



附图4.4 根据SEE算法在Hypertension的GWAS数据上检测上位性的结果绘制的基因网络。每一个节点代表一个基因，位于它上面的一些SNP与Hypertension在我们的结果中有显著的关系，节点的度越大，代表这个基因在这种疾病中的作用越大。两个节点上的边，代表在我们的结果中至少存在k个上位性，它们对应的两个SNP分别位于这两个基因上，为了网络良好的可读性，这里k设置为6。图中的网络表明，对于Hypertension这种疾病，KRBOX4、HTR3B、GLRA2、COL4A6等基因(大节点)有着较大的研究价值。