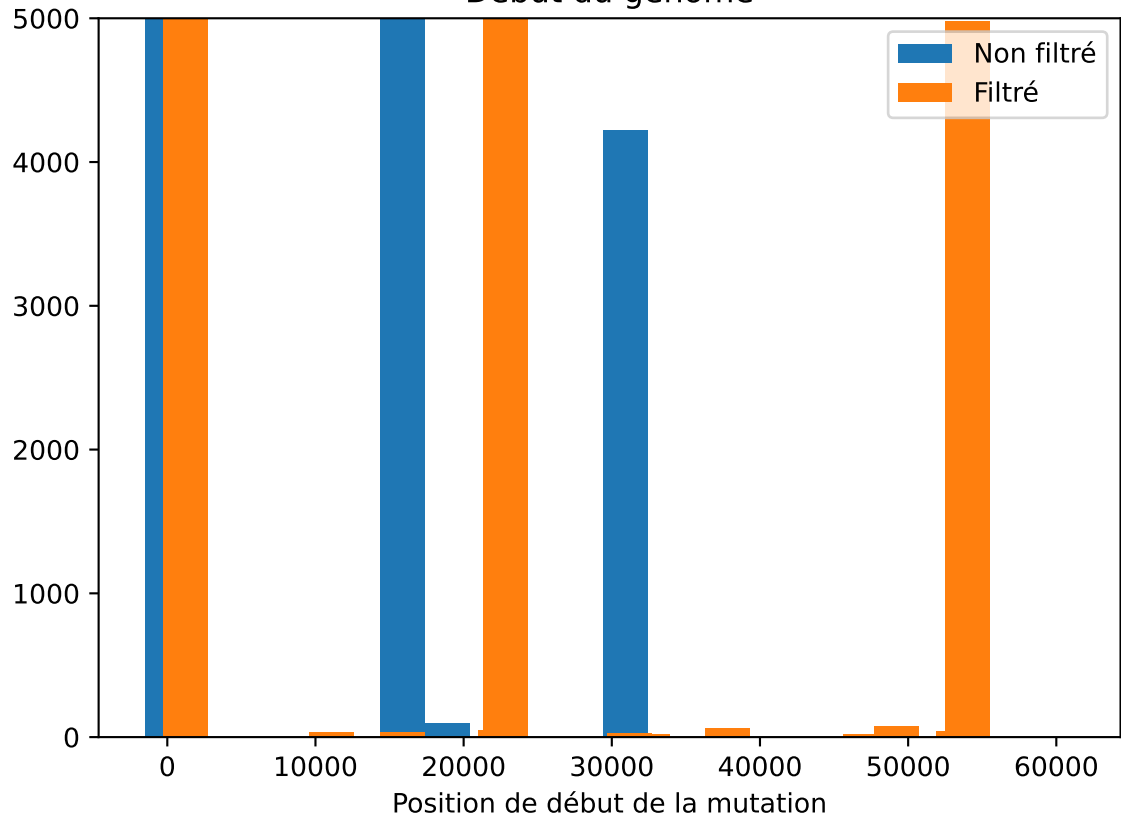


Taille moyenne des variants aux bornes du génome dans le passage 30

Début du génome



Fin du génome

