

Relatório do Projeto de IA



Feito por: Miguel Salgado nº22002195 e Tiago Catano nº22002128

Docente: Francisco Melo Pereira e Tiago Candeias

Cadeira: Inteligência Artificial Curso: Engenharia Informática

Ano: 2022/2023



Índice

Introdução	3
Bibliotecas	
DataSet	
Código	
Resultados	
Conclusão	
Bibliografia	19



Introdução

Na cultura pop existem centenas senão milhares de histórias que rondam o assunto inteligência artificial, alguns exemplos são: Matrix, I Robot, Terminator e Avengers: Age of Ultron. No qual o ponto comum entre quase todas é que as máquinas estão num estagio tão avançado de inteligência que decidiram-se virar contra a sociedade humana, porém na vida real não chegamos a esse ponto, todavia podemos dizer que a inteligência artificial como a conhecemos tem evoluído muito rapidamente, desde a sua primeira menção nos anos 40, onde Warren McCulloch e Walter Pitts descreve redes neuronais e estruturas de raciocínios artificial, até os dias de hoje, no qual já existe um modelo muito conhecido a nivel global, o famoso "ChatGPT", que vai na sua 4ª versão. Existe já quem diga que a nova revolução industrial virá devido ao boom da inteligência artificial.

Neste projeto não iremos criar nenhuma máquina que pretenda terminar com a raça humana, aquilo que propomos é a criação de um modelo que consiga distinguir músicas pelo seu género musical. Para a realização deste projeto será então realizado o desenvolvimento e implementação de um sistema de classificação automatizado (sistema completamente autónomo) de géneros musicais, fazendo uso de CNN (Convolution Neural Network). É proposto a utilização de técnicas de Deep Learning para a analise e extração de dados importantes de músicas tendo por fim categorizá-las por género musical.



Bibliotecas

Pandas

 Biblioteca, que serve para manipulação e análise de dados, este aplica uma estrutura de dados chamada DataFrame (estrutura de dados tabular composta por colunas e linhas).

Librosa

 Biblioteca utilizada para análise de áudio e processamento de sinais de áudio. Esta poder ler vários tipos de ficheiro áudio, WAV, MP3 e FLAC. Após uma leitura destes, Librosa fornece vários métodos de extração de dados, tais como espectrogramas, cronogramas e MFCCS (Mel frequency cepstral coefficients). O Librosa é frequentemente utilizado em conjunto com outras bibliotecas processamento de dados em Python, tais como NumPy, SciPy e Matplotlib.

Keras

Utilizada para criação de redes neurais de maneira percetível.
 Este permite classificar imagens, o processar de linguagem, áudio e também permite fazer a previsão de tempo.

Sklearn

Biblioteca usada para a mineração de dados e analise destes.
 Esta possui vários algoritmos, como por exemplo regressão logística, árvore de decisão, random forest e redes neurais.

Seaborn

- Biblioteca usada para visualização de dados em python, esta cria uma interface onde é mostrador vários tipos de gráficos estatísticos. Tipos de Gráficos:
 - Gráficos de distribuição;
 - Gráficos de dispersão;
 - Gráficos de barras.

Matplotlib

 Biblioteca que serve para visualização de dados em python, podendo também criar gráficos, mapas de calor, histogramas.

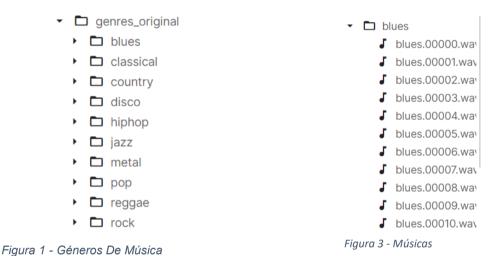


DataSet

GTZAN Dataset - Music Genre Classification, apresenta informação sobre uma variedade de gêneros musicais, oferecendo uma visão geral de suas principais características e elementos musicais característicos. No entanto o elemento que utilizaremos existente neste dataset são as próprias músicas.

Este apresenta um total de 1000 músicas, sendo elas dividas em categorias, tais como Blues, Classical, country, disco, Rock e ETC....

Uma das razões pela escolha deste dataset foi a sua múltipla utilização em outros projetos similares ao nosso, permitindo ter um dataset fidedigno, para adquisição de dados, necessários.





Código

Neste capítulo será explicado como foi a implementação da leitura dos dados, o seu pré-processamente, a sua separação dos dados de treino e validação e por fim o treino e teste do modelo CNN.

```
# abrir musicar e pré-processar melspectogram
import pandas as pd
import os
import numpy as np
musicGender = os.listdir("musics") # returns list
genderlabel = []
musicData = []
for gender in musicGender:
   genderMusics = os.listdir('./musics/{}'.format(gender))
    for music in genderMusics:
       genderlabel.append(gender)
       amplitude, sr = mimosa.load('./musics/{}'.format(gender)+'/{}'.format(music), offset=15, duration=15)
       melSpec = mimosa.feature.melspectrogram(y = amplitude, sr=sr, n_mels=128, fmax=8000)
       melSpec_to_db = mimosa.power_to_db(melSpec, ref=np.max)
       resized_melSpec = np.resize(melSpec_to_db, (melSpec_to_db.shape[0], 1293))
       musicData.append(resized melSpec)
mfcc_specData=np.stack(musicData)
musicData=np.arrav(musicData)
genderlabel=np.array(genderlabel)
```

Figura 4 - Música e Pré Processar do Melspectogram

Nesta parte do código é feito o processamento das músicas adquiridas no dataset e a extração de recursos na espectrograma para cada música. Esta usa várias bibliotecas, tais como OS, Librosa e Numpy. No código é inicializado duas listas vazias que depois vão guardar os dados pretendidos. O código inicializa duas listas vazias, **genderlabel** para armazenar os gêneros das músicas e a **musicData** para armazenar os dados da espectrograma mel de cada música.

Após a inicialização das listas é executado a função **os.listdir()** para obter as musicas por cada género. Dentro do loop, o código repete sobre os arquivos de música em cada género, para cada música esta é dada a sua categoria/género.

Em seguida, o código executa a função **mimosa.load()** para obter a amplitude e a taxa de amostragem, para todas as musicas, sendo também



indicado que a leitura da musica começará nos 15 segundos finais, é depois calculado o espetrograma para cada música usando o mimosa.feature.melspectrogram(). A espectrograma mel é uma representação visual do espectro de frequência da música ao longo do tempo.

Após a aquisição do espectrograma mel, este é convertido para decibéis usando **mimosa.power_to_db()**, normalizando os valores do espectrograma. É usado o **np.resize()**, para o redimensionamento do espetrograma dando a ele uma forma fixa, pois cada música tem um formato próprio, desta forma ficam todas com um formato standard.

Por fim, a espectrograma mel redimensionado é adicionado à lista **musicData**, criando uma lista de espectrogramas mel correspondentes às músicas processadas.

```
import sklearn.preprocessing as preProSkL

labelEncoder = preProSkL.LabelEncoder()
labelEncoded = labelEncoder.fit(genderlabel)
labelEncodedTrans = labelEncoded.transform(genderlabel)
```

Figura5- Enconding das Categorias

No código a cima é feito a codificação dos géneros, usando como fonte de tal codificação o **sklearn.preprocessing**.

Na primeira linha é demonstrado o responsável pelo transformar dos textos em valores numéricos. Na segunda linha é apresentado labelEncoder.fit(), que vai ter como argumento a nossa lista de géneros, genderlabel, este método ira preparar os géneros para a codificação, na terceira linha onde ira acontecer a transformação dos géneros em valores numéricos que irão corresponder ao diferentes tipos de género utilizado.



```
# Normalização Min Max

indexMin=0
indexMax = 100

normalized_data = []
numCategories = int( len(labelEncodedTrans)/ 100)

for i in range(numCategories):

   max = mfcc_specData[indexMin:indexMax].max()
   min = mfcc_specData[indexMin:indexMax].min()

   for music in musicData[indexMin:indexMax]:

        xScaled = (music - min) / (max - min)
        normalized_data.append(xScaled)

indexMin += 100
indexMax += 100

normalized_data=np.array(normalized_data)
```

Figura 6 - Normalização de Valores

Na imagem de código demonstrada em cima é criado duas variáveis que são **indexMin** e **indexMax** que vão servir para gerir o número de faixas de músicas a serem normalizadas, juntamente com esta é criado uma lista chamada **normalized_data**, que como o nome indica vai servir para guardar os dados normalizados. O **numCategories** irá calcular, a quantidade de categorias lidas pelo programa, através da quantidade de labels codificados dividindo eles por 100, depois irá ser realizado um loop, no qual será adquirido a valor mínimo e o valor máximo de cada categoria, com base no intervalo de dados obtidos pelas variáveis **indexMin** e **indexMax**, com base nesta informação dentro do loop seguinte, realizado para cada musica da categoria atual, é realizada a normalização das mesmas utilizando a formula (X – Xmin) / (Xmax – Xmin).

Por fim estes dados iriam ser armazenado na lista mencionada anteriormente, **normalized_data**. As variáveis usadas **indexMin** e **indexMax**, são aumentadas em 100 pois cada categoria neste projeto contem 100 músicas.

Anteriormente para normalização dos valores tinha sido usado outro método que implicava o uso da média do dataset para a normalização dos valores pretendidos, este normalizava todos os dados independentemente do seu género, já a normalização min max, verifica para cada genro o seu ponto máximo e mínimo e normaliza somente os dados desse género. Por fim provouse que a normalização min max é mais adequado aos dados que procuramos.



```
# # criados dos plots/imagens através dos dados normalizados
# import matplotlib.pyplot as pyplot
# musicCounter = 0
# path = './musicsPlts'
# if not os.path.exists(path):
# os.mkdir(path)

# for gender in musicGender:
# genderPath = '{}'.format(path) + '/{}'.format(gender)
# if not os.path.exists(genderPath):
# os.mkdir(genderPath)

# for index in range(len(normalized_data)):
# fig, ax = pyplot.subplots()
# img = mimosa.display.specshow(normalized_data[index], x_axis='time', y_axis='mel', sr=sr, fmax=8000, ax=ax)
# fig.colorbar(img, ax=ax, format='%+2.0f dB')

# ax.set(title='Mel-frequency spectrogram')
# if index % 100 == 0:
# musicCounter = 0
# pyplot.savefig('{}'.format(path) + '/{}'.format(genderlabel[index]) + '/{}'.format(musicCounter) + '.png')
# musicCounter +=1
```

Figura 6.1 - Gráficos de Imagem Espectral

O código referido na figura em cima é utilizado para gerar os gráficos de imagem espectral utilizando os dados normalizados para cada música, estes depois de gerados são guardados no diretório musicsPlots, organizados em pastas por género musical.

```
# separação antiga dos dados de treino e teste
# import sklearn.model_selection as modelSelec
# X_train, X_test, y_train, y_test = modelSelec.train_test_split(normalized_data, labelEncodedTrans, test_size=0.25, random_
# X_train, X_test, y_val, y_val = modelSelec.train_test_split(mfcc_specData, labelEncodedTrans, test_size=0.5, random_sta
# X_test,X_validation,y_test,y_validation=modelSelec.train_test_split(X_test,y_test,test_size=0.2, random_state=42)
```

Figura 6.2 - Antigo treino

Inicialmente esta era a forma utilizada para a divisão de dados do treino e do teste, através do método **train_test_split** e a **validation**.

```
# # formato dos dados para modelo antigo
# print(X_train.shape)
# input_shape=(X_train.shape[1],X_train.shape[2],1)
# print(X_train.shape)
# print(input_shape)
```

Figura 6.3 - Formatação de Dados



Neste módulo, era realizada a formatação dos dados para o do primeiro modelo usado.

```
# from sklearn.model_selection import KFold
# from tensorflow import keras
# import matplotlib.pyplot as pyplot
# acc_per_fold = []
# loss_per_fold = []
# input_shape=(normalized_data.shape[1],normalized_data.shape[2],1)
# fold_no = 1
# kf = KFold(n_splits=3, random_state=42, shuffle=True)
# for train, test in kf.split(normalized_data):
# model=keras.Sequential()
        #1st layer
model.add(keras.layers.Conv2D(8,(3,3),activation="relu",input_shape=input_shape))
model.add(keras.layers.MaxPool2D((3,3),strides=(2,2),padding="same"))
model.add(keras.layers.BatchNormalization())
         # #2nd layer
# model.add(keras.layers.Conv2D(8,(3,3),activation="relu"))
# model.add(keras.layers.MaxPool2D((3,3),strides=(2,2),padding="same")) #pooling
# model.add(keras.layers.BatchNormalization())
         # #3rd Layer
# model.add(keras.Layers.Comv2D(8,(1,1),activation="relu"))
# model.add(keras.Layers.MaxPool2D((1,1),strides=(1,1),padding="same")) #pooling
# model.add(keras.Layers.BatchWormalization())
           # modeL.add(keras.Layers.FLatten())

# modeL.add(keras.Layers.Dense(8,activation="reLu"))

# modeL.add(keras.Layers.Dropout(0.3))
           Noutput Layer
model.add(keras.Layers.Dense(3,activation="softmax"))
           optimizer=keras.optimizers.Adam(learning_rate=0.0001)
            model.compile(optimizer=optimizer,
loss="sparse_categorical_crossentropy",
metrics=['accuracy'])
           # normalized_data[train] = normalized_data[train].reshape((-1, normalized_data[train].shape[1], normalized_data[train].history = model.fit(normalized_data[train],labelEncodedTrans[train],epochs=25, validation_data=(normalized_data[test]
         testError, testAccuracy = model.evaluate(normalized_data[test], labelEncodedTrans[test])
print("Accuracy on test set is:{}".format(testAccuracy))
          print(f'Score \ for \ fold\ \{fold\_no\}:\ \{model.metrics\_names[\theta]\}\ \ of\ \{testError\};\ \{model.metrics\_names[1]\}\ \ of\ \{testAccuracy*.acc\_per\_fold.append(testAccuracy*.199)\ \ loss\_per\_fold.append(testError)
          W Increase fold number
fold_no = fold_no + 1
 # print('----
# print('Score per fold')
     for i in range(0, len(acc_per_fold)):
          print(f'- rold {i+1} - Loss: {Loss_per_fold[i]} - Accuracy: {acc_per_fold[i]}%')
print(f'- rold {i+1} - Loss: {Loss_per_fold[i]} - Accuracy: {acc_per_fold[i]}%')
print(f'- Accuracy: {np.mean(acc_per_fold)} (+- {np.std(acc_per_fold)})')
print(f'- Loss: {np.mean(Loss_per_fold)}')
print(f'- Loss: {np.mean(Loss_per_fold)}')
```

Figura 7 - K-FOLDS Versão Anterior

Na figura 7 é mostrada a versão anterior dos K-FOLDS, decidimos não utilizar esta devido as funcionalidades limitadas, sendo uma delas a limitação de categorias selecionadas nesta função. Sendo assim optamos por utilizar outro



método que permite adicionar categorias extras, filtras os dados, como se pode ver na figura 9.

Anterior a este modelo era usado um similar, no qual a separação realizada, é explicada na figura 6.2, não sendo necessário a realização do ciclo for no K-Fold, pois ambas tinham como função a separação dos dados. Esse modelo deixou-se de ser usado, devido a problemas de overfitting.

```
# # treino do modelo antigo

# X_train = X_train.reshape((-1, X_train.shape[1], X_train.shape[2], 1))
# print(X_train.shape[0])
# # history = model.fit(X_train,y_train,epochs=35, validation_data=(X_validation, y_validation))
# history = model.fit(X_train,y_train,epochs=35, validation_data=(X_test, y_test))
```

Figura 7.1 - Treino do Modelo

Neste modulo os dados eram novamente formatados e de seguida era realizado o treino do modelo e a sua validação.

```
# # validação do modelo antigo

# import matplotlib.pyplot as pyplot

# print(history.history)

# testError, testAccuracy = model.evaluate(X_test, y_test)
# print("Accuracy on test set is:{}".format(testAccuracy))

# pyplot.plot(history.history['accuracy'], label='train_accuracy')
# pyplot.plot(history.history['val_accuracy'], label = 'val_accuracy')
# pyplot.xlabel('Epoch')
# pyplot.ylabel('Accuracy')
# pyplot.ylim([0.1, 1.1])
# pyplot.legend(loc='lower right')
```

Figura 7.2 - Teste do modelo

Na figura em cima é mostrado a avaliação do modelo, gerando um gráfico da accuracy ao longo das épocas, com base na accuracy do treino e validação.



```
import math

index = 1
filters = 5
mappingAccuracy = []

for x in range(numCategories):
    if index != 1:
        for filter in range(filters):
            filter += 4
                dataInterval = normalized_data[0:100 * index]
                labels = labelEncodedTrans[0:100 * index]
                accuracy = trainTestModel(index, filter, dataInterval, labels)

            mappingAccuracy.append({'acc': math.ceil(accuracy), 'numMusicas': index, 'filtrosCNN': filter})

index = index + 1
```

Figura 8 – Accuracy de Acordo com o número de músicas e filtros

Na figura em cima é corrido um ciclo que irá correr o número de vezes equivalente ao número de categorias lidas pelo código referido na figura 4.

Dentro do ciclo é efetuada uma verificação onde o **index**, que equivale ao número de categorias, atual é diferente de 1, para que o modelo não treine só com uma categoria, dentro dessa validação é realizado um novo ciclo que irá correr o número de vezes equivalente aos filtros a serem testados no modelo, sendo testados 4 variantes de filtros. São definidos 2 arrays que vão receber o intervalo dos dados normalizados e labels sendo que o index máximo é equivalente ao número de músicas por categoria a multiplicar pelo número de categorias a serem testadas.

De seguida é recebida a accuracy de cada modelo testado, sendo que são enviados como argumentos, index (número de categorias), filter (número de filtros), dataInterval (intervalo dos dados normalizados) e labels (intervalo dos labels normalizados), por fim são adicionados a lista **mappingAccuracy** a accuracy recebida, os filtros usados e do número de géneros.



```
From sklearn.model selection import KFold
import matplotlib.pyplot as pyplot
def trainTestModel(splitNumb, filters, data, labels):
   acc_per_fold = []
   loss per fold = []
   kf = KFold(n_splits=splitNumb, random_state=42, shuffle=True)
   for train, test in kf.split(data):
       print("index:{}".format(splitNumb))
       print("filter:{}".format(filters))
       cnnModel = theModel(filters, splitNumb, data)
       print(f'Training for fold {fold_no} ...')
       history = cnnModel.fit(data[train],labels[train],epochs=25, validation_data=(data[test], labels[test]))
       testError, testAccuracy = cnnModel.evaluate(data[test], labels[test])
       print("Accuracy on test set is:{}".format(testAccuracy))
       print(f'Score for fold {fold_no}: {cnnModel.metrics_names[0]} of {testError}; {cnnModel.metrics_names[1]} of {testAccuracy*100}%')
acc_per_fold.append(testAccuracy * 100)
       loss_per_fold.append(testError)
       fold no = fold no + 1
   print('-----
   print('Score per fold')
   for i in range(0, len(acc_per_fold)):

print('-----
       print(f'> Fold {i+1} - Loss: {loss_per_fold[i]} - Accuracy: {acc_per_fold[i]}%')
       print('Average scores for all folds:')
       print(f'> Accuracy: {np.mean(acc_per_fold)} (+- {np.std(acc_per_fold)})')
       print(f'> Loss: {np.mean(loss_per_fold)}')
   return np.mean(acc_per_fold)
```

Figura 9 - KFOLD E Training

Na figura 9 são feitos os splits pelo número de géneros com **random_state** de 42, é feito um ciclo de split dos dados de treino e teste.

Dentro deste ciclo é inicializado o modelo CNN, para que cada ciclo tenha um modelo único, a partir do método **theModel**, utilizando 3 argumentos neste, que são filters (filtros), splitNumb (categoria), data (dados). Faz-se o treino do modelo com os dados de treino e a sua validação com os dados de teste, dentro do método **fit**, para este treino e validação são usadas 25 épocas (iterações do modelo). É registada a accuracy do modelo através do seu teste, a partir do método **evaluate**. A accuracy é guardada em **acc_per_fold** em percentagem e a média desta é enviada no return deste método.



```
from tensorflow import keras
def theModel(filters, neurons, data):
    input_shape=(data.shape[1],data.shape[2],1)
    model=keras.Sequential()
    #input layer
    model.add(keras.layers.Conv2D(filters,(3,3),activation="relu",input_shape=input_shape))
    model.add(keras.layers.MaxPool2D((3,3),strides=(2,2),padding="same"))
    model.add(keras.layers.BatchNormalization())
   #flatten the output
    model.add(keras.layers.Flatten())
    model.add(keras.layers.Dense(filters,activation="relu"))
    # model.add(keras.layers.Dropout(0.3))
    model.add(keras.layers.Dense(neurons,activation="softmax"))
    optimizer=keras.optimizers.Adam(learning rate=0.0001)
    model.compile(optimizer=optimizer,
        loss="sparse_categorical_crossentropy",
metrics=['accuracy'])
    return model
```

Figura 10 - Criação do Modelo Neural Convolucional(CNN)

Na figura 10 é apresentado o modelo CNN, utilizado neste projeto este foi desenvolvido utilizando a biblioteca **Keras** vindo do **TensorFlow**. Este modelo necessita de 3 parâmetros que são **filters**, **neurons** e **data**.

Este possui várias camadas tais como:

- Input Layer
 - Ele recebe o formato de entrada (data.shape[1], data.shape[2],1). A entrada passa por uma camada convolucional 2D com filters tendo como tamanho (3, 3). A função de ativação relu é aplicada à saída da camada convolucional. A saída passa por uma camada de max pooling com um tamanho (3, 3) e um passo de (2, 2). A normalização é aplicada para normalizar as ativações da camada anterior.
- Flatten Layer
 - Transforma os dados em um vetor unidimensional;
- Dense Laver
 - Conecta o layer com o filters, á função relu;



- Output Layer
 - Conecta o layer onde se encontra os **neurons**, que por defeito são o número de categorias atuais e utiliza uma nova função de ativação chamada de softmax.

Por fim o modelo é compilado com as seguintes configurações, otimização com uma taxa de aprendizagem de 0.01%, é indicada a função de **loss** para gestão das categorias e indicada a métrica de performance do modelo, neste caso **accuracy**, por fim é retornado o modelo criado neste metodo.

```
df = pd.DataFrame(mappingAccuracy)
elementos_maximos = df.groupby('numMusicas').apply(lambda x: x.loc[x['acc'].idxmax()]).reset_index(drop=True)
for _, elemento in elementos_maximos.iterrows():
    print(elemento.to_dict())
```

Figura 11 - Accuracy máxima de cada modelo com base na quantidade

Na figura em cima, é convertida para dataframe a lista **mappingAccuracy**, de seguida são agrupados em **elementos_maximos** somente as linhas do dataframe no qual a **accuracy** por quantidade de música é máxima.

```
import matplotlib.pyplot as plt

fig, ax1 = plt.subplots()

ax1.plot(elementos_maximos['acc'],elementos_maximos['numMusicas'], 'o-')
ax1.set_ylabel('Numero de Genros')
ax1.set_xlabel('Accuracy')

plt.show()

fig = plt.figure()
ax = plt.axes(projection='3d')

zline = elementos_maximos['acc']
xline = elementos_maximos['filtroscNN']
yline = elementos_maximos['numMusicas']
ax.plot3D(xline, yline, zline, 'gray')

# Data for three-dimensional scattered points
zdata = elementos_maximos['inlumMusicas']
xdata = elementos_maximos['inlumMusicas']
ax.set_ylabel('numero de genros')
ax.set_ylabel('filtroscNN')
ax.set_zlabel('filtroscNN')
ax.set_zlabel('Accuracy')
ax.scatter3D(xdata, ydata, zdata)

ax.view_init(elev=20., azim=-45, roll=0)
```

Figura 12 – Código dos Gráficos 2D e 3D



Na figura 12 são gerados dois tipos de gráfico um em 2D e outro em 3D.

No gráfico 2D os dados são dispostos na seguinte forma o eixo do Y é mostrado o **Número de Géneros** e no eixo do X a **Accuracy**.

No 3D é formatado na seguinte forma, eixo Z, contem **Accuracy**, eixo do X, **Filtros** e o eixo do Y, contem os **Géneros**, para além deste são criados pontos no gráfico através do scatter3D, pois o plot3D só faz uma linha.



Resultados

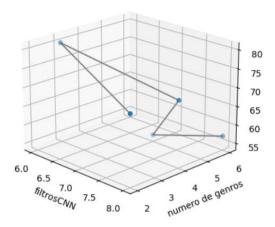


Figura 13 - Gráfico 3D

Neste primeiro gráfico pode se observar que o resultado do treino e do teste do modelo, que conforme o número de géneros também o número de filtros vai aumentado de forma simétrica.

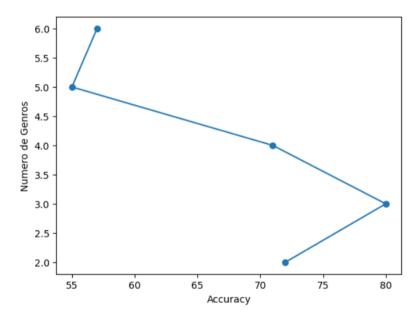


Figura 14 - Gráfico 2D

Neste segundo gráfico observa-se mais facilmente a evolução da accuracy com base no numero de géneros, podendo afirmar que conforme o número de géneros a accuracy vai diminuir.



Conclusão

Ao longo deste projeto foram identificadas diversas barreiras a progressão do mesmo, algumas delas são overfitting, normalização dos dados e a descoberta da accuracy máxima de acordo com o número de categorias usadas. Para a resolução do overfitting foi utilizado a separação KFold ao invés da separação tradicional train_test_split da biblioteca sklearn, esta permitiu que os dados fossem separados de forma mais conforme, por outro lado a normalização dos dados foi realizada também para resolver o problema de overfitting, pois como supracitado esta normalização foi trocada devido ao facto da anterior normalizar os dados pela média de todo o dataset, já a normalização atual usa o mínimo e máximo de cada categoria para sua uniformização. No caso da accuracy estava a ser detetado um problema com o array mappingAccuracy, que quando se tentava descobrir o valor máximo de accuracy por cada quantidade de géneros aparecia o erro **NUMPY.FLOAT32** e para a resolução deste a lista a anterior foi passada para dataframe.

Em suma com a realização deste projeto é possível afirmar que a construção do modelo de categorização géneros musicais é algo plausível, sendo este um classificador ou multi-classificador pois o primeiro classifica só dois géneros e outro mais do que dois.

Este é um projeto que adiciona conhecimento a quem o realizar referente a área Machine Learning, nomeadamente o funcionamento de Convolutional Neural Network, o pré-processamento de dados musicais.



Bibliografia

https://observador.pt/opiniao/ia-a-catalisadora-de-uma-nova-revolucao-industrial/

https://www.kaggle.com/datasets/andradaolteanu/gtzan-dataset-music-genre-classification

https://medium.com/@yashi4001/genre-classification-using-cnn-dcbc109b6d1d

de Matos, Tiago Filipe Beato Mourato, Métodos Estatísticos de Classificação de Géneros Musicais, 2013

https://www.analyticsvidhya.com/blog/2022/03/music-genre-classification-project-using%02machine-learning-techniques/

https://doi.org/10.48550/arXiv.1802.09697

https://www.clairvoyant.ai/blog/music-genre-classification-using-cnn

https://www.kaggle.com/code/tarushijat/music-genre-classification-using-cnn