

```

1
NON_MUT_CyHV3_ORF69  MERYRASAKIMLCVRAGKPLFGQFSEYEPVEAWTLNVEDGVARASYRTPRFVELGVGNIPATATHRLPRA
MUT_CyHV3_ORF69      MERYRASAKIMLCVRAGKPLFGQFSEYEPVEAWTLNVEDGVARASYRTPRFVELGVGNIPATATHRLPRA

71
NON_MUT_CyHV3_ORF69  LKTSPKPEEDLYAELDVPYHGLSFARYAYGFRVPPFAKGNLLMLGKTDNWEVGR LIEDLTLVWCPYGIED
MUT_CyHV3_ORF69      LKTSPKPEEDLYAELDVPYHGLSFARYAYGFRVPPFAKGNLLMLGKTDNWEVGR LIEDLTLVWCPSGCRS

141
NON_MUT_CyHV3_ORF69  GVPQRAGVRPRSPGAVDLRDESGVYIMKADGLPERARTLCLGCTETAEWRAEAIREYETNAAAMAPVTAV
MUT_CyHV3_ORF69      GPF*GRARRAPSTFATSPASTS*RPTACRKGPARCAWAAPRRQSGAPRPSASTRPTPPRWRPSRPCWGFS

211
NON_MUT_CyHV3_ORF69  LGAVCSSEFWMHSWGTLGLVDAMRDMWCLARPSEKETRLMOGFGSARMILCELGLPYTPAHTLLLATSPLFS
MUT_CyHV3_ORF69      APSSGCTAGARAWWTRCGTCGAWRGPPRRRPGSCRASARRG*SSASWGCPTRRRTRCCWPPRRSSPRTTG

281
NON_MUT_CyHV3_ORF69  ENYRGTLPLTIMDECYQGPHTHVIFQASTQAQLRLDLYYAAATYLSDLGVVPRPTYLYTSEGPLVSMEDP
MUT_CyHV3_ORF69      ARCP*PSWTSATRARTRTSSSRAPRPSCGSTSTTRRRPT*ATSASCPDLPTSTPPRAPWSRWTRPPAS

351
NON_MUT_CyHV3_ORF69  ATGVVYLTGPKILLRGQQRGQQRGQGE GEGEGEGEGEGEGEGEGNLPTYTLPRGNVLVSAGKLGERLLYAVHT
MUT_CyHV3_ORF69      ST*RDPRSFSSESSGASSGDRARVRVRVRVRVRVRVREIYHTRYPEVMCW*ARVSWVKGYSTPCTRPTNL

421
NON_MUT_CyHV3_ORF69  ADEPLICEVPVTOHVRLAFLNTVAHLWGDRLNVPFHCPVVHRTWATRSARDERDDAEDPKGLVRLDTFFE
MUT_CyHV3_ORF69      *SARCPSPNT*G*PS*TPSLTCGATD*TCPSTAPSGTGP GPPAPRETSGTTPRI PRAS*G*TPSLSRSSS

491
NON_MUT_CyHV3_ORF69  QELVSVVALADHLPRESWPRVVHPSLALTPTTASAM*
MUT_CyHV3_ORF69      R*WP*PITCRESHGLGWSTPVWR*RQRRRPRC
```