



Le cruncher et le package JDCruncher

ANNA SMYK ET TANGUY BARTHÉLÉMY
Division Recueil et Traitement de l'Information
Département des Méthodes Statistiques

Le cruncher (1/2)

Le Cruncher est un module executable additionnel, pas un package R. Il peut être lancé via R, SAS...

Objectif : mise à jour d'un workspace and export des résultats (series et diagnostics), sans avoir à ouvrir l'interface graphique.

Très utile dans un processus de production

Quelques liens

- pour télécharger le cruncher
<https://github.com/jdemetra/jwsacruncher/releases>
Le cruncher est déjà installé sous AUS.
- l'aide associée au cruncher
<https://github.com/jdemetra/jwsacruncher/wiki>

The cruncher (2/2)

Pour mettre à jour un workspace il faut :

- le cruncher
- un fichier de paramètres (cf utilisateurs SAS)
- un workspace valide (chemin vers les données)

L'utilisation d'un package R évite de faire un fichier de paramètres. Deux possibilités :

- rjwsacruncher sur le CRAN, mise à jour et export
- JDCruncherR : idem mais ajoute un bilan qualité (pas encore sur le CRAN car en français à l'origine)

Sommaire

1. Lancement du cruncher avec R

2. Le bilan qualité avec JDCruncher

Installation de JDCruncher

Le package est ici <https://github.com/InseeFr/JDCruncher>.

Télécharger le fichier **.zip** or **.tar.gz** à partir de
<https://github.com/InseeFr/JDCruncher/releases>.

Certaines fonctions nécessitent les packages XLConnect et XML :

```
install.packages(c("XLConnect", "XML"))
```

Utilisation de JDCruncher (1/3)

Pour charger le package :

```
library(JDCruncher)
```

Utilisation de JDCruncher (2/3)

Trois options à paramétrer :

- default_matrix_item (diagnostics à exporter)
- default_tsmatrix_series (séries temporelles à exporter)
- cruncher_bin_directory (chemin vers le cruncher).

Pour afficher les valeurs :

```
getOption("default_matrix_item")
getOption("default_tsmatrix_series")
getOption("cruncher_bin_directory")
```

Utiliser la fonction options() pour les modifier. Par exemple :

```
options(default_matrix_item =
          c("likelihood.aic", "likelihood.aicc",
            "likelihood.bic", "likelihood.bicc"))
options(default_tsmatrix_series = c("sa", "sa_f"))
options(cruncher_bin_directory =
          "Y:/Logiciels/jwsacruncher-2.2.3/jdemetra-cli-2.2.3/bin")
```

Utilisation de JDCruncher (3/3)

Une fois les trois options précédentes validées le plus simple est d'utiliser la fonction `cruncher_and_param()` :

```
cruncher_and_param() # lancement avec paramètres par défaut
```

```
cruncher_and_param(workspace = "D:/Campagne_CVS/ipi.xml",  
# Pour ne pas renommer les noms des dossiers exportés :  
  rename_multi_documents = FALSE,  
  policy = "lastoutliers")
```

Pour voir l'aide associée à une fonction, utiliser `help()` ou `? :`

```
?cruncher_and_param  
help(cruncher_and_param)
```


Sommaire

1. Lancement du cruncher avec R

2. Le bilan qualité avec JDCruncher

Bilan qualité avec JDCruncher (1/4)

Le package JDCruncher permet également de calculer un bilan qualité à partir des diagnostics exportés depuis JDemetra+ ou via le cruncher (fichier demetra_m.csv). Les trois principales fonctions sont :

- `extract_QR` qui permet d'extraire le bilan qualité à partir du fichier csv contenant l'ensemble des diagnostics de JDemetra+ ;
- `compute_score` pour calculer un score dans le bilan qualité ;
- `export_xlsx` permet d'exporter le bilan qualité.

Bilan qualité avec JDCruncher (2/4) : Exemple

```
# Sélectionner le fichier demetra_m.csv
# exporté à partir du cruncher
QR <- extract_QR()
QR

?compute_score #Pour comprendre comment le score est calculé
QR <- compute_score(QR, n_contrib_score = 3)

QR

QR <- sort(QR, decreasing = TRUE, sort_variables = "score")
export_xlsx(QR, file_name = "U:/bilan_qualité.xls")
```

Si l'on a plusieurs workspaces (ou multi-documents) on peut “rassembler” les bilans qualité en les empilant avec la fonction `rbind()` ou en créant un objet `mQR` avec la fonction `mQR_matrix()`

Bilan qualité avec JDCruncher (3/4) : Exemple

On peut aussi ne pas prendre en compte les valeurs manquantes et mettre des conditions sur les indicateurs :

```
# Poids de l'indicateur oos_mse réduit à 1 si les autres  
# indicateurs valent "Bad" ou "Severe"  
condition1 <- list(indicator = "oos_mse",  
                   conditions = c("residuals_independency",  
                                   "residuals_homoskedasticity",  
                                   "residuals_normality"),  
                   conditions_modalities = c("Bad", "Severe"))  
BQ <- compute_score(BQ, n_contrib_score = 5,  
                   conditional_indicator = list(condition1),  
                   na.rm = TRUE)
```

Bilan qualité avec JDCruncher (4/4) : Exemple

```
QR1 <- extract_QR()
QR2 <- extract_QR()

mQR <- mQR_matrix(Bilan_1 = QR1, Bilan_2 = QR2)

# On calcule le score pour tous les bilans
mQR <- compute_score(mQR, n_contrib_score = 3)
export_xlsx(mQR, export_dir = "U:/")
```