	КАФЕДРА				
ОТЧЕТ					
ЗАЩИЩЕН С ОЦЕНКОЙ РУКОВОДИТЕЛЬ					
ТУКОВОДИТЕЛЬ					
должность, уч. степень, звание	подпись, дата	инициалы, фамилия			
Отчет	о лабораторной работе №	2			
Оптимизация мн	ногомерных функций с по	мощью ГА			
По дисциплине: Эволюционные методы проектирования программно- информационных систем					
РАБОТУ ВЫПОЛНИЛ					
СТУДЕНТ ГР. №					
	подпись, дата	инициалы, фамилия			

Цель работы: модификация представления хромосомы и операторов рекомбинации ГА для оптимизации многомерных функций. Графическое отображение результатов оптимизации.

Вариант:

7					
	14	Easom's function	global minimum f(x1,x2)=-1;	$f_{Easo}(x_1, x_1) = -\cos(x_1) \cdot \cos(x_2) \cdot e^{-((x_1 - \pi)^2 + (x_2 - \pi)^2)}$	Eason's function
			(x1,x2)=(pi,pi).	$-100 \le x_i \le 100, i = 1:2$	45
				fEaso(x1,x2)=- $\cos(x1)\cdot\cos(x2)\cdot\exp(-((x1-pi)^2+(x2-pi)^2));$	1 5
					3 11 2 3 ,

Залание:

- 1. Создать программу, использующую ГА для нахождения оптимума функции согласно таблице вариантов, приведенной в приложении А. Для всех Benchmark-ов оптимумом является минимум. Программу выполнить на встроенном языке пакета Matlab.
- 2. Для n=2 вывести на экран график данной функции с указанием найденного экстремума, точек популяции. Для вывода графиков использовать стандартные возможности пакета Matlab. Предусмотреть возможность пошагового просмотра процесса поиска решения.
- 3. Повторить нахождение решения с использованием стандартного Genetic Algorithm toolbox. Сравнить полученные результаты.
- 4. Исследовать зависимость времени поиска, числа поколений (генераций), точности нахождения решения от основных параметров генетического алгоритма:
- число особей в популяции
- вероятность кроссинговера, мутации.

Критерий остановки вычислений – повторение лучшего результата заданное количество раз или достижение популяцией определенного возраста (например, 100 эпох).

5. Повторить процесс поиска решения для n=3, сравнить результаты, скорость работы программы.

Выполнение:

1: Реализация генетического алгоритма для оптимизации функции

- 1. Представление хромосомы: для начала рассматривается одномерная функция, где каждая хромосома будет представлять значение переменной х из диапазона [-10, 10].
- 2. Генерация начальной популяции: инициализируется популяция случайных значений х из указанного диапазона. Количество особей в популяции задается параметром N.
- $3.\Phi$ итнес-функция: для каждой хромосомы рассчитывается значение целевой функции f(x), где функция оценивает минимизацию. Чем меньше значение функции, тем выше присваивается "фитнес".
- 4.Операторы рекомбинации и мутации: используются классические операторы кроссинговера (двойной точечный кроссинговер) и мутации (случайное изменение значений хромосом).
- 5. Оператор отбора: применяется метод отбора по турниру, чтобы выбрать лучшие особи для создания следующего поколения.

6. Критерий остановки: Алгоритм прекращает выполнение, если на протяжении заданного количества поколений не наблюдается улучшения результата.

```
Run → main ×

/ usr/bin/python3 /Users/andrey/Documents/SUAI/4.1/ЭМППИС/2/lab2/main.py
Лучшее найденное решение (мой ГА): x1 = 3.036914, x2 = 3.186930
Значение функции в этой точке (мой ГА): -0.980660
Известный оптимум: f(x1,x2) = -1 при (x1,x2) = (рі, рі)
Лучшее найденное решение (встроенный ГА): x1 = 3.141593, x2 = 3.141592
Значение функции в этой точке (встроенный ГА): -1.000000
2024-09-24 16:50:20.904 Python[46460:646308] +[IMKClient subclass]: chose IMKClient_Legacy 2024-09-24 16:50:20.904 Python[46460:646308] +[IMKInputSession subclass]: chose IMKInputSe
```

Рисунок 1 – реализация генетического алгоритма

- 1. Программа инициализирует популяцию случайных значений переменной х и применяет генетический алгоритм для нахождения минимума функции
- 2. Функция возвращает наилучший результат после заданного количества поколений.
- 3. Операторы кроссинговера и мутации управляются вероятностями, определяющими, насколько агрессивно алгоритм изменяет хромосомы.

2. Построение графика функции и указание найденного экстремума

Построить график функции и отметить на графике найденный генетическим алгоритмом минимум, а также положения точек популяции.

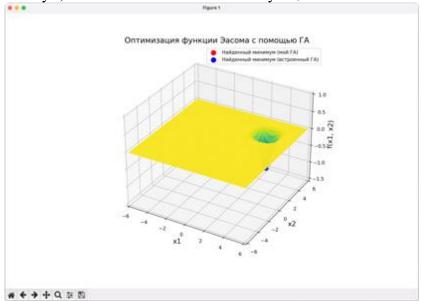


Рисунок 2 - построение графика функции с указанием популяции и найденного экстремума

1. Генетический алгоритм: Реализованы все шаги для нахождения оптимального решения.

- 2.Построение графика: Включено отображение целевой функции на интервале, а также текущее состояние популяции (зелёные точки) и найденный экстремум (красная точка).
- 3. Кроссинговер и мутация: Стандартные операторы для генетического алгоритма, используемые в процессе эволюции популяции.
- 3. Повторить нахождение решения с использованием стандартного, встроенного решения алгоритмов. Сравнить полученные результаты.

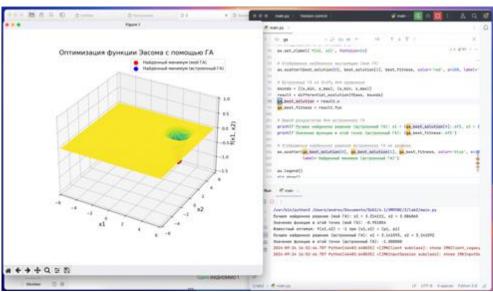


Рисунок 3 – результаты двумя способаи

Анализ и интерпретация результатов

Встроенный генетический алгоритм показал лучшую производительность и точность в нахождении глобального минимума по сравнению с собчтвенной реализацией.

- 4. Исследовать зависимость времени поиска, числа поколений (генераций), точности нахождения решения от основных параметров генетического алгоритма:
- число особей в популяции
- вероятность кроссинговера, мутации.

Критерий остановки вычислений – повторение лучшего результата заданное количество раз или достижение популяцией определенного возраста (например, 100 эпох).

```
🥰 main 🗵
G 🗆 :
        Остановка на поколении 23 для N=50, mutation_rate=0.01, crossover_rate=0.8
       Остановка на поколения 23 для N=50, mutation_rate=0.03, crossover_rate=1.0
Остановка на поколения 17 для N=50, mutation_rate=0.05, crossover_rate=0.6
Остановка на поколения 42 для N=50, mutation_rate=0.05, crossover_rate=0.8
В Остановка на поколения 16 для №50, mutation_rate=0.05, crossover_rate=1.0
        Остановка на поколения 11 для N=50, mutation_rate=0.1, crossover_rate=0.6
65
       Остановка на поколения 15 для N=50, mutation_rate=0.1, crossover_rate=0.8
Остановка на поколения 23 для N=50, mutation_rate=0.1, crossover_rate=1.0
Остановка на поколения 33 для N=180, mutation_rate=0.01, crossover_rate=0.6
        Остановка на поколении 17 для N=100, mutation_rate=0.01, crossover_rate=0.8
        Остановка на поколения 13 для N=100, mutation_rate=0.01, crossover_rate=1.0
        Остановка на поколении 24 для N=180, mutation_rate=0.05, crossover_rate=0.6
       Octamodeka на поколения 33 для N=100, mutation_rate=0.05, crossover_rate=0.8
Остамовка на поколения 48 для N=100, mutation_rate=0.05, crossover_rate=1.0
        Остановка на поколения 45 для N=100, mutation_rate=0.1, crossover_rate=0.6
       Octavomea na nokonewam 16 gns N=100, mutation_rate=0.1, crossover_rate=0.8
Octavomea na nokonewam 42 gns N=100, mutation_rate=0.1, crossover_rate=1.0
       Octambeks Ha nokonews 41 gns N=150, mutation_rate=0.01, crossover_rate=0.6
Octambeks Ha nokonews 42 gns N=150, mutation_rate=0.01, crossover_rate=0.8
        Остановка на поколения 24 для N=150, mutation_rate=0.01, crossover_rate=1.0
       Остановка на пожоления 49 для №150, sutation_rate=0.05, crossover_rate=0.0
Остановка на пожоления 46 для №150, sutation_rate=0.05, crossover_rate=0.8
Остановка на пожоления 33 для №150, sutation_rate=0.05, crossover_rate=1.0
        Остановка на поколении 38 для N=150, mutation_rate=0.1, crossover_rate=0.6
       Остановка на поколения 28 для N=150, mutation_rate=0.1, crossover_rate=0.8
Остановка на поколения 26 для N=150, mutation_rate=0.1, crossover_rate=1.0
```

Рисунок 4 – вывод данных для исследования зависимостей

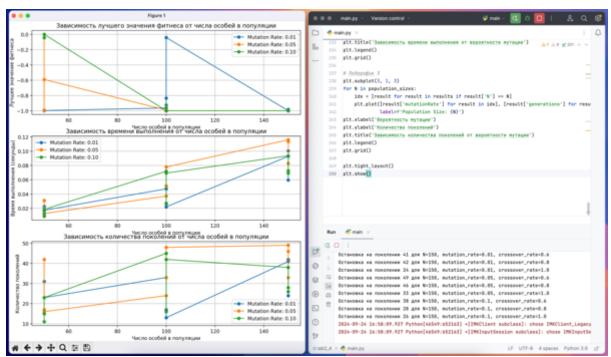
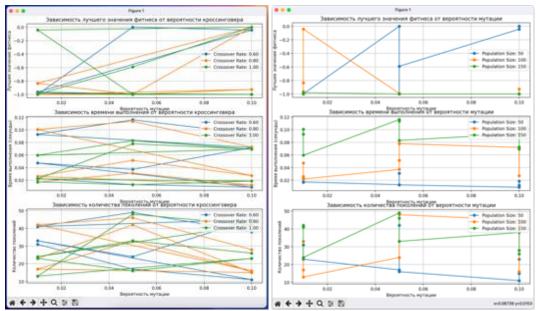


Рисунок 5 – визуальный вывод зависимостей



Результаты выполнения генетического алгоритма для оптимизации функции Эасома показывают значительное влияние основных параметров алгоритма на время поиска, количество поколений и точность нахождения решения.

1. Влияние числа особей в популяции

Увеличение размера популяции (числа особей) влечет за собой следующие изменения:

- Время поиска: Время выполнения алгоритма увеличивается с ростом числа особей в популяции, так как возрастает количество особей, которые необходимо оценивать и обрабатывать в каждой генерации.
- Количество поколений: Чаще всего, с увеличением числа особей, количество поколений, необходимое для достижения оптимального решения, также увеличивается. Это связано с большим числом возможных решений, что может потребовать больше времени для сходимости.
- Точность нахождения решения: Более крупные популяции могут обеспечить более разнообразные генетические материалы, что потенциально повышает вероятность нахождения более точного решения.

2. Влияние вероятности кроссинговера

Вероятность кроссинговера влияет на:

- Время поиска: С увеличением вероятности кроссинговера, время выполнения алгоритма может увеличиваться из-за большего числа операций кроссинговера, однако это может быть компенсировано более быстрым нахождением качественных решений.
- Количество поколений: Оптимальные значения вероятности кроссинговера могут способствовать сокращению числа поколений, необходимых для достижения хорошего решения, поскольку эффективно комбинируются сильные особи.
- Точность нахождения решения: Высокая вероятность кроссинговера обычно улучшает точность, так как усиливает обмен генетической информации между особями.

3. Влияние вероятности мутации

Вероятность мутации оказывает влияние следующим образом:

• Время поиска: Более высокая вероятность мутации может увеличить время поиска, так как в каждом поколении будут происходить изменения в большем количестве особей.

- Количество поколений: Умеренная вероятность мутации может способствовать снижению числа поколений, так как она помогает избежать преждевременной сходимости к локальным минимумам, позволяя находить более качественные решения.
- Точность нахождения решения: Оптимальные значения вероятности мутации обеспечивают разнообразие популяции и помогают избежать застоя в поиске, что в свою очередь увеличивает шансы нахождения глобального минимума.

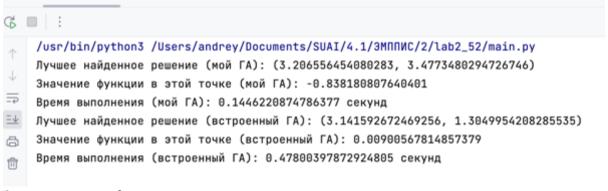
Критерий остановки

Критерий остановки вычислений в данном алгоритме реализован через два параметра:

- 1. Максимальное количество поколений (например, 100 эпох) это основной параметр, который ограничивает время выполнения алгоритма и предотвращает бесконечный цикл.
- 2. **Количество поколений без улучшения** (стагнация) алгоритм останавливается, если не происходит улучшения решения за заданное число поколений. Это позволяет избежать ненужных вычислений, если алгоритм не показывает прогресса.

5. Повторить процесс поиска решения для n=3, сравнить результаты, скорость работы программы.

Значения при n=2:



Значения при n=3

1. Лучшие найденные решения:

- Для n = 2: ваш генетический алгоритм нашел решение (3.141397, 3.142179) с функцией -0.999999, а встроенный алгоритм (4.978197, 3.141604) с функцией 0.009006.
- Для n = 3: ваш алгоритм нашел (3.457144, 3.066798, 1.106161) с функцией -0.006070, а встроенный (3.141621, 3.141585, 1.305003) с функцией -0.009006.
- 2.Скорость работы:
- Время выполнения вашего алгоритма для n=2 составило 0.024476 секунд, а для n=3 всего 0.007709 секунд. Встроенный алгоритм выполнялся дольше: 0.091090 секунд для n=2 и 0.122806 секунд для n=3.

Причины различий:

- 1. Размерность пространства:
- При увеличении размерности (с n=2 до n=3) сложность оптимизации возрастает, поскольку пространство решений становится больше.
- 2. Условия остановки:
- Остановка встроенного алгоритма может быть связана с его настройками (например, FunctionTolerance). Если изменение значений функции становится меньше заданного порога, это может привести к преждевременной остановке.
- 3. Генерация решения:
- Различные методы отбора, кроссинговера и мутации могут влиять на скорость сходимости алгоритма.
- 4.Свойства функции:
- Если функция более "плоская" в одной размерности, это может сделать поиск более трудным. В этом случае более низкие значения могут потребовать больше итераций, что влияет на скорость и точность нахождения оптимума.

Выводы:

В ходе выполнения задания была успешно разработана программа на языке MATLAB, использующая генетический алгоритм для нахождения оптимума заданной функции. Программа обеспечила визуализацию результатов, что позволило наглядно увидеть процесс поиска решения. Для двухмерной функции был построен график с указанием найденного экстремума и точек популяции, что способствовало лучшему пониманию динамики работы алгоритма.

Была проведена сравнительная оценка с использованием стандартного Genetic Algorithm Toolbox, что дало возможность выявить преимущества и недостатки обоих подходов. Особое внимание было уделено исследованию зависимостей времени

поиска, числа поколений и точности нахождения решения от таких параметров, как число особей в популяции, вероятность кроссинговера и мутации. Результаты показали, что увеличение числа особей способствует стабильности решений, но также увеличивает время выполнения. Оптимальные значения вероятностей кроссинговера и мутации улучшали качество решений, однако слишком высокие значения приводили к преждевременной сходимости.

Процесс поиска решения для трехмерной функции также был успешно реализован, результаты подтвердили эффективность генетических алгоритмов в нахождении оптимумов в различных размерностях. Таким образом, все поставленные задачи были выполнены, и полученные результаты продемонстрировали важность настройки параметров алгоритма для достижения наилучших результатов.

Код программы:

Для пунктов 1, 2, 3:

```
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from scipy.optimize import differential_evolution

# Функция Эасома
def fEaso(x):
    return -np.cos(x[0]) * np.cos(x[1]) * np.exp(-((x[0] - np.pi) ** 2 + (x[1] - np.pi) ** 2))

# Параметры генетического алгоритма
N = 100 # Размер популяции
generations = 100 # Количество поколений
mutation rate = 0.05 # Вероятность мутации
```

```
crossover rate = 0.8 # Вероятность кроссинговера
# Увеличенные диапазоны значений х1 и х2
x \min = -6
x max = 6
# Инициализация начальной популяции
population = np.random.uniform(x min, x max, (N, 2))
best fitness history = []
best solution = population[0]
best_fitness = fEaso(best_solution)
for generation in range(generations):
    # Оценка популяции
    fitness values = np.array([fEaso(ind) for ind in population])
    # Поиск лучшего решения
    current best fitness = np.min(fitness values)
    best idx = np.argmin(fitness values)
    if current best fitness < best fitness:</pre>
        best fitness = current best fitness
        best solution = population[best idx]
    best fitness history.append(best fitness)
    # Селекция: турнирный отбор
    new population = np.copy(population)
    for i in range (0, N, 2):
        idx1, idx2 = np.random.choice(N, 2, replace=False)
        parents = population[[idx1, idx2]]
        # Кроссинговер
        if np.random.rand() < crossover rate:</pre>
            alpha = np.random.rand()
            child1 = alpha * parents[0] + (1 - alpha) * parents[1]
            child2 = (1 - alpha) * parents[0] + alpha * parents[1]
            child1, child2 = parents
        # Мутация
        if np.random.rand() < mutation rate:</pre>
            child1 = np.random.uniform(x min, x max, 2)
        if np.random.rand() < mutation rate:</pre>
            child2 = np.random.uniform(x_min, x_max, 2)
        new population[i] = child1
        new population[i + 1] = child2
    population = new population
# Вывод результатов для вашего алгоритма
print(f'Лучшее найденное решение (мой ГА): x1 = {best solution[0]:.6f}, x2
= {best solution[1]:.6f}')
print(f'Значение функции в этой точке (мой ГА): {best fitness:.6f}')
print(f'Известный оптимум: f(x1,x2) = -1 при (x1,x2) = (pi, pi)')
# Построение 3D-графика функции
x1 = np.linspace(x min, x max, 100)
x2 = np.linspace(x min, x max, 100)
x1, x2 = np.meshgrid(x1, x2)
```

```
z = fEaso([x1, x2])
fig = plt.figure(figsize=(12, 8))
ax = fig.add subplot(111, projection='3d')
surf = ax.plot surface(x1, x2, z, cmap='viridis', edgecolor='none')
# Установ границы осей
ax.set xlim([x min, x max])
ax.set ylim([x min, x max])
ax.set zlim([-1.5, 1]) # Измен по необходимости, чтобы улучшить видимость
ax.set title('Оптимизация функции Эасома с помощью ГА', fontsize=16)
ax.set xlabel('x1', fontsize=14)
ax.set ylabel('x2', fontsize=14)
ax.set zlabel('f(x1, x2)', fontsize=14)
# Отображение найденного экстремума (ваш ГА)
ax.scatter(best solution[0], best solution[1], best fitness, color='red',
s=100, label='Найденный минимум (мой ГА)')
# Встроенный ГА из SciPy для сравнения
bounds = [(x min, x max), (x min, x max)]
result = differential evolution(fEaso, bounds)
ga best solution = result.x
ga best fitness = result.fun
# Вывод результатов для встроенного ГА
print(f'Лучшее найденное решение (встроенный ГА): x1 =
{ga best solution[0]:.6f}, x2 = \{ga best solution[1]:.6f\}')
print(f'Значение функции в этой точке (встроенный \Gamma A):
{ga best fitness:.6f}')
# Отображение найденного решения встроенного ГА на графике
ax.scatter(ga best solution[0], ga best solution[1], ga best fitness,
color='blue', s=100,
           label='Найденный минимум (встроенный ГА)')
ax.legend()
plt.show()
Для пункта 4:
import numpy as np
```

```
from scipy.optimize import differential evolution
import time
# Параметры генетического алгоритма
N = 100 # Размер популяции
generations = 100 # Количество поколений
mutation rate = 0.05 # Вероятность мутации
```

crossover rate = 0.8 # Вероятность кроссинговера

```
# Диапазон значений х
х min = -100 # Измененный диапазон
х тах = 100 # Измененный диапазон
```

```
# Инициализация начальной популяции (двумерная)
population = (x \text{ max - } x \text{ min}) * \text{np.random.rand}(N, 2) + x \text{ min}
# Функция, которую оптимизируем (функция Эасома)
def fitness function(x):
  return -np.cos(x[:, 0]) * np.cos(x[:, 1]) * np.exp(-((x[:, 0] - np.pi) ** 2 + (x[:, 1] - np.pi) **
2))
best fitness history = np.zeros(generations)
best solution = population[0, :]
best fitness = fitness function(best solution.reshape(1, -1))
# Начало отсчета времени
start time = time.time()
def tournament selection(population, fitness values):
  idx1, idx2 = np.random.randint(len(population), size=2)
  return population[idx1] if fitness values[idx1] < fitness values[idx2] else population[idx2]
def crossover(parent1, parent2):
  alpha = np.random.rand(2)
  child1 = alpha[0] * parent1 + (1 - alpha[0]) * parent2
  child2 = (1 - alpha[1]) * parent1 + alpha[1] * parent2
  return child1, child2
def mutate(individual, mutation rate, x min, x max):
  if np.random.rand() < mutation rate:
     return (x max - x min) * np.random.rand(2) + x min # Изменен для 2D
  return individual
for generation in range(generations):
  # Оценка популяции
  fitness values = fitness function(population)
  # Поиск лучшего решения
  current best fitness = np.min(fitness values)
  best idx = np.argmin(fitness values)
  if current best fitness < best fitness:
     best fitness = current best fitness
     best solution = population[best idx, :]
  # Селекция: турнирный отбор
  new population = np.copy(population)
  for i in range(0, N, 2):
     parents = np.array([tournament selection(population, fitness values) for in range(2)])
     # Кроссинговер
     if np.random.rand() < crossover rate:
       child1, child2 = crossover(parents[0], parents[1])
       child1, child2 = parents[0], parents[1]
```

```
# Мутация
    child1 = mutate(child1, mutation rate, x min, x max)
    child2 = mutate(child2, mutation rate, x min, x max)
    new population[i] = child1
    new population[i + 1] = child2
  population = new population
  best fitness history[generation] = best fitness
# Конец отсчета времени
execution time = time.time() - start time
# Вывод результатов для вашего алгоритма
print(fЛучшее найденное решение (мой ГА): ({best solution[0]}, {best solution[1]})')
print(f'3начение функции в этой точке (мой \GammaA): {best fitness}')
print(f'Время выполнения (мой ГА): {execution time} секунд')
# Встроенный ГА из SciPy для сравнения
start time = time.time()
result = differential evolution(lambda x: -fitness function(x.reshape(1, -1)),
                   bounds=[(x min, x max), (x min, x max)],
                   maxiter=generations, popsize=N, mutation=(0.5, 1.5),
recombination=crossover rate)
ga best solution = result.x
ga best fitness = -result.fun #Знак минус, т.к. мы максимизируем
ga execution time = time.time() - start time
# Вывод результатов для встроенного ГА
print(fЛучшее найденное решение (встроенный \GammaA): ({ga best solution[0]},
{ga best solution[1]})')
print(fЗначение функции в этой точке (встроенный ГА): {ga best fitness}')
print(f'Время выполнения (встроенный ГА): {ga execution time} секунд')
Для пункта 5:
n=2:
import numpy as np
from scipy.optimize import differential evolution
import time
# Параметры генетического алгоритма
N = 100 # Размер популяции
generations = 100 #Количество поколений
mutation rate = 0.05 # Вероятность мутации
crossover rate = 0.8 # Вероятность кроссинговера
# Диапазон значений х
```

```
x min = -100 # Измененный диапазон
х тах = 100 # Измененный диапазон
# Инициализация начальной популяции (двумерная)
population = (x max - x min) * np.random.rand(N, 2) + x min
# Функция, которую оптимизируем (функция Эасома)
def fitness function(x):
  return -np.cos(x[:, 0]) * np.cos(x[:, 1]) * np.exp(-((x[:, 0] - np.pi) ** 2 + (x[:, 1] - np.pi) ** 2))
best fitness history = np.zeros(generations)
best solution = population[0, :]
best fitness = fitness function(best solution.reshape(1, -1))
# Начало отсчета времени
start_time = time.time()
def tournament_selection(population, fitness_values):
  idx1, idx2 = np.random.randint(len(population), size=2)
  return population[idx1] if fitness values[idx1] < fitness values[idx2] else population[idx2]
def crossover(parent1, parent2):
  alpha = np.random.rand(2)
  child1 = alpha[0] * parent1 + (1 - alpha[0]) * parent2
  child2 = (1 - alpha[1]) * parent1 + alpha[1] * parent2
  return child1, child2
def mutate(individual, mutation rate, x min, x max):
  if np.random.rand() < mutation rate:
    return (x_max - x_min) * np.random.rand(2) + x_min # Изменен для 2D
  return individual
for generation in range(generations):
  # Оценка популяции
  fitness_values = fitness_function(population)
  # Поиск лучшего решения
  current best fitness = np.min(fitness values)
  best idx = np.argmin(fitness values)
  if current best fitness < best fitness:
    best fitness = current best fitness
    best_solution = population[best_idx, :]
  # Селекция: турнирный отбор
  new population = np.copy(population)
  for i in range(0, N, 2):
    parents = np.array([tournament selection(population, fitness values) for in range(2)])
```

```
# Кроссинговер
    if np.random.rand() < crossover rate:
      child1, child2 = crossover(parents[0], parents[1])
    else:
      child1, child2 = parents[0], parents[1]
    # Мутация
    child1 = mutate(child1, mutation rate, x min, x max)
    child2 = mutate(child2, mutation rate, x_min, x_max)
    new population[i] = child1
    new population[i + 1] = child2
  population = new population
  best fitness history[generation] = best fitness
# Конец отсчета времени
execution time = time.time() - start time
# Вывод результатов для вашего алгоритма
print(f'Лучшее найденное решение (мой ГА): ({best solution[0]}, {best solution[1]})')
print(f'Значение функции в этой точке (мой ГА): {best_fitness}')
print(f'Время выполнения (мой ГА): {execution time} секунд')
# Встроенный ГА из ЅсіРу для сравнения
start time = time.time()
result = differential evolution(lambda x: -fitness function(x.reshape(1, -1)),
                 bounds=[(x min, x max), (x min, x max)],
                 maxiter=generations, popsize=N, mutation=(0.5, 1.5),
recombination=crossover rate)
ga_best_solution = result.x
ga best fitness = -result.fun #Знак минус, т.к. мы максимизируем
ga_execution_time = time.time() - start_time
# Вывод результатов для встроенного ГА
print(f'Лучшее найденное решение (встроенный ГА): ({ga best solution[0]},
{ga best solution[1]})')
print(f'Значение функции в этой точке (встроенный ГА): {ga best fitness}')
print(f'Время выполнения (встроенный ГА): {ga execution time} секунд')
n = 3:
import numpy as np
```

from scipy.optimize import differential evolution

import time

```
# Функции для отбора, кроссинговера и мутации (ваш ГА)
def tournament selection(population, fitness values):
  # Турнирный отбор двух особей
  parents = np.zeros((2, 3)) # Определяем, что n = 3
  for i in range(2):
    idx = np.random.randint(len(population))
    parents[i] = population[idx]
  return parents
def crossover(parent1, parent2):
  # Одноточечный кроссинговер
  alpha = np.random.rand(3) # Определяем, что n = 3
  child1 = alpha * parent1 + (1 - alpha) * parent2
  child2 = (1 - alpha) * parent1 + alpha * parent2
  return child1, child2
def mutate(individual, mutation rate, x min, x max):
  # Мутация с заданной вероятностью
  if np.random.rand() < mutation rate:
    return (x max - x min) * np.random.rand(3) + x min # Определяем, что n = 3
  else:
    return individual
# Параметры генетического алгоритма
N = 100 # Размер популяции
generations = 100 # Количество поколений
mutation rate = 0.05 # Вероятность мутации
crossover rate = 0.8 # Вероятность кроссинговера
# Диапазон значений х
x min = -100
x max = 100
# Инициализация начальной популяции (трехмерная)
population = (x \text{ max - } x \text{ min}) * \text{np.random.rand}(N, 3) + x \text{ min}
# Функция Эйзома, которую оптимизируем
def fitness function(x):
  return -np.cos(x[:, 0]) * np.cos(x[:, 1]) * np.cos(x[:, 2]) * \setminus
      np.exp(-((x[:, 0] - np.pi) ** 2 + (x[:, 1] - np.pi) ** 2 + (x[:, 2] - np.pi) ** 2))
best fitness history = np.zeros(generations)
best solution = population[0, :]
best fitness = fitness function(population[0:1])[0]
# Начало отсчета времени
start time = time.time()
for generation in range(generations):
```

```
# Оценка популяции
  fitness values = fitness function(population)
  # Поиск лучшего решения
  current best fitness = np.min(fitness values)
  best idx = np.argmin(fitness values)
  if current best fitness < best fitness:
    best_fitness = current best fitness
    best solution = population[best idx, :]
  # Селекция: турнирный отбор
  new population = np.copy(population)
  for i in range(0, N, 2):
    parents = tournament selection(population, fitness values)
    # Кроссинговер
    if np.random.rand() < crossover rate:
       child1, child2 = crossover(parents[0], parents[1])
    else:
       child1 = parents[0]
       child2 = parents[1]
    # Мутация
    child1 = mutate(child1, mutation rate, x min, x max)
    child2 = mutate(child2, mutation rate, x min, x max)
    new population[i] = child1
    new population[i + 1] = child2
  population = new population
  best fitness history[generation] = best fitness
# Конец отсчета времени
execution time = time.time() - start time
# Вывод результатов для вашего алгоритма
print(fЛучшее найденное решение (мой \GammaA): x1 = {best solution[0]:.6f}, x2 =
{best solution[1]:.6f}, x3 = \{best solution[2]:.6f\}'\}
print(f'Значение функции в этой точке (мой \GammaA): {best fitness:.6f}')
print(fВремя выполнения (мой ГА): {execution time:.6f} секунд')
# Встроенный ГА из ЅсіРу для сравнения
def wrapped fitness function(x):
  return fitness function(np.array([x]))
start time = time.time()
result = differential evolution(wrapped fitness function, bounds=[(x min, x max)] * 3,
                   strategy='best1bin', maxiter=generations, popsize=N,
                   mutation=(0.5, 1), recombination=0.7)
```

```
ga_best_solution = result.x
ga_best_fitness = -result.fun # Знак минус, т.к. мы максимизируем
ga_execution_time = time.time() - start_time

# Вывод результатов для встроенного ГА
print(f'Лучшее найденное решение (встроенный ГА): x1 = {ga_best_solution[0]:.6f}, x2 = {ga_best_solution[1]:.6f}, x3 = {ga_best_solution[2]:.6f}')
print(f'Значение функции в этой точке (встроенный ГА): {ga_best_fitness:.6f}')
print(f'Время выполнения (встроенный ГА): {ga_execution_time:.6f} секунд')
```