欠拟合与过拟合

本节要点

- 欠拟合与过拟合概念与产生原因。
- 多项式扩展原理。
- L1, L2与Elastic Net正则化。

再谈拟合

之前,我们介绍过**拟合**的概念。拟合指构建一种算法,使得算法对样本的预测值尽可能接近样本的真实值。与拟合相关的两个概念是**欠拟合**与**过拟合**。

欠拟合

现象

模型在训练集上拟合的效果不好,即预测值与真实值的差异(误差)较大。

产生原因

模型过于简单, 考虑的因素 (特征) 太少, 未能充分捕获样本数据的特征。

解决方案

- 增加模型复杂度。
 - 。 引入新的变量 (特征)。
 - 引入现有变量。
 - 引入衍生变量 (例如多项式扩展)。
 - 。 使用复杂的模型。
 - 由线性模型改成非线性模型。
- 增加迭代次数。

过拟合

现象

模型在训练集上的拟合效果非常好,但是在未知数据集上的拟合效果不佳。

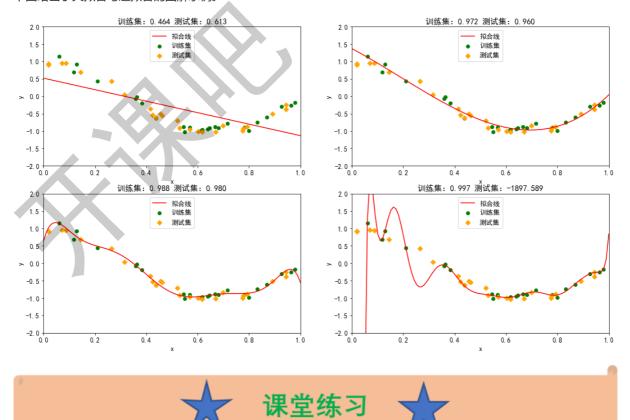
产生原因

模型过于复杂,考虑的因素 (特征) 过多,从而将样本数据中一些个性特征当成了共性特征。

解决方案

- 收集更多的数据。
- 降低模型的复杂度。
 - 。 使用简单的模型。
 - 。 减少特征数量。
 - 。 使用正则化。
- 减少迭代次数。
 - early stopping.

下图给出了欠拟合与过拟合的图解示例。



关于欠拟合与过拟合,说法正确的是()。【不定项】

- A 某模型在训练集上的效果明显大于测试集,这是欠拟合现象。
- B 如果模型在训练集上的效果与在测试集上的效果差不多,则模型既没有欠拟合,也没有过拟合。
- C 当产生过拟合时, 首先想到的解决方案, 是收集更多的数据。
- D 模型既不是越简单越好,也不是越复杂越好。



多项式扩展

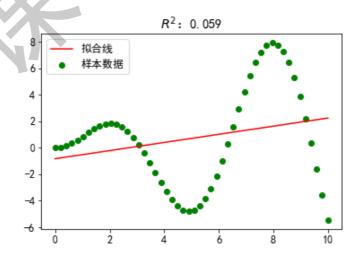
欠拟合现象

我们可以使用线性回归模型来拟合数据,然而,在现实中,数据未必总是线性(或接近线性)的。当数据并非线性时,直接使用LinearRegression的效果可能会较差,产生欠拟合。

```
import numpy as np
   import matplotlib.pyplot as plt
   from sklearn.linear_model import LinearRegression
 4
   plt.rcParams["font.family"] = "SimHei"
   plt.rcParams["axes.unicode_minus"] = False
 6
    plt.rcParams["font.size"] = 12
 8
 9
   x = np.linspace(0, 10, 50)
   # 构造非线性数据。
10
    y = x * np.sin(x)
11
   # 为x扩展一个维度,从一维变成二维。也可以通过reshape来实现同样的功能。
   X = x[:, np.newaxis]
13
   1r = LinearRegression()
14
   lr.fit(x, y)
```

```
16 plt.scatter(x, y, c="g", label="样本数据")
17 plt.plot(x, lr.predict(x), "r-", label="拟合线")
18 plt.legend()
19 plt.title(f"$R^2$: {lr.score(x, y):.3f}")
```

```
1 Text(0.5, 1.0, '$R^2$: 0.059')
```



多项式扩展规则

此时,我们可以尝试使用多项式扩展来进行改进。**多项式扩展**,可以认为是对现有数据进行的一种转换,通过生成新的特征,从而将数据由低维映射到高维空间中,这样模型就可以拟合更广泛的数据。

我们将原始的特征称为**输入特征**,将多项式扩展之后的特征称为**输出特征**,多项式扩展的规则如下(假设为n阶扩展):

- 对所有输入特征进行乘积组合。
- 每个输入特征具有一个指数,指数的取值范围为[0, n]。
- 遍历所有指数可能的取值,但是需要保证所有输入特征的指数之和不超过n (小于等于n)。
- 对每个符合上述条件的指数组合,作为扩展之后的输出特征。

假设,我们有如下的二元线性模型:

$$\hat{y} = w_0 + w_1 x_1 + w_2 x_2$$

如果该模型的拟合效果不佳,我们就可以对该模型进行多项式扩展。例如,我们进行2阶扩展(也可以进行更高阶的扩展),符合条件的指数组合为:

$$[x_1^0x_2^0,\ x_1^1x_2^0,\ x_1^0x_2^1,\ x_1^2x_2^0,\ x_1^1x_2^1,\ x_1^0x_2^2]$$

因此,经过多项式扩展之后,最终的输出特征为:

$$[1, x_1, x_2, x_1^2, x_1x_2, x_2^2]$$

模型也最终变为:

$$\hat{y} = w_0 + w_1 x_1 + w_2 x_2 + w_3 x_1 x_2 + w_4 x_1^2 + w_5 x_2^2$$

当进行多项式扩展后,特征数量由之前的2个变成5个(特征维度从2维变成5维),从而可以更灵活的去拟合数据。



经过多项式扩展之后,最高次项已经不再是1,这样的数据,还能适用于线性回归这样的模型吗? A 可以。

- B不能。
- C 有时能, 有时不能。
- D 不好确定。



经过多项式扩展后,我们依然可以使用之前的线性回归模型去拟合数据。这是因为,我们可以假设:

$$ec{z}=(z_1,z_2,z_3,z_4,z_5)=(x_1,x_2,x_1x_2,x_1^2,x_2^2)$$

这样,之前的模型就会变成:

$$\hat{y} = w_0 + w_1 z_1 + w_2 z_2 + w_3 z_3 + w_4 z_4 + w_5 z_5$$

从而,我们依然可以认为,这还是一种线性模型。

PolynomialFeatures

我们可以使用sklearn中提供的PolynomialFeatures类来实现多项式扩展。通过powers_属性可以获取扩展之后每个输入特征的指数组合(矩阵)。关于指数矩阵,描述如下:

- 矩阵的每一列对应输入特征,即列数等于输入特征数。
- 矩阵的每一行对应输出特征,即行数等于输出特征数。
- 矩阵的形状为[输出特征数, 输入特征数]。
- 矩阵的值表示每个输入特征的指数值。
 - o powers_[i, j]表示第i个输出特征中,第j个输入特征的指数值。

例如,如果输入样本的特征数为2,多项式扩展阶数为2,则指数矩阵为:

 $powers_{=}egin{bmatrix} 0 & 0 \ 1 & 0 \ 0 & 1 \ 2 & 0 \ 1 & 1 \ 0 & 2 \end{bmatrix}$

$$[x_1^0x_2^0,\ x_1^1x_2^0,\ x_1^0x_2^1,\ x_1^2x_2^0,\ x_1^1x_2^1,\ x_1^0x_2^2]$$

即:

```
[1, x_1, x_2, x_1^2,
```

```
1 from sklearn.preprocessing import PolynomialFeatures
3 X = np.array([[1, 2], [3, 4]])
   # degree: 扩展的阶数。阶数越高,则输出特征越多。
  # include_bias: 是否包含偏置,默认为True。
   poly = PolynomialFeatures(2, include_bias=True)
 7 # 对输入数据进行转换。
 8 # 相当于调用fit之后,再调用transform。
9 # poly.fit(X)
10 # r = poly.transform(X)
   r = poly.fit_transform(X)
11
12
   print("转换之后的结果:")
13 print(r)
14 print("指数矩阵: ")
15 print(poly.powers_)
16 print("输入的特征数量: ", poly.n_input_features_)
   print("输出的特征数量: ", poly.n_output_features_)
17
18
19
   for x1, x2 in X:
20
       for e1, e2 in poly.powers_:
21
           print(x1 ** e1 * x2 ** e2, end="\t")
22
       print()
```

```
1 转换之后的结果:
  [[ 1. 1. 2. 1. 2. 4.]
   [ 1. 3. 4. 9. 12. 16.]]
3
  指数矩阵:
5
  [[0 0]]
6
  [1 0]
7
  [0 1]
8
  [2 0]
9
   [1\ 1]
                                               300 · CC
10
   [0 2]]
11 输入的特征数量: 2
12 输出的特征数量: 6
13 1 1 2 1 2
14 1 3 4 9 12 16
```

如果有2个输入特征,经过多项式3阶扩展后,会有几个输出特征(含偏置项)?

A 7个

B 8个

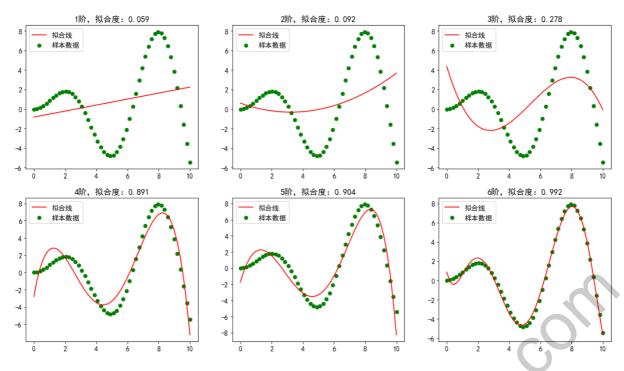
C 9个

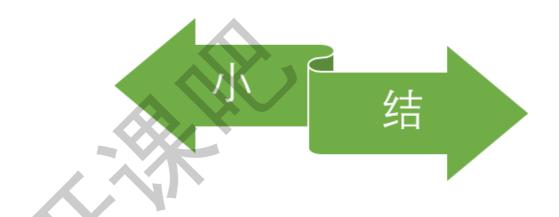


解决欠拟合

现在,就让我们对之前的程序来进行多项式扩展,尝试解决欠拟合问题。

```
1 \mid x = np.linspace(0, 10, 50)
2  y = x * np.sin(x)
3  X = x[:, np.newaxis]
   figure, ax = plt.subplots(2, 3)
    figure.set_size_inches(18, 10)
    ax = ax.ravel()
    # 进行1阶到6阶的多项式扩展。(1阶相当于没有扩展)
    for n in range(1, 7):
10
        poly = PolynomialFeatures(degree=n, include_bias=False)
11
       X_transform = poly.fit_transform(X)
12
        1r = LinearRegression()
13
        lr.fit(X_transform, y)
14
        ax[n - 1].set_title(f"{n}阶, 拟合度: {lr.score(X_transform, y):.3f}")
        ax[n - 1].scatter(x, y, c="g", label="样本数据")
15
        ax[n-1].plot(x, lr.predict(X_transform), "r-", label="拟合线")
16
17
        ax[n - 1].legend()
```





流水线

在上例中,我们使用多项式对训练数据进行了转换(扩展),然后使用线性回归类(LinearRegression)在转换后的数据上进行拟合。可以说,这是两个步骤。我们虽然可以分别去执行这两个步骤,然而,当数据预处理的工作较多时,可能会涉及更多的步骤(例如标准化,One-Hot编码,特征选择等操作),此时分别执行每个步骤会显得过于繁琐。

流水线 (Pipeline类) 可以将每个评估器视为一个步骤,然后将多个步骤作为一个整体而依次执行,这样,我们就无需分别执行每个步骤。例如,在上例中,我们就可以将多项式转换与训练模型两个步骤视为一个整体,一并执行。

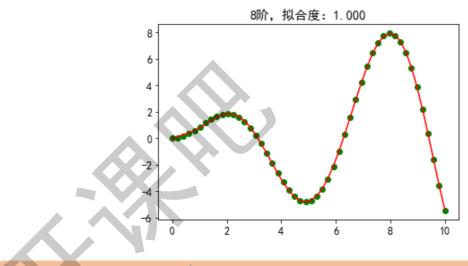
流水线具有最后一个评估器的所有方法。当通过流水线对象调用方法f时,会执行这样的过程(假设流水线具有n个评估器):

- 如果f是fit或fit_transform方法,则会首先对前n 1个评估器依次调用fit_transform方法,然后在最后一个评估器上调用f方法。
- 如果f是其他方法,则会首先对前n 1个评估器依次调用transform方法,然后在最后一个评估器上调用f方法。

例如,当在流水线上调用fit方法时,将会依次在每个评估器上调用fit_transform方法,前一个评估器将转换之后的结果传递给下一个评估器,直到最后一个评估器调用fit方法为止(最后一个评估器不会调用transform方法)。而当在流水线上调用predict方法时,则会依次在每个评估器上调用transform方法,在最后一个评估器上调用predict方法。

```
from sklearn.pipeline import Pipeline
   x = np.linspace(0, 10, 50)
3
4
   y = x * np.sin(x)
   X = x[:, np.newaxis]
   # 定义流水线的步骤。类型为一个列表,列表中的每个元素是元组类型,
   # 格式为: [(步骤名1,评估器1),(步骤名2,评估器2),.....,(步骤名n,评估器n)
   steps = [("poly", PolynomialFeatures(include_bias=False)), ("lr", LinearRegression())]
9
   pipe = Pipeline(steps)
   # 设置流水线的参数。所有可用的参数,可以通过pipeline.get_params()获取。
10
pipe.set_params(poly__degree=8)
12 pipe.fit(X, y)
13 | score = pipe.score(X, y)
   plt.title(f"8阶,拟合度: {score:.3f}")
   plt.scatter(X, y, c="g", label="样本数据")
16 plt.plot(X, pipe.predict(X), "r-", label="拟合线")
```

1 [<matplotlib.lines.Line2D at 0x17f75fd7b08>]





关于流水线 (Pipeline) , 说法正确的有 () 。 【不定项】

- A 使用流水线,可以省略频繁的fit与transform过程。
- B流水线可以加快程序的运行速度。
- C流水线可以将多个步骤作为一个整体而执行。
- D 流水线内的所有步骤(评估器),都必须具有transform方法。



正则化

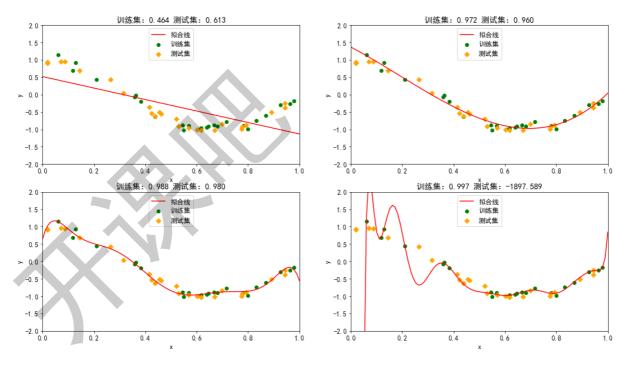
过拟合现象

通过之前的程序,我们发现,使用多项式扩展完美的解决了欠拟合问题。如果我们使用更多阶(8阶)的多项式扩展,甚至可以将拟合度提高为1。但是,问题来了,多项式扩展时,是否阶数越多越好呢?

```
from sklearn.model_selection import train_test_split
1
2
3
   def true_fun(x):
4
      """数据分布的函数,用于生成由x -> y的映射。
                                           5
6
      根据x数组中的每个元素,返回该元素的余弦计算值y。
7
8
      Parameters
9
      _____
      x : array-like
10
11
         训练数据集。
12
13
      Returns
14
15
      y: array-like
16
         x对应的余弦映射结果。
17
18
19
20
      return np.cos(1.5 * np.pi * x)
21
22
23
   def fit_and_plot(model):
24
      """用来训练模型,并且绘制模型的拟合效果。
25
```

```
26
        Parameters
27
        ------
28
        model : object
29
            模型对象。
30
31
32
33
        np.random.seed(0)
34
        x = np.random.rand(50)
        # 在映射函数上,增加一定的误差(噪声)。这样更符合现实中数据的分布。
35
36
        # 误差服从正态分布。
        y = true_fun(x) + np.random.randn(len(x)) * 0.1
37
38
        X = x[:, np.newaxis]
39
       X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X, y, test_size=0.5,
    random_state=0)
40
        model.fit(X_train, y_train)
41
        train_score = model.score(X_train, y_train)
42
        test_score = model.score(X_test, y_test)
        plt.scatter(X_train, y_train, c="g", label="训练集")
43
        plt.scatter(X_test, y_test, c="orange", marker="D", label="测试集")
44
       s = np.linspace(0, 1, 100).reshape(-1, 1)
45
        plt.plot(s, model.predict(s), c="r", label="拟合线")
46
47
        plt.xlabel("x")
48
        plt.ylabel("y")
49
        plt.xlim((0, 1))
50
        plt.ylim((-2, 2))
51
        plt.legend(loc="upper center")
        plt.title(f"训练集: {train_score:.3f} 测试集: {test_score:.3f}")
52
53
54
55
   # 定义多项式扩展的阶数。
56
    degrees = [1, 3, 8, 15]
57
    plt.figure(figsize=(18, 10))
58
   for i, n in enumerate(degrees):
59
        plt.subplot(2, 2, i + 1)
60
        pipe = Pipeline([("poly", PolynomialFeatures(degree=n, include_bias=False)),
                ("lr", LinearRegression())])
61
62
        fit_and_plot(pipe)
        # named_steps返回字典对象,提供流水线中每个步骤的名称(key)与对象(value)的映射。
63
64
        print(pipe.named_steps["lr"].coef_)
```

```
1 [-1.65201925]
2 [-3.89922088 -3.34968481 5.92093622]
3 [ 2.82447079e+01 -4.99295928e+02 3.53686879e+03 -1.31271460e+04
4 2.71571014e+04 -3.15089674e+04 1.91826234e+04 -4.77061916e+03]
5 [ 2.07071311e+04 -4.97833841e+05 6.76423888e+06 -5.85834707e+07
6 3.45651499e+08 -1.44778371e+09 4.41812369e+09 -9.97113468e+09
7 1.67390055e+10 -2.08331288e+10 1.89560333e+10 -1.22494207e+10
8 5.32316771e+09 -1.39466930e+09 1.66452216e+08]
```



常用的正则化

我们将之前的程序中,输出系数(权重与偏置)的注释取消,再次运行程序,我们会发现什么?



在线性回归中,模型过于复杂,通常表现为模型的参数过大(指绝对值过大),即如果模型的参数过大,就容易出现过拟合现象。我们可以通过正则化来降低过拟合的程度。**正则化**,就是通过在损失函数中加入关于权重的惩罚项,进而限制模型的参数过大,从而减低过拟合,增加的惩罚项,我们也称作正则项。

根据正则项的不同,我们可以将正则化分为如下几种:

- L2正则化
- L1正则化
- Elastic Net

L2正则化

L2正则化是最常使用的正则化,将所有权重的平方和作为正则项。使用L2正则的线性回归模型称为Ridge回归(岭回 归)。加入L2正则化的损失函数为:

$$J(w) = rac{1}{2} \sum_{i=1}^m (y^{(i)} - \hat{y}^{(i)})^2 + lpha \sum_{j=1}^n w_j^2$$

m: 样本数量。 • n: 特征数量。

α: 惩罚系数 (α > 0)

从包含正则项的损失函数中,我们可以发现,我们将损失函数分为两部分,一部分为原来的损失函数,另外一部分为 正则项的惩罚,这样,如果当权重过大时,即使原来的损失函数值很小,但是整个项的损失值会很多,因此,整个损 失值 (二者的和) 也不会很小,从而,权重过大的w就可能不会成为最佳解。

L1正则化

L1正则化使用所有权重的绝对值和作为正则项。使用L1正则的线性回归模型称为Lasso回归(Least Absolute Shrinkage and Selection Operator——最小绝对值收缩与选择因子)。

$$J(w) = rac{1}{2} \sum_{i=1}^m (y^{(i)} - \hat{y}^{(i)})^2 + lpha \sum_{j=1}^n |w_j|$$

Elastic Net

Elastic Net(弹性网络),同时将绝对值和与平方和作为正则项,是L1正则化与L2正则化之间的一个折中。使用该正 则项的线性回归模型称为Elastic Net算法。

$$J(w) = rac{1}{2} \sum_{i=1}^m (y^{(i)} - \hat{y}^{(i)})^2 + lpha(p \sum_{j=1}^n |w_j| + (1-p) \sum_{j=1}^n w_j^2)$$

• p: L1正则化的比重 (0 <= p <= 1) 。

正则化对权重的影响

我们以L2正则化为例,来演示不同 α 取值下,正则化对权重的影响。

```
1 from sklearn.datasets import make_regression
  2 from sklearn.linear_model import Ridge
     # 注意: 当坐标轴使用对数比例后,这里需要改成英文字体,否则无法正常显示。
     plt.rcParams["font.family"] = "serif"
# noise: 增加的噪声干扰,值越大,干扰越大。

X, y, w = make_regression(n_samples=10, n_features=10, coef=True, random_state=1, bias=3.5, noise=0.0)

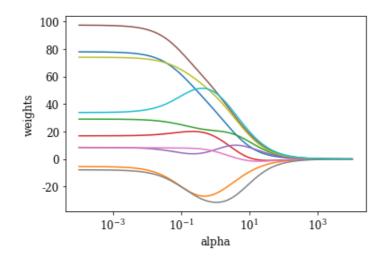
alphas = np.logspace(-4, 4, 200)

# 定义列表,用来保存在不同alpha取值下,模型具体。
coefs = []

# 创建岭回口域体。
  6 # 创建回归数据集。
20 ridge = Ridge()
21 for a in alphas:
22
          # alpha: 惩罚力度,值越大,惩罚力度越大。
23
          ridge.set_params(alpha=a)
```

```
24
       ridge.fit(X, y)
25
       # 将每个alpha取值下,Ridge回归拟合的最佳解(w)加入到列表中。
26
       coefs.append(ridge.coef_)
27
   # gca get current axes 获取当前的绘图对象。
28
   ax = plt.gca()
29
   # 当y是二维数组时,每一列会认为是一个单独的数据集。
30
31
   ax.plot(alphas, coefs)
32
   # 设置x轴的比例。(对数比例)
33 ax.set_xscale("log")
34 # 设置x轴的标签。
35 ax.set_xlabel("alpha")
36 # 设置y轴的标签
   ax.set_ylabel("weights")
```

```
1 | Text(0, 0.5, 'weights')
```



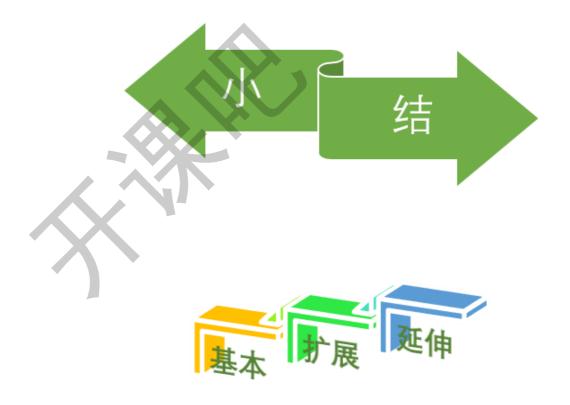


关于正则化,以下说法错误的是()。

A 常用的正则化有L1,L2与 Elastic Net三种。

- B α 值越大,正则化强度越大。
- C 正则化,是通过在损失函数上,加入正则项,从而可以限制权重(w)过大。
- D 如果模型比较复杂,就一定会产生过拟合。





正则化说明

- Lasso更容易产生稀疏解,这就减少了模型所依赖的特征数量。因此,可以使用Lasso进行特征选择。
- Ridge模型具有较高的稳定性。
- Elastic Net是Lasso与Ridge之间的一个折中,其可以像Lasso一样产生稀疏解,同时具有Ridge的部分稳定性。
- 当多个特征具有相关性时,Lasso可能只会随机选择其中的一个,而Elastic Net可能会选择多个。

扩展内容:关于Lasso为什么容易产生稀疏解,而Ridge不容易产生稀疏解,梁老师提供辅助视频,供大家扩展学习。

通过Lasso实现特征选择

我们以模拟生成的数据为例,来演示通过Lasso结合SelectFromModel实现特征选择。

```
1 [54.14243012 71.93458854 3.52415557 13.50646852 36.90416205 5.6709588
2 -0. -0. 73.44001013 71.26297921]
```

```
from sklearn.feature_selection import SelectFromModel

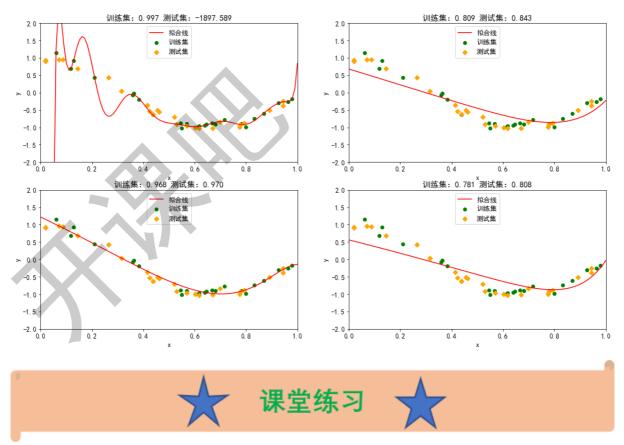
# estimator: 评估器,即SelectFromModel类要进行特征选择的模型。
# threshold: 阈值,当特征权重小于阈值时,丢弃该特征。
# prefit: 传入的评估器 (estimator参数) 是否已经训练过了。默认为False。
sfm = SelectFromModel(estimator=lasso, threshold=le-5, prefit=True)
X_transform = sfm.transform(X)
print(X_transform[:3])
# 返回布尔数组,用来表示是否选择对应的特征,True为选择,False为丢弃。
print(sfm.get_support())
```

解决过拟合

现在, 我们分别使用三种正则化方式, 尝试解决过拟合问题。

```
1 from sklearn.linear_model import ElasticNet
 2 # 将字体改回中文字体。
 3 plt.rcParams["font.family"] = "SimHei"
 5 np.random.seed(0)
 6
   x = np.random.rand(50)
   y = true_fun(x) + np.random.randn(len(x)) * 0.1
 8
   X = x[:, np.newaxis]
9
   X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X, y, test_size=0.5)
10
   models = [("线性回归(无正则化)", LinearRegression()), ("L1正则化: ", Lasso(alpha=0.02)),
            ("L2正则化", Ridge(alpha=0.02)), ("弹性网络", ElasticNet(alpha=0.02,
11
   11_ratio=0.5))]
12
   plt.figure(figsize=(18, 10))
13
   for i, (name, model) in enumerate(models):
14
        plt.subplot(2, 2, i + 1)
        pipe = Pipeline([("poly", PolynomialFeatures(degree=15, include_bias=False)),
15
   ("model", model)])
16
       fit_and_plot(pipe)
17
        print(model.coef_)
```

```
1 [ 2.07071311e+04 -4.97833841e+05 6.76423888e+06 -5.85834707e+07
    3.45651499e+08 -1.44778371e+09 4.41812369e+09 -9.97113468e+09
     1.67390055e+10 -2.08331288e+10 1.89560333e+10 -1.22494207e+10
     5.32316771e+09 -1.39466930e+09 1.66452216e+08]
4
5
   [-2.28050995 -0. 0.
                                               0.
                                    0.
                                                           0.
6
    1.37135264 0.
                          0.
                                    0.
                                                0.
7
               0.
                          0.
                                  1
   [-3.54177497 -0.98692712 0.47117231 0.99378303 1.03351056 0.86683848
8
    0.63550359  0.40472689  0.20025764  0.02892467 -0.11067832 -0.22293056
9
    -0.31276194 -0.38465655 -0.4423375 ]
10
11 [-1.86165016 -0.2996501 -0. 0.
                                               0.01961693 0.20690235
   0.27988858  0.28810391  0.26055212  0.21407932  0.15841395  0.09914914
12
13 0.0394854 0.
                     0. ]
```



以下说法错误的是()。

A α 值越小,Lasso越倾向产生更多值为0的权重。

- B Lasso可以实现特征选择。
- C Ridge具有更好的稳定性。
- D Elastic Net与Lasso都可能产生稀疏解。



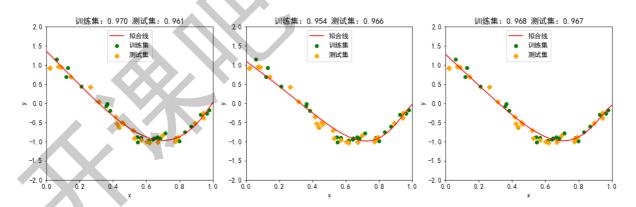
交叉验证调整超参数

通过刚才的示例,我们可知,通过正则化,已经有效的缓解了过拟合,不过,刚才示例中,超参数 α 的取值是比较随意的,如果使用合适的 α 值,或许还能够提高模型的效果。这里,我们可以使用交叉验证来调整参数 α 的取值。

在sklearn中,提供了LassoCV, RidgeCV与ElasticNetCV类,可以用来交叉验证。

```
from sklearn.linear_model import LassoCV, RidgeCV, ElasticNetCV
2
   alphas = [0.001, 0.005, 0.01, 0.05, 0.1, 0.5]
3
   models = [("L1正则化: ", LassoCV(max_iter=5000)), ("L2正则化", RidgeCV()),
4
           ("弹性网络", ElasticNetCV(l1_ratio=0.5))]
   plt.figure(figsize=(18, 5))
7
   for i, (name, model) in enumerate(models):
8
       plt.subplot(1, 3, i + 1)
       pipe = Pipeline([("poly", PolynomialFeatures(degree=15)), ("model", model)])
9
       # 将模型设置为10折交叉验证,其实在models中,各个模型的构造器中,可以指定cv=10,但是需要三个都指
10
    定。
11
       # 这里在循环中,只需要使用一行代码就可以了。
12
       pipe.set_params(model__cv=10)
       pipe.set_params(model__alphas=alphas)
13
14
       fit_and_plot(pipe)
15
       # 输出最佳的超参数alpha。
16
       print(name, model.alpha_)
```

1 L1正则化: 0.001 2 L2正则化 0.05 3 弹性网络 0.001



扩展点

• Lasso回归容易产生稀疏解的原因。

总结

- 欠拟合与过拟合的现象。
- 欠拟合与过拟合的解决方案。
- 多项式扩展。
- 正则化。

作业

- 1. 对波士顿房价采用多项式扩展,是否可以提高训练集的回归效果。
- 2. 训练之后,是否也会提高测试集的效果呢?

