Министерство науки и высшего образования Российской Федерации



Калужский филиал федерального государственного бюджетного образовательного учреждения высшего образования

«Московский государственный технический университет имени Н.Э. Баумана (национальный исследовательский университет)» (КФ МГТУ им. Н.Э. Баумана)

ФАКУЛЬТЕТ ИУ-КФ «Информатика и управление»

КАФЕДРА <u>ИУ4-КФ «Программное обеспечение ЭВМ, информационные</u> технологии»

ЛАБОРАТОРНАЯ РАБОТА №4

«Логические методы классификации многомерных объектов пересекающихся классов»

ДИСЦИПЛИНА: «Методы машинного обучения»

Выполнил: студент гр. ИУК4-62Б	(Подпись)	(Борисов Н.С.) (Ф.И.О.)
Проверил:	(Подпись)	(Кручинин И.И.) (Ф.И.О.)
Дата сдачи (защиты):		
Результаты сдачи (защиты): - Балльна	я оценка:	
- Оценка:		
Калу	уга , 2022	

Цель работы: изучение основных процедур классификации многомерных объектов пересекающихся классов.

Вариант 2

Разработать логический классификатор с использованием алгоритмов «**Кора**», «**ID3**», «**САRТ**», «**Бэггинг**», «**Бустинг**», генетического алгоритма для классификации товаров супермаркета по категориям «Скидки - Heт» 0-4 %, «Скидка-мини» 5-25 %, «Выгодная Скидка» 26-40%, «Супер Скидка» 50-70% за пять дней.

Код	Кп	Кв	Кс	Кч	Кп	Ксб	Квс	Кз	Квн	Кл	Ко	Кт	
011	1							0.7	0.54	1	1	0.45	
012	0.77											1	
013													
014													
015													
016													
017													
018												0.15	
019	1		1				1			1		0.23	
020	0.58												

- 1). Для алгоритма Кора: выбрать частоту встречаемости конъюнкций MinNum= 4
- 2). Для генетического алгоритма выбрать: генную бинарную комбинацию 1101101
- 3). Для алгоритма CART в функции rpart выбрать параметр method = "anova"
- 4). Для алгоритма Bagging в функции RandomForest выбрать параметр N.trees= 400, в функции train выбрать параметр method = "Adabag"
- 5). Для алгоритма Boosting в функции gbm выбрать параметр N.trees = 300, параметр distribution = "bernoully", параметр bag.Fraction = 0.47
- 6). Результаты визуализировать и сравнить.

Листинг программы:

```
DATA <- read.csv2(file = "file.csv", header = TRUE, row.names = 1)
head(DATA)
number2binchar <- function(number, nBits) {
    paste(tail(rev(as.numeric(intToBits(number))), nBits),collapse =
"")
}

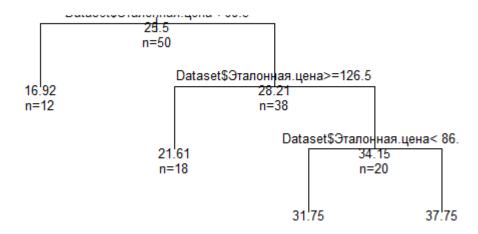
# Поиск конъюнкций по набору битовых масок
MaskCompare <- function(Nclass, KSize, BitMask,vec_pos, vec_neg, ColCom)
{
```

```
nK <- sapply(BitMask, function(x) {</pre>
        if (sum(x == vec neg) > 0) return (0)
        if (\min Num > (countK = sum(x == vec pos))) return(0)
        # Сохранение конъюнкции в трех объектах list
        Value.list[[length(Value.list) + 1]] <<-</pre>
            list(Nclass = Nclass, KSize = KSize, countK = countK, Bits
= X)
        ColCom.list[[length(ColCom.list) + 1]] <<- list(ColCom)</pre>
        RowList.list[[length(RowList.list) + 1]] <<-</pre>
            list(which(vec pos %in% x))
        return(countK) } )
DFace <- read.csv2(file = "file.csv", header = TRUE, row.names = 1)
maxKSize <- 4
minNum <- 4
# Списки для хранения результатов
Value.list <- list() # Nclass, KSize, BitMask, countK</pre>
ColCom.list <- list() # Наименования переменных ColCom
RowList.list <- list() # Номера индексов строк RowList
# Перебор конъюнкций разной длины
for (KSize in 2:maxKSize) {
    BitMask <- sapply(0:(2^KSize - 1), function(x) number2binchar(x,
KSize))
    cols <- combn(colnames(DFace[, -17]), KSize)</pre>
    for (i in 1:ncol(cols))
                             {
        SubArr <- DFace[, (names(DFace) %in% cols[, i])]</pre>
        vec1 <- apply(SubArr[DFace$Class == 1, ],1,function(x) paste(x,</pre>
collapse = ""))
        vec2 <- apply(SubArr[DFace$Class == 2,], 1, function(x) paste(x,</pre>
collapse = ""))
        MaskCompare(1, KSize, BitMask, vec1, vec2, cols[, i])
        MaskCompare(2, KSize, BitMask, vec2, vec1, cols[, i])
    }
}
# Создание результирующей таблицы
DFval = do.call(rbind.data.frame, Value.list)
nrow = length(Value.list)
DFvar <- as.data.frame(matrix(NA, ncol = maxKSize + 1, nrow = nrow,
dimnames = list(1:nrow, c(paste("L", 1:maxKSize,
                                                                 sep
""), "Объекты:"))))
for (i in 1:nrow) {
    Varl <- unlist(ColCom.list[[i]])</pre>
    DFvar[i, 1:length( Varl)] <- Varl</pre>
    Objl <- unlist(RowList.list[[i]])</pre>
    DFvar[i, maxKSize + 1] <- paste(Objl, collapse = " ")</pre>
}
DFout <- cbind(DFval, DFvar)</pre>
print("Конъюнкции класса 1")
DFout[DFout$Nclass == 1, ]
print("Конъюнкции класса 2")
DFout[DFout$Nclass == 2, ]
library(genalg)
library(ggplot2)
dataset <- read.csv2(file = "file.csv", header = TRUE, row.names = 1)</pre>
weightlimit <- 20</pre>
chromosome = c(1, 1, 0, 1, 1, 0, 1)
```

```
dataset[chromosome == 1, ]
evalFunc <- function(x) {</pre>
    current solution survivalpoints <- x %*% dataset$survivalpoints
    current solution weight <- x %*% dataset$weight</pre>
    if (current solution weight > weightlimit)
        return(0) else return(-current solution survivalpoints)
}
Dataset <- read.csv2(file = "file.csv", header = TRUE, row.names = 1)
library(rpart)
# grow tree
fit <- rpart(Dataset$Haименование ~ Dataset$коэффициент.понедельника +
Dataset$Эталонная.цена, method="anova", data=Dataset)
printcp(fit) # display the results
plotcp(fit) # visualize cross-validation results
summary(fit) # detailed summary of splits
# plot tree
plot(fit, uniform=TRUE, main="Classification Tree")
text(fit, use.n=TRUE, all=TRUE, cex=.8)
post(fit, title = "Classification Tree")
library(randomForest)
library(caret)
x <- read.csv2(file = "file.csv", header = TRUE, row.names = 1)</pre>
set.seed(101)
model <- randomForest(х$Наименование ~ х$Эталонная.цена, data=x,
ntree=400, mtry=9)
set.seed(101)
bag.a1 <- train(x, preProc = c('center', 'scale'),</pre>
                 method = 'Adabag', tuneGrid = expand.grid(.mtry =
ncol(x))
plot(ranfor.al$finalModel, col = "blue", lwd = 2)
plot(bag.a1$finalModel, col = "green", lwd = 2, add = TRUE)
legend("topright", c("Bagging", "RandomForrest"),col
c("green","blue"), lwd = 2)
library(gbm)
x <- read.csv2(file = "file.csv", header = TRUE, row.names = 1)
set.seed(1)
xd \leftarrow cbind(a1 = x$Эталонная.цена, x)
boost.a1 = qbm(a1 ~ ., data = xd, distribution = "bernoully", n.trees =
300, interaction.depth = 3)
summary(boost.al, plotit = FALSE)
library(bst)
(boostFit.al <- train(al ~ ., data = xd, method = 'bstTree',</pre>
                      trControl = trainControl(method = "cv"), preProc
= c('center', 'scale')))
plot(boostFit.a1)
```

Результаты работы:

Classification Tree



Вывод: были изучены основные процедуры классификации многомерных объектов пересекающихся классов.