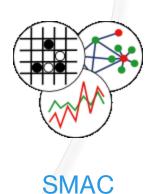
Soutenance Option Recherche L3 INFO - 2021



<u>FIL</u>

Par <u>Antoine Nollet</u> Encadré par <u>Philippe Mathieu</u>



Plan

1. Contexte

- Crise de la COVID
- Simulation épidémiologique
- Système Multi-Agents
- Environnements

2. Méthodes

- Graphes Sociaux
- Algorithme Génétique

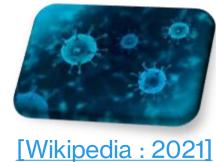
3. Expériences

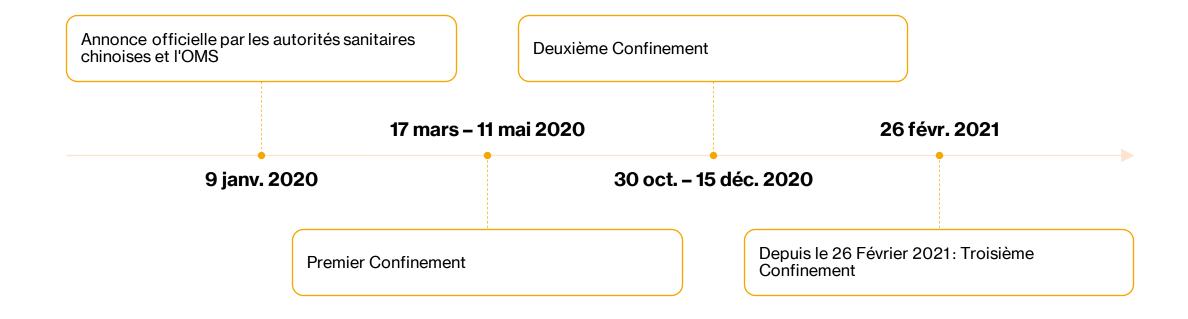
- Courbes de la COVID
- Agent Adapté
- 5 "briques" fondamentales
- Toy Problem
- Résultats

4. Conclusion

- Ouverture
- Connaissances Acquises

1. Contexte: Crise de la COVID





1. Contexte : Simulation épidémiologique

3 Grandes Approches:

- Modèle Mathématique
 Equations Mathématiques
- Modèle Compartimental
 - SEIR Population organisée en "compartiment"
- Modèle Centré Individus
 - SMA Population composée d'Agent

1. Contexte: Système Multi-Agents

Dans un SMA, il y a trois notions :

- L'Agent, qui possède son propre comportement
- L'Environnement, dans lequel les agents se situent
- Le Système Multi-Agents, qui rythme la parole des agents

1. Contexte: Environnements

Dans le cadre d'une simulation avec Système Multi-Agents, il faut définir un environnement dans lequel la simulation aura lieu.

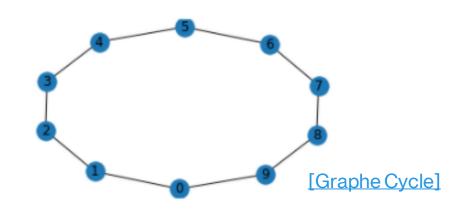


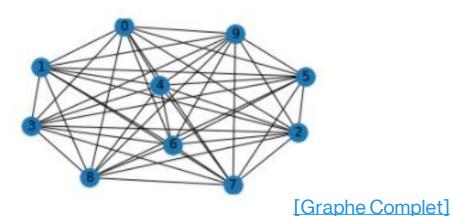
@merlanfrit.fr

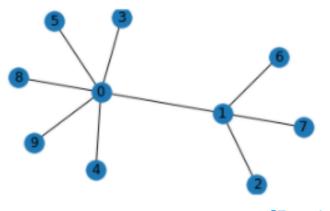
Problématique

Une simulation centrée-individus à environnement social de la COVID19 est-elle envisageable ?

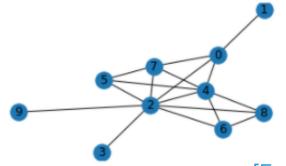
2. Méthodes: Graphes Sociaux







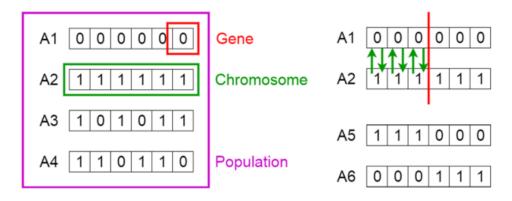
[Barabasi - Albert : 1999]



[Erdos – Renyi : 1960]

2. Méthodes: Algorithme Génétique

Genetic Algorithms



Introduction à l'Algorithme Génétique

Algorithme évolutionniste servant à approcher une solution d'un problème d'optimisation ayant un objectif précis (Fitness).

3 notions importantes:

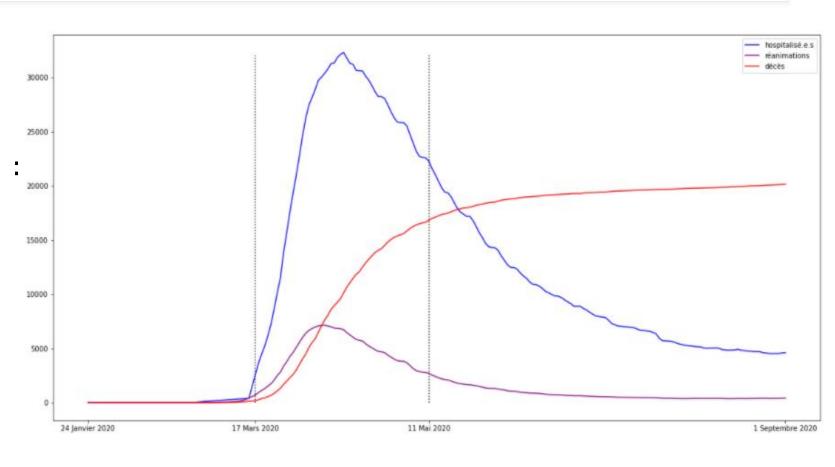
- Crossing-Over
- Mutation
- Sélection

3. Expériences: Courbes de la COVID

Récupération des chiffresclés concernant l'épidémie de COVID19 en France via :

data.gouv.fr





3. Expériences : Agent Adapté

L'agent aura des caractéristiques spécifiques :

- Le Sexe
- L' Âge
- Le Groupe Sanguin

Ces caractéristiques seront récupérés sur l'<u>INSEE</u> et l'<u>INTS</u>



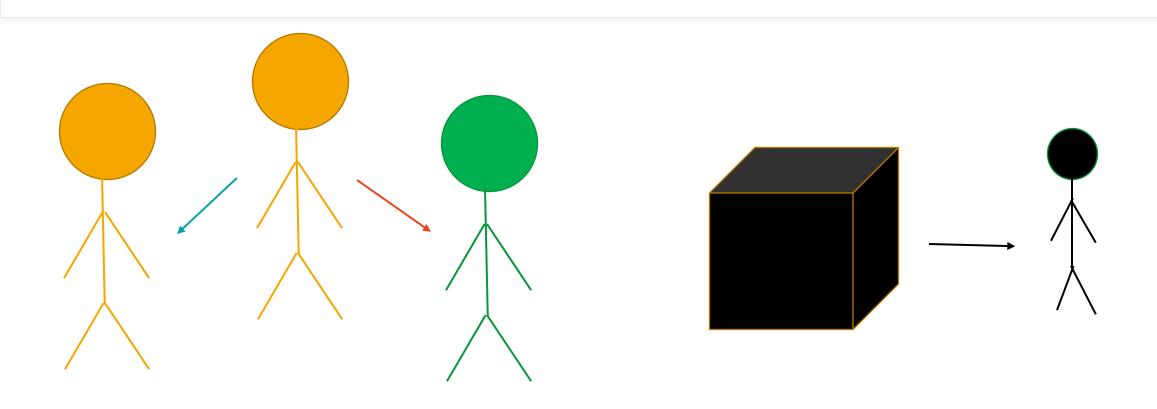


3. Expériences : 5 "briques" fondamentales

- Données épidémiologiques : Ce que l'on veut modéliser
- Système Multi-Agent : Ce qui permet les comportements individuels
- Réseau Social : Ce qui représente les relations humaines réelles
- Caractéristiques Population : Ce qui calibre les Agents
- Algorithme Génétique : Ce qui optimise les paramètres

Comment les associer?

3. Expériences: Toy Problem



Subjectif, carac1, carac2, carac3

[Pb1 , Pb2 , Pb3, PbSubjectif]

3. Expériences : Résultats

```
class SMA:
    def createSMA_nbagents(nb_agents,nb_contact,pb1,pb2,pb3,pb5):
        graph = nx.barabasi_albert_graph(nb_agents, nb_contact)
        return SMA.createSMA graph(graph,pb1,pb2,pb3,pbS)
    def createSMA graph(graph,pb1,pb2,pb3,pb5):
        matrix = nx.to numpy array(graph, nodelist=range(graph.number of nodes()))
        return SMA(graph.number of nodes(),graph, matrix, pb1,pb2,pb3,pbS)
    def init (self, mb agents, graph, adjacency matrix, pb1, pb2, pb3, pbS):
        # cofiguration voir annexe 2
        self.agentList = []
        self.graph = graph
        self.pbs = [pb1,pb2,pb3,pbS]
        for i in range(nb_agents):
            self.agentList.append(self.createAgent(i,adjacency_matrix))
    def createAgent(self,1,adjacency matrix):
        stats = dict()
        r = random.random()
        statNames = [("prop1", self.pbs[8]),("prop2", self.pbs[1]),
                     ("prop3", self.pbs[2]),("subjectif", self.pbs[3])]
        for stat in statNames:
            stats[stat[0]] = (r < stat[1])
        return Agent(i, self, np.nonzero(adjacency matrix[i])[0], stats)
```

```
N = 10
N_gen = 100
N_contact = 3
exemples = [algo_gen_SMA(N,N_gen,N_contact) for _ in range(5)]
```

```
for i in range(5):
    print(exemples[i]["hof"][0])
```

```
[0.9885790440181539, 0.9863487964155002, 0.11439252878648731, 0.9289995660879429]
[0.9421081837563204, 0.08395343157452273, 0.9395278585769126, 0.9771571517341212]
[0.014014248535267337, 0.999929560455892, 0.9702449823412255, 0.9326979768187923]
[0.9752475982427464, 0.9601164411677091, 0.9636533632286904, 0.9015081500093076]
[0.41621536907077994, 0.5149339882652899, 0.5785749838237019, 0.00132349420690128]
```

4. Conclusion: Ouverture

Méthodes, Expériences, Données...

Une simulation à environnement social centréeindividus de la COVID19 est envisageable!

4. Conclusion: Connaissances Acquises

Système Multi-Agents Graphes Invariants d'Échelles

Simulations Épidémiologiques

Algorithmes Génétiques Démarche Scientifique

Bibliographie

- [Balaji Srinivasan : 2010]
- [Ball Britton : 2020]
- [Rahmandad Sterman : 2008]
- [Firth Hellewell Klepac Kissler Kucharski Spurgin : 2020]
- [Fergusson : 2020]
- [Barabasi Albert : 1999]
- [Erdos Renyi : 1960]
- [Melanie Mitchell : 1998]
- [Liu Abass Tan : 2019]

Temps des questions

Remerciements