

附图5.8 根据SHEIB算法在Crohn's Disease的GWAS数据上检测上位性的结果绘制的SNP网络。每个节点代表一个SNP,两个SNP之间有一条 边代表在结果中至少存在一个上位性(p-value<10⁻¹⁴)包含这两个SNP,节点的度越大,节点越大,该SNP网络表明,对于Crohn's Disease 这种疾病,rs7154773、rs17116117、rs10483456、rs13126272等SNP(大节点)有着较大的研究价值。