## Relatório Estatística Multivarida I

## Thiago Tavares Lopes

## 12 dezembro 2024

## Atividade

1) Um novo método de aprendizado foia plicado a 8 alunos de uma escola. Foram obtidas notas antes e depois da aplicação do novo método nas disciplinas de matemática e biologia. Podemos afirmar que houve diferença entre antes de depois?

```
dados <- data.frame(</pre>
  Individuo = 1:8,
  Matematica_Antes = c(8.9, 7.5, 5.6, 5.0, 6.5, 6.0, 6.9, 6.3),
  Biologia_Antes = c(4.4, 4.3, 7.4, 4.8, 4.8, 5.6, 4.3, 7.0),
  Matematica_Depois = c(8.3, 7.0, 8.4, 8.7, 7.7, 6.3, 7.1, 9.2),
  Biologia_Depois = c(7.8, 8.7, 8.7, 8.1, 6.8, 6.0, 6.6, 7.8)
)
# Diferenças (Depois - Antes)
dif \leftarrow dados[, 4:5] - dados[, 2:3]
#Teste T^z de Hotelling
# library(ICSNP)
# resultado <- HotellingsT2(dif)</pre>
# resultado
library(rrcov)
## Carregando pacotes exigidos: robustbase
## Scalable Robust Estimators with High Breakdown Point (version 1.7-6)
T2.test(dif)
##
    One-sample Hotelling test
##
## data: dif
## T2 = 35,6, F = 15,3, df1 = 2, df2 = 6, p-value = 0,0044
## alternative hypothesis: true mean vector is not equal to (0, 0)'
##
## sample estimates:
##
                  Matematica_Depois Biologia_Depois
## mean x-vector
                               1,25
                                              2,2375
```

Resposta: O valor-p associado ao teste é 0,0044, indicando que rejeitamos a hipótese nula.

2) Considere os dados abaixo, coletados para dois grupos independentes (A e B) com relação às variáveis comprimento, peso e volume.

```
# Dados do Grupo A
grupo A <- data.frame(</pre>
  Comprimento = c(13.53, 18.92, 10.91, 13.92, 13.38, 12.35, 13.97),
  Peso = c(19.22, 17.77, 15.99, 11.38, 18.7, 11.7, 18.46),
 Volume = c(17.7, 14.72, 11.5, 11.32, 12.37, 19.23, 16.23)
)
# Dados do Grupo B
grupo_B <- data.frame(</pre>
  Comprimento = c(16.3, 14.65, 14.18, 16.86, 16.14, 15.77, 18.2),
  Peso = c(13.2, 12.81, 15.29, 11.77, 13.65, 11.23, 13.56),
 Volume = c(11.5, 17.96, 16.91, 11.5, 14.94, 18.17, 15.46)
)
# Cálculo das médias
media_A <- colMeans(grupo_A)</pre>
media_B <- colMeans(grupo_B)</pre>
media_A
## Comprimento
                       Peso
                                  Volume
        13,854
                                  14,724
##
                     16,174
media B
## Comprimento
                       Peso
                                  Volume
                     13,073
        16.014
##
                                  15,206
# Matriz de covariância combinada
n_A <- nrow(grupo_A)</pre>
n_B <- nrow(grupo_B)</pre>
Sp \leftarrow ((n_A - 1) * cov(grupo_A) + (n_B - 1) * cov(grupo_B)) / (n_A + n_B - 2)
Sp
##
                Comprimento
                                Peso
                                       Volume
## Comprimento
                    3,98471 0,82785 -0,70688
## Peso
                    0,82785 6,42748 0,43554
## Volume
                   -0,70688 0,43554 8,81908
# Teste T^2 de Hotelling
resultado_grupos <- T2.test(grupo_A, grupo_B)</pre>
resultado_grupos
##
##
   Two-sample Hotelling test
##
## data: grupo_A and grupo_B
## T2 = 11,73, F = 3,26, df1 = 3, df2 = 10, p-value = 0,068
## alternative hypothesis: true difference in mean vectors is not equal to (0,0,0)
## sample estimates:
##
                  Comprimento
                                 Peso Volume
## mean x-vector
                       13,854 16,174 14,724
                       16,014 13,073 15,206
## mean y-vector
Resposta: A média do grupo A: comprimento(13.854), Peso(16,174), Volume(14,724)
Media do grupo B: comprimento(16,014), Peso(13,073), Volume(15,206)
como o p-valor foi de 0,068 não rejeitamos H0.
```

3) Um teste foi realizado com 15 pessoas, em que foram avaliados o nível de Ansiedade, de Cortisol e também o escore da qualidade do sono.

```
# Dados
dados_q3 <- data.frame(</pre>
  Ansiedade = c(42, 38, 44, 40, 37, 41, 43, 39, 42, 38, 41, 40, 39, 43, 37),
  Cortisol = c(26, 24, 27, 25, 24, 26, 28, 25, 27, 24, 26, 25, 23, 28, 24),
  Qualidade_Sono = c(6.5, 7.2, 6.8, 7.0, 7.5, 6.9, 6.4, 7.3, 6.6, 7.1, 6.7, 7.4, 7.0, 6.8, 7.6)
)
# Matriz de correlação
correlacao <- cor(dados_q3)</pre>
print(correlacao)
##
                   Ansiedade Cortisol Qualidade Sono
## Ansiedade
                     1,00000 0,90222
                                             -0,83173
## Cortisol
                     0,90222 1,00000
                                             -0,73359
## Qualidade_Sono -0,83173 -0,73359
                                              1,00000
# Teste de significância das correlações
library(psych)
cortest.bartlett(dados_q3)
## R was not square, finding R from data
## $chisq
## [1] 34,844
##
## $p.value
## [1] 0,00000013145
##
## $df
## [1] 3
# Hipótese nula: vetor de médias igual a (39, 25, 7.0)
mu_hipotetico \leftarrow c(39, 25, 7.0)
# Teste T<sup>2</sup> de Hotelling
resultado_q3 <- T2.test(dados_q3, mu = mu_hipotetico)</pre>
print(resultado_q3)
##
##
    One-sample Hotelling test
##
## data: dados_q3
## T2 = 18,12, F = 5,18, df1 = 3, df2 = 12, p-value = 0,016
## alternative hypothesis: true mean vector is not equal to (39, 25, 7)'
##
## sample estimates:
##
                  Ansiedade Cortisol Qualidade_Sono
## mean x-vector
                     40,267
                              25,467
                                              6,9867
```

- A) Pelo teste de Bartlett o p-valor é menor que 0,05, logo rejeitamos H0 e matriz de correlação é significativamente diferente de uma matriz identidade. Ou seja, há correlação entre as variáveis.
- B) Como o p-valor foi menor que 0.05, rejeitamos H0 e podemos dizer que o vetor de amostras é diferente do valor da população.
- 4) A tabela abaixo apresenta os dados fornecidos, organizados por tratmentos (variedades), altura das plantas e número de frutos. Execute uma análise de variância multivariada para comparar as variedas.

```
dados_q4 <- data.frame(</pre>
  Variedade = c("A", "B", "C", "D", "A", "B", "C", "D", "A", "B", "C", "D"),
 Altura_Plantas = c(45.2, 46.5, 47.0, 42.1, 43.0, 42.5, 50.1, 49.8, 51.2, 40.5, 41.0, 40.8),
 Numero_Frutos = c(15, 14, 16, 12, 13, 11, 17, 18, 16, 10, 9, 8)
)
# MANOVA
manova_result <- manova(cbind(Altura_Plantas, Numero_Frutos) ~ Variedade, data = dados_q4)</pre>
summary(manova_result)
##
             Df Pillai approx F num Df den Df Pr(>F)
## Variedade 3 0,147
                        0,211
                                     6
                                            16
                                                 0,97
## Residuals
#summary.aov(manova_result) # Análise de variância univariada para cada variável
```

O teste da MANOVa indicou que as variedades não tem efeito significativos nas variáveis analisadas