]]
```

도미 빙어



세 번째 모델 : 생선 종 예측(로지스틱 회귀) - 이진 분류 선형방정식 구해보기

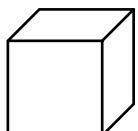
```
# 로지스틱 회귀가 학습한 계수(가중치) 확인해 보기
```

```
print(lr.coef_, lr.intercept_)
```

```
[[ -0.4037798 -0.57620209 -0.66280298 -1.01290277 -0.73168947]] [-2.16155132]
```

즉, 다음의 방정식을 구한 것이다.

$z = -0.404 \times (\text{weight}) -0.576 \times (\text{Length}) -0.663 \times (\text{Diagonal}) -1.013 \times (\text{Height}) -0.732 \times (\text{Width}) -2.161$



세 번째 모델 : 생선 종 예측(로지스틱 회귀) - z 값 시그모이드 함수 적용

```
# z값 실제로 구해보기
```

```
decisions = lr.decision_function(train_bream_smelt[:5])  
print(decisions)
```

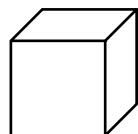
```
[-6.02927744  3.57123907 -5.26568906 -4.24321775 -6.0607117 ]
```

```
# 시그모이드 함수 적용해 실제 확률값 구하기
```

```
from scipy.special import expit  
print(expit(decisions))
```

```
[[0.99759855 0.00240145]  
 [0.02735183 0.97264817]  
 [0.99486072 0.00513928]  
 [0.98584202 0.01415798]  
 [0.99767269 0.00232731]]
```

```
[0.00240145 0.97264817 0.00513928 0.01415798 0.00232731]
```



세 번째 모델 : 생선 종 예측(로지스틱 회귀) - 다중 분류

```
# 로지스틱 회귀 다중 분류 모델 훈련하기  
  
lr = LogisticRegression(C=20, max_iter=1000)  
lr.fit(train_scaled, train_target)  
print(lr.score(train_scaled, train_target))  
print(lr.score(test_scaled, test_target))
```

0.9327731092436975
0.925

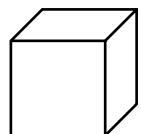
```
# 처음 5개 샘플 예측 보기  
  
print(lr.predict(test_scaled[:5]))
```

['Perch' 'Smelt' 'Pike' 'Roach' 'Perch']

```
# 예측 확률보기  
  
proba = lr.predict_proba(test_scaled[:5])  
print(np.round(proba, decimals=3)) # 소수점 네 번째 자리에서 반올림
```

```
[[0.      0.014 0.841 0.      0.136 0.007 0.003]  
 [0.      0.003 0.044 0.      0.007 0.946 0.      ]  
 [0.      0.      0.034 0.935 0.015 0.016 0.      ]  
 [0.011 0.034 0.306 0.007 0.567 0.      0.076]  
 [0.      0.      0.904 0.002 0.089 0.002 0.001]]
```

['Bream' 'Parkki' 'Perch' 'Pike' 'Roach' 'Smelt' 'Whitefish']



세 번째 모델 : 생선 종 예측(로지스틱 회귀) - 다중 분류 모델 파라미터 확인

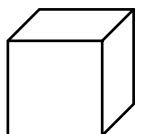
```
print(lr.coef_.shape, lr.intercept_.shape)
```

```
(7, 5) (7,)
```

5개의 계수가 총 7세트 -> **클래스 수 만큼** 선형방정식 존재

= **클래스 별로 z값 산출**

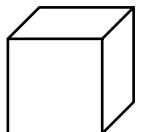
어떻게 확률로?



세 번째 모델 : 생선 종 예측(로지스틱 회귀) - 소프트 맥스(softmax)

$$e_sum = e^{z1} + e^{z2} + e^{z3} + e^{z4} + e^{z5} + e^{z6} + e^{z7}$$

$$s1 = \frac{e^{z1}}{e_sum}, s2 = \frac{e^{z2}}{e_sum}, \dots, s7 = \frac{e^{z7}}{e_sum} \quad \text{모두 더하면 } 1$$



세 번째 모델 : 생선 종 예측(로지스틱 회귀) - 소프트 맥스(softmax)

```
# 처음 5개 샘플의 z1~z7 구하기
```

```
decision = lr.decision_function(test_scaled[:5])
print(np.round(decision, decimals=2))
```

```
[[ -6.5   1.03   5.16  -2.73   3.34   0.33  -0.63]
 [-10.86  1.93   4.77  -2.4     2.98   7.84  -4.26]
 [ -4.34  -6.23   3.17   6.49   2.36   2.42  -3.87]
 [ -0.68   0.45   2.65  -1.19   3.26  -5.75   1.26]
 [ -6.4    -1.99   5.82  -0.11   3.5    -0.11  -0.71]]
```

```
# 소프트 맥스로 확률 구하기
```

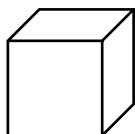
```
from scipy.special import softmax
proba = softmax(decision, axis=1) # 각 행, 즉 각 샘플에 대
print(np.round(proba, decimals=3))
```

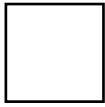
```
[[0.      0.014  0.841  0.      0.136  0.007  0.003]
 [0.      0.003  0.044  0.      0.007  0.946  0.      ]
 [0.      0.      0.034  0.935  0.015  0.016  0.      ]
 [0.011  0.034  0.306  0.007  0.567  0.      0.076]
 [0.      0.      0.904  0.002  0.089  0.002  0.001]]
```

```
# 예측 확률보기
```

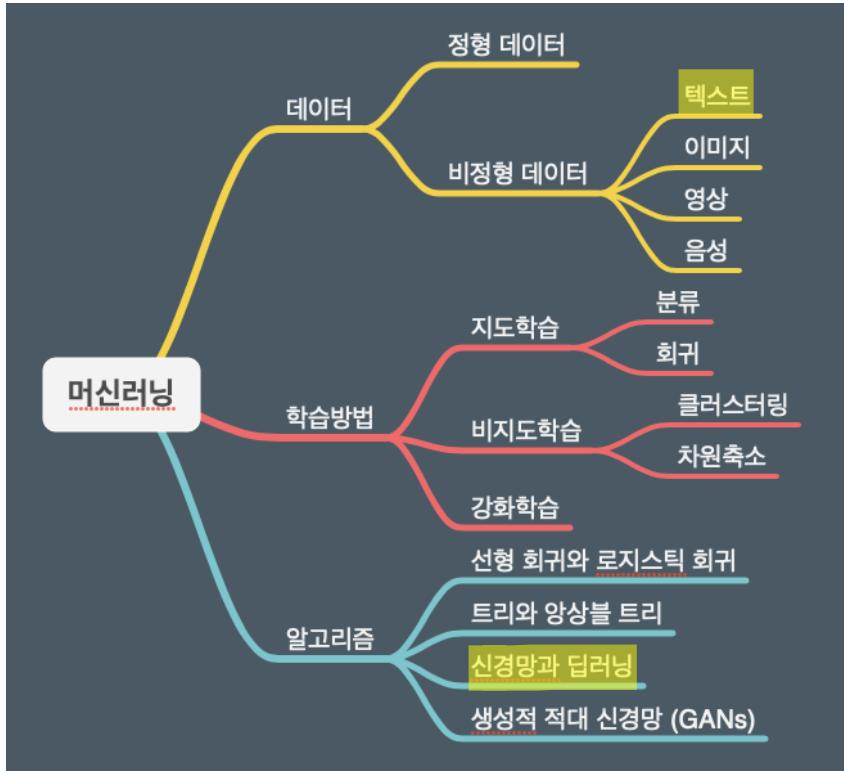
```
proba = lr.predict_proba(test_scaled[:5])
print(np.round(proba, decimals=3)) # 소수점 네 번째 자리에서 반올림
```

```
[[0.      0.014  0.841  0.      0.136  0.007  0.003]
 [0.      0.003  0.044  0.      0.007  0.946  0.      ]
 [0.      0.      0.034  0.935  0.015  0.016  0.      ]
 [0.011  0.034  0.306  0.007  0.567  0.      0.076]
 [0.      0.      0.904  0.002  0.089  0.002  0.001]]
```





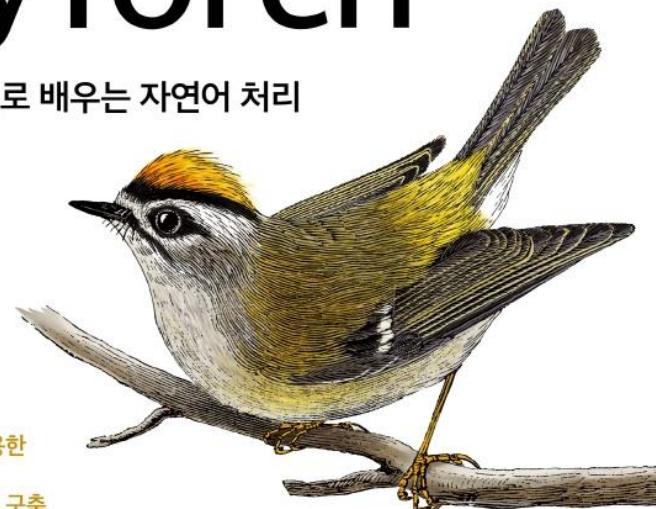
What's Next?



O'REILLY®

Natural Language Processing with PyTorch

파이토치로 배우는 자연어 처리



딥러닝을 이용한
자연어 처리
애플리케이션 구축

한빛미디어

델립 라오, 브라이언 맥머핸 지음
박해선 옮김

