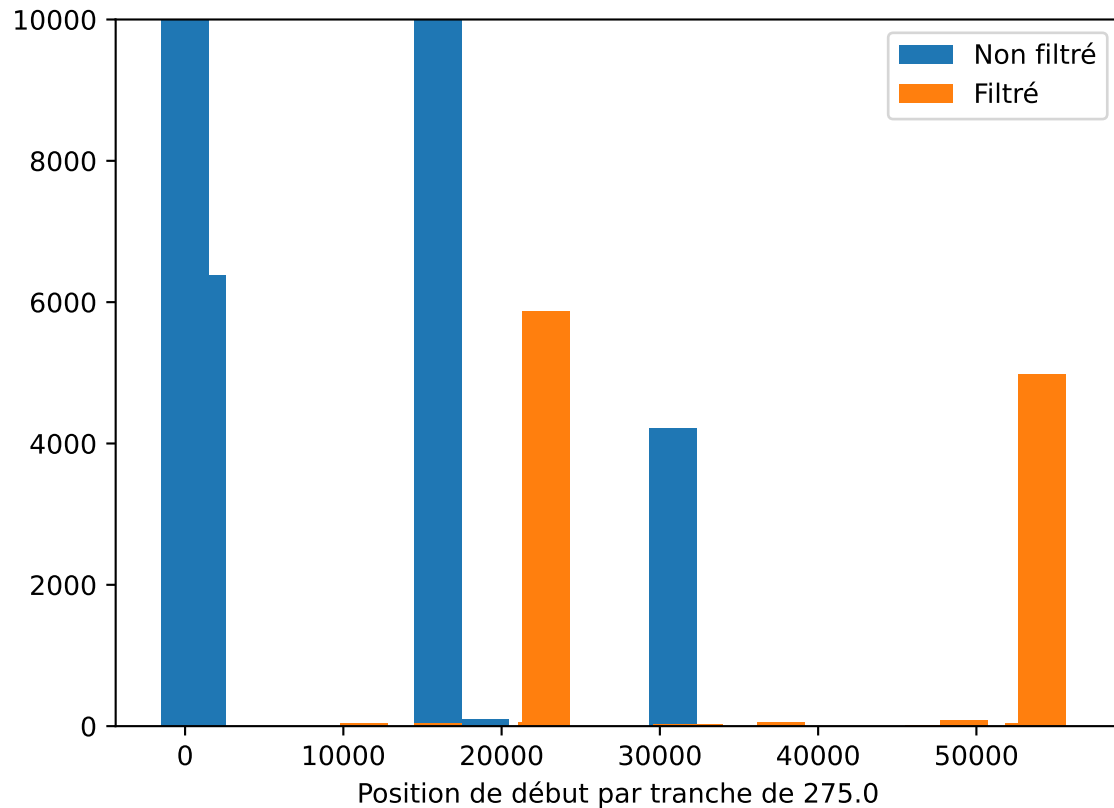


Taille moyenne des variants au début du génome
dans le passage 30



Taille moyenne des variants à la fin du génome
dans le passage 30

