Análisis Exploratorio de Datos

4A. Exploración de Datos mediante proyecciones

Nombre: David Aaron Ramirez Olmeda

Programa: Maestría en Ciencia de Datos e Información



Parte primera - Investigación

Comencemos con la investigación sobre t-SNE (t-Distributed Stochastic Neighbor Embedding) y SVD (Singular Value Decomposition) para comprender su funcionamiento y sus implementaciones existentes:

t-SNE (t-Distributed Stochastic Neighbor Embedding):

t-SNE es una técnica de reducción de dimensionalidad no lineal que se utiliza para visualizar datos de alta dimensión en un espacio de menor dimensión. Su objetivo principal es preservar las relaciones de similitud entre puntos en el datos originales al proyectarlos en un espacio de baja dimensión (comúnmente 2D o 3D).

Funcionamiento clave:

- t-SNE comienza por calcular probabilidades condicionales que representan similitudes entre puntos en el espacio de alta dimensión.
- Luego, construye un espacio de baja dimensión y calcula probabilidades similares para los mismos puntos en ese espacio.
- A continuación, ajusta el espacio de baja dimensión para minimizar la divergencia entre las probabilidades condicionales en ambos espacios.
- Este proceso ayuda a agrupar puntos similares en el espacio de baja dimensión, lo que facilita su visualización.

Implementaciones existentes:

 En Python, puedes utilizar la biblioteca Scikit-learn para aplicar t-SNE en tus datos. La función TSNE de Scikit-learn es una implementación ampliamente utilizada.

SVD (Singular Value Decomposition):

SVD es una técnica matemática que factoriza una matriz en tres matrices distintas: U, Σ (sigma), y V^T, donde U y V son matrices unitarias, y Σ es una matriz diagonal que contiene los valores singulares. SVD se utiliza comúnmente en álgebra lineal y análisis de datos.

Funcionamiento clave:

 SVD descompone una matriz de datos en componentes principales que capturan la variabilidad en los datos.

- Los valores singulares en Σ indican la importancia de cada componente principal.
- Puedes seleccionar un número reducido de componentes principales para reducir la dimensionalidad de los datos mientras mantienes la mayor cantidad posible de información.

Implementaciones existentes:

 En Python, NumPy ofrece una implementación de SVD. También puedes utilizar la biblioteca Scikit-learn, que proporciona herramientas para aplicar SVD y PCA (que utiliza SVD internamente) en tus datos.

A continuación, te proporciono los ejemplos y recursos relacionados con t-SNE y SVD:

Ejemplo de t-SNE en Python:

Puedes encontrar un ejemplo práctico de t-SNE en Python en el siguiente recurso:

Guía de t-SNE en Python (https://builtin.com/data-science/tsne-python)

Esta guía proporciona un tutorial paso a paso sobre cómo aplicar t-SNE utilizando Python y la biblioteca Scikit-learn. Incluye ejemplos de código y visualizaciones para ayudarte a comprender cómo utilizar t-SNE análisis de datos.

Guía para principiantes de Truncated SVD:

Para obtener información sobre SVD y su uso en la reducción de dimensionalidad, puedes consultar la siguiente guía:

<u>Guía para principiantes de Truncated SVD para reducción de dimensionalidad</u>
(https://analyticsindiamag.com/beginners-guide-to-truncated-svd-for-dimensionality-reduction/)

En esta guía, encontrarás una explicación clara de cómo funciona el SVD truncado (Truncated SVD) y cómo se aplica para reducir la dimensionalidad de tus datos. También se discuten los conceptos clave, como el número de componentes principales a seleccionar y cómo interpretar los resultados.

Parte segunda - Análisis de datos sobre datos? csv

```
In [1]: import os
   import pandas as pd
   import matplotlib.pyplot as plt

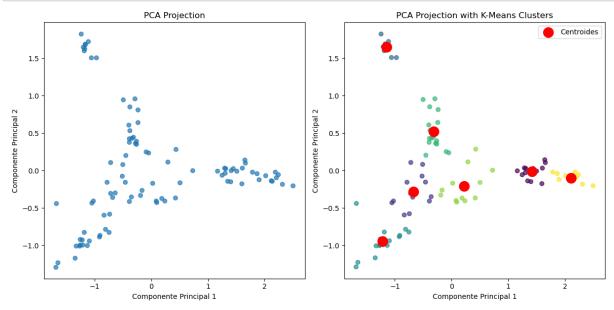
from sklearn.decomposition import PCA
   from sklearn.manifold import TSNE

from sklearn.cluster import KMeans
   from sklearn.manifold import MDS
```

```
In [2]: cwd = os.getcwd()
data=pd.read_csv(os.path.join(cwd, 'data/datos2.csv')).values[1:,1:]
data.shape
```

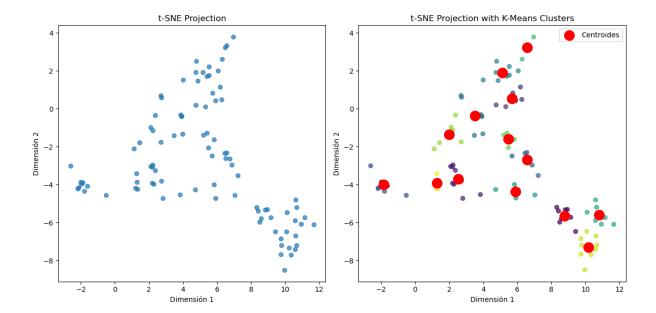
```
Out[2]: (94, 110)
```

```
In [3]: # Aplicar PCA para reducir a 2 dimensiones
        pca = PCA(n components=2)
        data_pca = pca.fit_transform(data)
        # Definir el número de clusters que deseas encontrar
        num clusters = 7 # Puedes ajustar este número según tu criterio
        # Aplicar K-Means
        kmeans = KMeans(n_clusters=num_clusters)
        clusters = kmeans.fit_predict(data_pca)
        # Crear dos subplots uno al lado del otro
        plt.figure(figsize=(12, 6))
        # Primer subplot: Proyección PCA original
        plt.subplot(1, 2, 1)
        plt.scatter(data_pca[:, 0], data_pca[:, 1], marker='o', alpha=0.7)
        plt.title('PCA Projection')
        plt.xlabel('Componente Principal 1')
        plt.ylabel('Componente Principal 2')
        # Segundo subplot: Proyección PCA con K-Means Clusters
        plt.subplot(1, 2, 2)
        plt.scatter(data_pca[:, 0], data_pca[:, 1], c=clusters, cmap='viridis', m
        plt.scatter(kmeans.cluster_centers_[:, 0], kmeans.cluster_centers_[:, 1],
        plt.title('PCA Projection with K-Means Clusters')
        plt.xlabel('Componente Principal 1')
        plt.ylabel('Componente Principal 2')
        plt.legend()
        # Mostrar los subplots
        plt.tight_layout()
        plt.show()
```

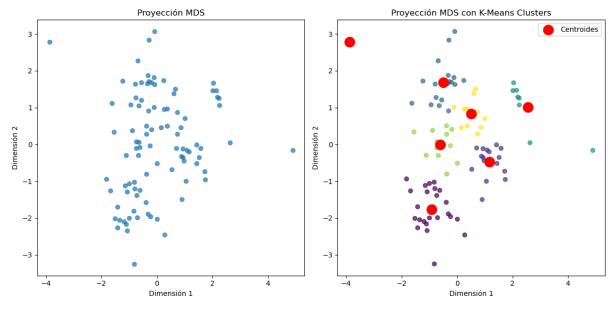


```
In [4]: # Aplicar t-SNE para reducir a 2 dimensiones
        tsne = TSNE(n components=2)
        data_tsne = tsne.fit_transform(data)
        # Definir el número de clusters que deseas encontrar
        num clusters = 14 # Puedes ajustar este número según tu criterio
        # Aplicar K-Means
        kmeans = KMeans(n clusters=num clusters)
        clusters = kmeans.fit_predict(data_tsne)
        # Crear dos subplots uno al lado del otro
        plt.figure(figsize=(12, 6))
        # Primer subplot: Proyección t-SNE original
        plt.subplot(1, 2, 1)
        plt.scatter(data_tsne[:, 0], data_tsne[:, 1], marker='o', alpha=0.7)
        plt.title('t-SNE Projection')
        plt.xlabel('Dimensión 1')
        plt.ylabel('Dimensión 2')
        # Segundo subplot: Proyección t-SNE con K-Means Clusters
        plt.subplot(1, 2, 2)
        plt.scatter(data_tsne[:, 0], data_tsne[:, 1], c=clusters, cmap='viridis',
        plt.scatter(kmeans.cluster_centers_[:, 0], kmeans.cluster_centers_[:, 1],
        plt.title('t-SNE Projection with K-Means Clusters')
        plt.xlabel('Dimensión 1')
        plt.ylabel('Dimensión 2')
        plt.legend()
        # Mostrar los subplots
        plt.tight_layout()
        plt.show()
```

```
/Users/aaron/opt/anaconda3/lib/python3.9/site-packages/sklearn/manifol d/_t_sne.py:780: FutureWarning: The default initialization in TSNE will change from 'random' to 'pca' in 1.2.
   warnings.warn(
/Users/aaron/opt/anaconda3/lib/python3.9/site-packages/sklearn/manifol d/_t_sne.py:790: FutureWarning: The default learning rate in TSNE will change from 200.0 to 'auto' in 1.2.
   warnings.warn(
```



```
In [12]: # Aplicar MDS para reducir a 2 dimensiones
         mds = MDS(n components=2)
         data_mds = mds.fit_transform(data)
         # Supongamos que 'data mds' contiene tus datos proyectados en 2D
         # Definir el número de clusters que deseas encontrar
         num clusters = 7 # Puedes ajustar este número según tu criterio
         # Aplicar K-Means
         kmeans = KMeans(n clusters=num clusters)
         clusters = kmeans.fit_predict(data_mds)
         # Crear dos subplots uno al lado del otro
         plt.figure(figsize=(12, 6))
         # Primer subplot: Datos proyectados en 2D sin K-Means
         plt.subplot(1, 2, 1)
         plt.scatter(data mds[:, 0], data mds[:, 1], marker='o', alpha=0.7)
         plt.title('Proyección MDS')
         plt.xlabel('Dimensión 1')
         plt.ylabel('Dimensión 2')
         # Segundo subplot: Datos proyectados en 2D con K-Means
         plt.subplot(1, 2, 2)
         plt.scatter(data_mds[:, 0], data_mds[:, 1], c=clusters, cmap='viridis', m
         plt.scatter(kmeans.cluster_centers_[:, 0], kmeans.cluster_centers_[:, 1],
         plt.title('Proyección MDS con K-Means Clusters')
         plt.xlabel('Dimensión 1')
         plt.ylabel('Dimensión 2')
         plt.legend()
         # Mostrar los subplots
         plt.tight_layout()
         plt.show()
```



Hemos aplicado técnicas de reducción de dimensionalidad, como PCA (Análisis de Componentes Principales), t-SNE (t-Distributed Stochastic Neighbor Embedding), y MDS (Multidimensional Scaling), para visualizar los datos de alta dimensión contenidos en datos2.csv en un espacio de menor dimensión (2D). Además, hemos utilizado el algoritmo K-Means para agrupar los puntos en clusters en el espacio de menor dimensión. Esta representación visual nos permite identificar patrones y estructuras en los datos, lo que sugiere que es posible encontrar una estructura en los datos contenidos en datos2.csv.

Sí, es posible encontrar una estructura en los datos contenidos en datos2.csv mediante la reducción de dimensionalidad y la visualización de los datos en un espacio de menor dimensión, así como la identificación de clusters usando K-Means, tema visto en otros cursos de la MCDI y que nos ayuda en este caso en particular.

Parte tercera - Selecciona un dataset de al menos dimensión 20 de su interés y propón/realiza un análisis basado en métodos de proyección.

Utilizaremos una parte de los datos proporcionados por INEGI sobre accidentes de tránsito terrestre en zona urbanas. Esta elección se debe a que es la naturaleza y elección de mi proyecto de investigación de otra materia en la MCDI. Aprovecharemos este espacio para empezar a manipular dichos datos.

```
In [16]: cwd = os.getcwd()
df=pd.read_csv(os.path.join(cwd, 'data/Copia de atus_anual_2022.csv'))
```

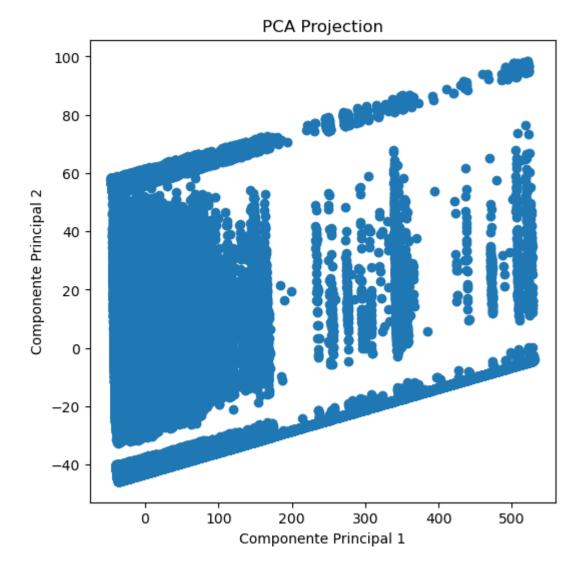
In [17]: df.describe()

Out[17]:

	ID_ENTIDAD	ID_MUNICIPIO	ANIO	MES	ID_HORA	ID_MINUTO	
count	392710.000000	392710.000000	392710.0	392710.000000	392710.000000	392710.000000	392
mean	16.864541	41.801485	2022.0	6.614703	13.561855	25.046179	
std	7.820926	58.080481	0.0	3.417281	6.207174	18.067664	
min	1.000000	1.000000	2022.0	1.000000	0.000000	0.000000	
25%	11.000000	13.000000	2022.0	4.000000	9.000000	10.000000	
50%	19.000000	30.000000	2022.0	7.000000	14.000000	25.000000	
75%	22.000000	46.000000	2022.0	10.000000	19.000000	40.000000	
max	32.000000	570.000000	2022.0	12.000000	23.000000	59.000000	

8 rows × 33 columns

```
In [20]: import os
         import pandas as pd
         import matplotlib.pyplot as plt
         from sklearn.decomposition import PCA
         from sklearn.manifold import TSNE
         from sklearn.preprocessing import StandardScaler, LabelEncoder, OneHotEnc
         from sklearn.compose import ColumnTransformer
         from sklearn.pipeline import Pipeline
         # Obtener el directorio actual
         cwd = os.getcwd()
         # Cargar los datos desde el archivo CSV
         df = pd.read_csv(os.path.join(cwd, 'data/Copia de atus_anual_2022.csv'))
         # Separar las columnas categóricas de las numéricas
         columnas_numericas = df.select_dtypes(include=['int64', 'float64']).colum
         columnas_categoricas = df.select_dtypes(include=['object']).columns
         # Crear un transformador para las columnas categóricas
         transformador categorico = Pipeline(steps=[
             ('onehot', OneHotEncoder(sparse=False, handle_unknown='ignore'))
         ])
         # Combinar transformadores para todas las columnas
         preprocessor = ColumnTransformer(
             transformers=[
                 ('num', 'passthrough', columnas_numericas),
                 ('cat', transformador_categorico, columnas_categoricas)
             1)
         # Crear un pipeline con preprocesamiento y PCA
         pipeline = Pipeline(steps=[('preprocessor', preprocessor),
                                    ('pca', PCA(n_components=2))])
         # Aplicar el pipeline
         data_pca = pipeline.fit_transform(df)
         # Visualizar los datos proyectados con PCA
         plt.figure(figsize=(6, 6))
         plt.scatter(data_pca[:, 0], data_pca[:, 1])
         plt.title('PCA Projection')
         plt.xlabel('Componente Principal 1')
         plt.ylabel('Componente Principal 2')
         plt.show()
```



Conclusiones

Además de realizar el análisis de reducción de dimensionalidad en datos de accidentes del INEGI, también trabajamos en ejercicios previos relacionados con la proyección de datos utilizando técnicas como PCA y t-SNE. En esos ejercicios, aplicamos estas técnicas a conjuntos de datos ficticios y reales para visualizar cómo se pueden utilizar estas técnicas en diferentes contextos. Así, hemos explorado la utilidad de la reducción de dimensionalidad para comprender y visualizar datos complejos en diversas situaciones.

Referencias

- https://www.inegi.org.mx/programas/accidentes/#herramientas (https://www.inegi.org.mx/programas/accidentes/#herramientas)
- https://scikit-learn.org/stable/auto_examples/neighbors/plot_nca_dim_reduction.html (https://scikit-learn.org/stable/auto_examples/neighbors/plot_nca_dim_reduction.html)