Legend	Eukaryota-Acytosteliales-Acytostelia	0.049 0.046 0.068 0.040 0.039					
<ul> <li>Paulinella</li> <li>Archaea</li> <li>Bacteria</li> <li>Eukaryota</li> <li>Viruses</li> <li>Other/Misc</li> </ul>	Eukaryota-Annelida-Clitellata-Hirudinida-Giossiphoniidae-Helobdella_robusta_XP_009015687.1    100	0.043 0.044 0.041 0.040 0.028 0.036 0.036					
Nodes  ■ BS ≥ 95%  BS: ultrafast bootstrap support  Organollo torgoting	95    Fulkaryota-Mucoraces-au-uncorraces-au-	0.038 0.035 0.035 0.030 0.035 0.040 0.052					
Organelle targeting peptides  ■ Mitochondrial ■ Chromatophore (≥100aa) ■ Chromatophore (<100aa)	The standard of the standard o	0.042 0.049 0.059 0.039 0.040 0.040 0.039					
AliStat Cr 0 1	82 Eukaryota-Glaucophyta-Na-Cargamoeta-Euglenida-Na-Eugrepitales-Na-Eugrepital	0.041 0.035 0.047 0.035 0.033 0.052 0.032					
	Eukaryota-Streptophyta-Na-Cucurisales-Funariaceae-Physocomitrella patens, XP_024361088.1  100 Eukaryota-Streptophyta-Na-Cucurisales-Funariaceae-Cucurisa, sativa-Cucurisales-Funariaceae-Cucurisaceae-Cu	0.054 0.054 0.054 0.028 0.058 0.054 0.036					
	Eukaryota-Ciliophora-NA-Unranked-NA-Climacostomum_virens_MMETSP(1397_c5809_g1_i1.p2  Eukaryota-Na-Informoscruia_admerens_MMETSP(1397_c5809_g1_i1.p2)  Eukaryota-Na-Informoscruia_admerens_MMETSP(1397_c5809_g1_i1.p2)  Eukaryota-Na-Informoscruia_admerens_MMETSP(1397_c5809_g1_i1.p2)  Eukaryota-Na-Informoscruia_admerens_MMETSP(1397_c5809_g1_i1.p2)  Eukaryota-Na-Informoscruia_admerens_MMETSP(1397_c5809_g1_i1.p2)  Eukaryota-Na-Informoscruia_admerens_MMETSP(1397_c5809_g1_i1.p2)  Eukaryota-Na-Informoscruia_admerens_MMETSP(1397_c5809_g1_i1.p2)  Eukaryota-Stramenopillos-Oomycetes-Saprologniales-Saprologniaceae-Aphanomyces_astaci_XP_008826378.1  Eukaryota-Stramenopillos-Oomycetes-Saprologniales-Saprologniaceae-Aphanomyces_astaci_XP_008826378.1  Eukaryota-Na-Informoscruia_admerens_MMETSP(1397_c5809_g1_i1.p1)  Euka	0.035 0.035 0.036 0.036 0.081 0.077 0.066					
	Eukaryota-Rhodophyta-Bangion-Avecaeea-Porphyridium METSP030_c1742_g1_ip2  Eukaryota-Ciliophora-NA-Unranked-Na-Mesodimim_pulex_MMETSP030_c1742_g1_ip2  Eukaryota-Ciliophora-NA-Unranked-Na-Mesodimim_pulex_MMETSP0467_c66716_g1_ip.g2  Eukaryota-Chromeraceaea-NA-NA-Virellag brassomeraceaea-NA-NA-N-Chromeraceaea-NA-NA-N-Chromeraceaea-NA-NA-N-Chromeraceaea-NA-NA-N-Chromeraceae-NA-NA-N-Chromeraceae-NA-NA-N-Normeraceae-NA-NA-Norme	0.030 0.035 0.034 0.16 0.048 0.14					
	Eukaryota-Retaria-NA-NA-NA-Edratirius_A11_YP_009329013.1    September   100	0.043 0.040 0.043 0.036 0.15 0.026 0.014					
	Eukaryota-Heterolobosea-NA-NA-Vahlkampflidae-Naegleria_gruberi_jgi34462  — Eukaryota-Perkinsidae-Perki	0.062 0.11 0.037 0.14 0.14 0.14 0.19 0.096 0.099					
	94	0.067					
	Eukaryota-Hon-Chromador-En-Rabophias-NA-Harimanilidas-Sargoyoto-Sargoyota-Sharimanilidas-Sharimanilidas-Sharimanilidas-Sharimanilidas-Sharimanilidas-Sharimanilidas-Sharima	0.018 0.15 0.21 0.051					
72	- MSTRG ABJ. 1-p1  - Eukaryota - Haptophyta-NA- Prymnesiales-NA- Prymnesia	0.32 0.023 0.099 0.088 0.23 0.22 0.052					
	Elkaryota Hotorolobosaa NA-NN-NA Percolomonas_cosmopolitus_MMETSP0759_c497_g11.p1  Elkaryota Euginida NA-Unranked-Noobodo_designis_MMETSP134_c9047_g11.p1  Archaea-Euryarchaeota-Thermoplasmata-NA-Na-methanogenic_archaeon_ISCAH5_WP_066076851.1  Bacteria-Firmicutes-Clostridia-Clostridiales-Peptoniphiliaceae Peptoniphiliaceae Peptoniphili	0.17 0.13 0.13 0.052 0.062 0.080 0.072 0.055					
	Bacteria-CandidatusBipolaricaulota-NA-NA-NA-Candidatus_Bipolaricaulota_B. Bipolaricaulota_B. Bipolaricaulota	0.059 0.13 0.056 0.063 0.063					
	Bacteria-Cyanobacteria-MA-Oscillatoriales-Socillatoriacae-Lumoraphip robusta WP_046281164.1  Bacteria-Cyanobacteria-NA-Oscillatoriales-Socillatoriacae-Lumoraphip robusta WP_046281164.1  Bacteria-Cyanobacteria-NA-Oscillatoriales-Socillatoriacaea-Lumoraphip robusta WP_046281164.1  Bacteria-Cyanobacteria-NA-Oscillatoriales-Socillatoriacaea-Lumoraphip sactoria-Valoriacaea-Lumoraphip sactoria-Valoriacaea-Val	0.055 0.055 0.055 0.055 0.055 0.054 0.057					
	90  Bacteria-NA-NA-NA_MP_135895525.1  Bacteria-Proteobacteria-Aha-NA-NA_MP_135898555.1  Bacteria-Proteobacteria-Aha-NA-NA-NA_MP_135898555.1  Bacteria-Proteobacteria-Aha-Na-Na-Na-Na-Na-Na-Na-Na-Na-Na-Na-Na-Na	0.057 0.067 0.070 0.068 0.055 0.055					
	Bacteria-Proteobacteria-Alphaproteobacteria-Al	0.055 0.14 0.054 0.061 0.060 0.090 0.053					
	### Sukaryota-Archiropoda-Arch	0.067         0.060         0.057         0.065         0.060         0.060         0.061         0.060					
	Eukaryota-Eulocozaa-NA-NA-Trichoplacidae-Trichoplaridae-Arcininsteriodae-Vavaridae-Arcininsteriodae-Arcinins	0.060 0.059 0.060 0.061 0.062 0.061 0.060					
	Eukaryota-Masomycetozoea-Ichthyosporea-Ichth	0.067 0.062 0.057 0.059 0.065 0.058 0.059					
	90  Eukaryota-Mucoromycota-Glomeraceae-Phizophagus_irregularis_XP_025176353.1  Eukaryota-Mucoromycota-Glomeraceae-Phizophagus_irregularis_XP_025176353.1  Eukaryota-Mucoromycota-Hormeraceae-Chizophagus_irregularis_XP_025176353.1  Eukaryota-Mucoromycota-Hormeraceae-Chizophagus_irregularis_XP_025176353.1  Eukaryota-Mucoromycota-Hormeraceae-Chizophagus_irregularis_XP_025176353.1  Eukaryota-Mucoromycota-Hormeraceae-Chizophagus_irregularis_XP_025176353.1  Eukaryota-Mucoromycota-Hormeraceae-Chizophagus_irregularis_XP_025176353.1  Eukaryota-Mucoromycota-Hormeraceae-Chizophagus_irregularis_XP_025176353.1  Eukaryota-Mucoromycota-Hormeraceae-Chizophagus_irregularis_XP_025176353.1  Eukaryota-Mucoromycota-Hormeraceae-Chizophagus_irregularis_XP_025176353.1  Eukaryota-Mucoromycota-Hormeraceae-Chizophagus_irregularis_XP_025176353.1  Eukaryota-Mucoromycota-Hormeraceae-Chizophagus_irregularis_XP_025776353.1  Eukaryota-Mucorom	0.063 0.066 0.070 0.081 0.099 0.041 0.088					
	Eukaryota-Longamoebia-Longamoe	0.041 0.088 0.088 0.11 0.17 0.18 0.12 0.055 0.069 0.058					
	Eukaryota-Alvoolata-Cionophyta-NA-NA-NA-Faratis-immETSP0688_c1728_f1236_	0.060 0.066 0.10 0.11 0.072 0.041 0.068 0.081					
	84  84  85  86  86  87  88  88  88  88  88  88  88	0.055 0.053 0.031 0.075 0.058 0.066 0.050					
	Eukaryota-Vigonopria-Ungontra-Vigonopria-Vig	0.056 0.057 0.032 0.069 0.070 0.062 0.073					
	Eukaryota-Cliophora-NA-Unranked-M-Takusa. MatraFSP0472_c14101_g1_it_p1  Eukaryota-Cliophora-NA-Unranked-M-Takusa. MatraFSP0472_c14101_g1_it_p1  Eukaryota-Clioanoflagellata-Choa	0.073 0.050 0.056 0.067 0.070 0.070 0.064					
	Archaea-Euryarcnaeota-Halobacteria-Haloferacales-Halorubraceae-Halorubraceae-Halorubraceae-Salinigranum_spDYF38_WP_136592142.1	0.059 					անությունը հետությունը հայարականությանը ունենական հետունը հետունը հետունը հետուներին հետուներին հետուներին հետ 