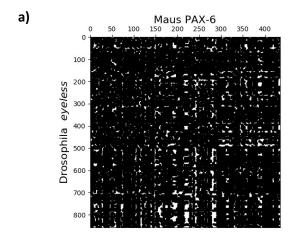
Aufgabe 1.1 Dotplot-Visualisierung



b) Die Übereinstimmungszahl (im Code als threshold oder thrsh bezeichnet) wird jeweils während des Durchlaufs der for-Schleifen über die x- und y-Achse pro Fenster ermittelt, mit der gegebenen Fenstergröße.

Eine dritte, innere for-Schleife (im fett gedruckten Abschnitt rechts enthalten) iteriert über die Indizes der Sequenzabschnitte in Fenstergröße (z.B. der String 'ABC' bei n = 3 -> drei Iterationen pro Fensterüberprüfung) und kalkuliert entsprechend des thresholds und der Fenstergröße, ob dieses Fenster gematcht wird.

```
def match(givenarray, thrsh):
  matcharray1 = []
  matcharray2 = []

for indx, x in enumerate(givenarray[0]):
    for indy, y in enumerate(givenarray[1]):
        if x == y:
            matcharray1.append(indx)
            matcharray2.append(indy)
        else:
        thrsh_counter = 0
        for a, b in zip(str(x), str(y)):
        if a == b:
```

thrsh_counter += 1

if thrsh_counter / window >= thrsh:

matcharray1.append(indx) matcharray2.append(indy)

CODE mit Übereinstimmungszahl / threshold:

return [matcharray1, matcharray2]

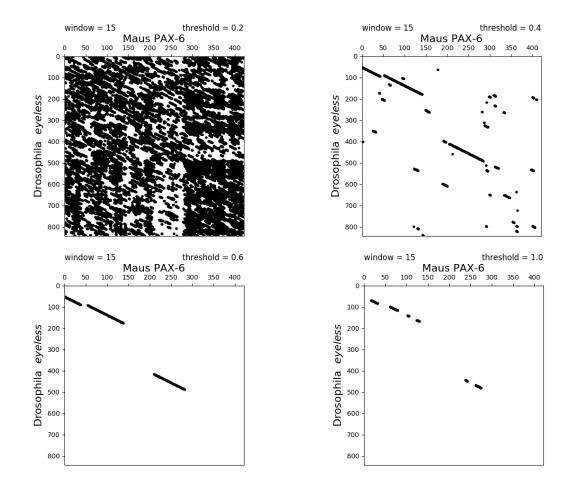
Bei einem threshold von z.B. 0,6 (also 60% Übereinstimmung) und einer Fenstergröße von 10 vergleicht die zip-Funktion die Strings der aktuellen Fenster Zeichen für Zeichen und inkrementiert pro Match einen Zähler (thrsh_counter), welcher dann durch die Fenstergröße geteilt und mit dem gegebenen threshold vergleichen wird.

Daraus folgt: window: 10, threshold: 0.6, matches im Fenster:

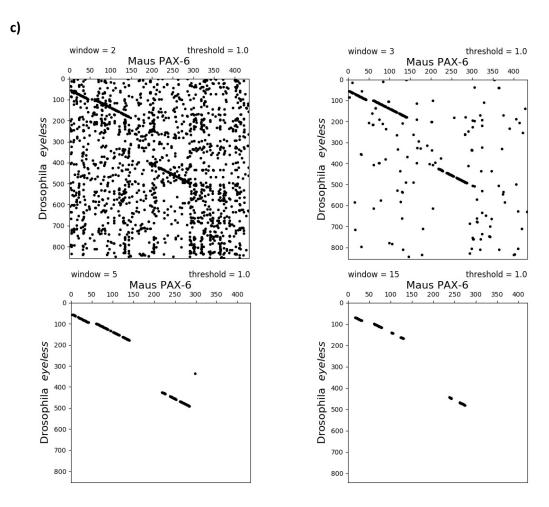
```
7 -> 7/10 = 0.7
0.7 >= 0.6 -> aktuelles Fenster wird gematcht.
```

Zu 1.1 b)

Beispielbilder mit Fensterlänge 15 und verschiedenen thresholds (0.2, 0.4, 0.6, 1.0):



Kleinere Mutationen innerhalb einer Fenstergröße werden damit im Plot akzeptiert, wenn der Rest der Sequenz ansonsten hohe Übereinstimmungen aufweist. Somit dient der Threshold-Wert zur Sichtbarmachung von paarweisen Aligments trotz einzelner, mutationsbedingter mismatches.



Die Ergebnisse der erstellten Dotplots stimmen optisch mit denen der gegebenen Plots mit verschiedenen Fenstergrößen ($n = \{2, 3, 5, 15\}$) überein.

Jeweils untereinander verglichen kann man feststellen, dass größere Fenster bei einer Übereinstimmungszahl von 1 (Match über gesamtes Fenster NUR, wenn beide Sequenzen komplett übereinstimmen) und mit einem Offset von 1 einen weniger verrauschten Plot ergibt und übereinstimmende Abschnitte deutlicher sichtbar sind.

Fragen, die gestellt worden sind:

Wie soll der Offset aussehen?

→ Antwort per Mail:

Selbst wählbar, empfehlenswert jedoch auf Wert 1.