

附图4.2 根据SEE算法在Coronary Artery Disease的GWAS数据上检测上位性的结果绘制的基因网络。每一个节点代表一个基因,位于它上面的一些SNP与Bipolar Disorder在我们的结果中有显著的关系,节点的度越大,代表这个基因在这种疾病中的作用越大。两个节点上的边,代表在我们的结果中至少存在k个上位性,它们对应的两个SNP分别位于这两个基因上,

为了网络良好的可读性,这里k设置为10。图中的网络表明,对于 Coronary Artery Disease这种疾

病,CACNG1、CELF4、PNLIPRP3、CSGALNACT1等基因(大节点)有着较大的研究价值。