Statistische Verfahren: Projekt 4 - Nahinfrarotspektroskopie I

Tobias Giesemann Ferdinand Rewicki Moritz Preuß

March 31, 2019

Abstract

In der vorliegenden Arbeit wird eine Methode zur Ableitung einer Kalibierfunktion zur Messung des Stickstoffgehalts in Bodenproben vorgestellt. Basierend auf den zugrunde liegenden physikalischen und chemischen Eigenschaften der Nahinfrarotspektroskopie wird ein lineares Modell formuliert. Hierfür wurden potenzielle Prediktoren entsprechend ihrer Variabilität für das Maximalmodell ausgewählt und dann mit Hilfe von Mallow's Cp ein Idealmodell aufgestellt. Darüber hinaus wurde der Einfluss des Stichprobenumfangs aud den durch den minimalen Cp-Wert geschätzten Vorhersagefehler untersucht.

Contents

1 Einleitung									
2	Hintergrund								
	2.1 Gebundener Stickstoff								
	2.2 Nahinfrarotspektroskopie	. 1							
3	Methodik	2							
	3.1 Datensatz	. 2							
	3.2 Statistisches Modell	. 2							
	3.3 Modellwahl im Falle der NIR-Spektroskopie								
	3.4 Modellselektion	. 3							
	3.5 Validierung des Modells	. 4							
	3.6 Theoretische Grundlagen der Simulation	. 4							
4	Implementation	4							
5	Calibration								
	5.1 Model Selection	. 4							
	5.2 Bewertung der Modellwahl								
6	Simulation - Schätzgenauigkeit von Mallow's Cp								
7	Conclusion								
A	Prediction Parameters and Models								
В	R Source Code	ii							

Statistische Verfahren: Projekt 4.1 - Nahinfrarotspektroskopie I

Tobias Giesemann tobias.giesemann@uni-jena.de

Ferdinand Rewicki ...@gmail.com

Moritz Preuß moleo.preuss@gmail.com

Abstract

In der vorliegenden Arbeit wird eine Methode zur Ableitung einer Kalibierfunktion zur Messung des Stickstoffgehalts in Bodenproben vorgestellt. Basierend auf den zugrunde liegenden physikalischen und chemischen Eigenschaften der Nahinfrarotspektroskopie wird ein lineares Modell formuliert. Hierfür wurden potenzielle Prediktoren entsprechend ihrer Variabilität für das Maximalmodell ausgewählt und dann mit Hilfe von Mallow's Cp ein Idealmodell aufgestellt. Darüber hinaus wurde der Einfluss des Stichprobenumfangs aud den durch den minimalen Cp-Wert geschätzten Vorhersagefehler untersucht.

1 Einleitung

Die Zusammensetzung des Boden ist ein wesentlicher Faktor für einen ertragreichen und nachhaltigen Anbau von Pflanzen in der Landwirtschaft. Wichtige Parameter hierfür sind die Anteile des im Boden gebundenen Stickstoffs (N) und organische Kohlenstoffs (SOC), durch deren Messung Erkenntnisse über die Fruchtbarkeit des Bodens und die Auswirkungen der Bodennutzung gewonnen werden können.[PDD⁺13] Die Messung der genannten Parameter ist durch sogenannte Fraktionierung von Bodenprobe möglich. Etablierte Messverfahren sind jedoch kostenintensiv, nicht vollständig standardisiert, und weisen eine schlechte Reproduzierbarkeit in verschiedenen Laboren auf.[PDD+13] Aus diesem Grund sind Messverfahren notwendig, welche eine zuverlässige und effiziente Ermittlung der Menge des organischen Kohlenstoffs und gebundenen Stickstoffs im Bodens zulassen. Ein seit den sechziger Jahren vielfach eingesetztes Messverfahren ist die sogenannten Nahinfrarotspektroskopie. [AHJ10] Dieses erlaubt die Schätzung der aufwendig bestimmbaren Parameter mit Hilfe der leicht messbaren Nahinfrarotspektren. Die Bestimmung und Validierung eines hierfür notwendigen Modells für den Stickstoffgehalt in der Bodenprobe sind Gegenstand dieser Arbeit.

2 Hintergrund

2.1 Gebundener Stickstoff

In der Natur geschieht eine fortwährender Austausch von Stickstoff zwischen Lebewesen, Boden und Atmosphäre. Ein Großteil des vorhandenen Stickstoffs liegt in gebundener Form im Erdboden vor und ist ein unentbehrlicher

Nährstoff für Pflanzen und Lebewesen. Er wird von Pflanzen beim Wachstum aus der Erde aufgenommen und beim Absterben wieder freigesetzt. Zur Steigerung der Ernte ist eine Anreicherung der Bodens mit Nitrat durch der Einsatz von Düngemitteln daher gängige Praxis in der Landwirtschaft.[Umw17] Dies kann dann zu Problemen führen, wenn zu einer Übersättigung des Bodens mit Stickstoff kommt. Durch Ausschwemmen des in Form von Nitrat (NO_3^-) und Ammonium (NH_4^+) gebundenen Stickstoffs kann dieses ins Grundwasser gelangen und eine Gefahr für die Umwelt darstellt. Sowohl für den Erfolg der Landwirtschaft als auch für den Schutz der Umwelt ist daher eine zuverlässige und effiziente Ermittlung des Nitratgehalts im Bodens von entscheidender Bedeutung. Der Messung des Stickstoffs liegen folgende chemische Zusammenhänge zu

Die Stoffmengenkonzentration von Stickstoff $c_{(N)}$ lässt sich berechnen durch.

$$c^{(N)} \coloneqq \frac{n^{(N)}}{V}$$

wobei V das Volumen der Lösung und $n_{(N)}$ die enthaltenen Stoffmenge von Stickstoff ist.

Für eine gegebene Stoffmengenkonzentration c_0 und Stoffmenge n_o einer Probe, definieren wir den Stoffmengenanteil $y_{(N)}$ von Stickstoff als,

$$y_{(N)} \coloneqq \frac{c^{(N)}}{c_0} = \frac{n^{(N)}}{n_0}$$

2.2 Nahinfrarotspektroskopie

Bei der Nahinfrarotspektroskopie kommen elektromagnetische Wellen im Bereich zwischen 120 THz und 400 THz

1

bzw. 2.500 nm und 750 nm zum Einsatz. [AHJ10] Das Messverfahren nutzt die Tatsache, dass bei der Bestrahlung einer Probe Teile des Lichts reflektiert, hindurch gelassen oder absorbiert werden. Von besonderem Interesse ist hierbei die Reflexion des Lichts, welche sich in den zwei Komponenten Spiegelreflexion und diffuse Reflexion unterscheiden lässt. Aus den Teilen des Lichts welche diffus reflektiert werden, können aufgrund der größeren Eindringtiefe Informationen über die Beschaffenheit der Probe gewonnen werden. [AHJ10] Für eine Wellenlänge λ ist das relative Reflexionsvermögen $\delta(\lambda)$ definiert als:

$$\delta \colon (0, \infty) \to (0, \infty), \qquad \delta(\lambda) \coloneqq \frac{P_{\mathbf{r}}(\lambda)}{P_{\mathbf{s}}}$$

wobei $P_{\rm r}(\lambda)$ die Reflexion einer Probe und P_0 die Reflexion eines Materials mit einem Reflexionsanteil nahe 100% ist

Weiterhin lässt sich unter Anwendung des Beer'schen Gesetzes ein approximativer Zusammenhang zwischen dem relativen Reflexionsvermögen und der Stoffmenge $c_{(N)}$ des Stickstoffs herstellen. In eine Probe mit n verschiedenen Stoffen sei c_i die Stoffmengenkonzentration des iten in der Probe enthaltenen Stoffes. Dann sei $\varepsilon_i(\lambda)$ ein Koeffizient mit $i \in \mathbb{N}, i \leq n$ sodass

$$-\log \delta(\lambda) = -\log \frac{P_{r}(\lambda)}{P_{s}} = \sum_{i=1}^{n} \varepsilon_{i}(\lambda)c_{i}$$

3 Methodik

3.1 Datensatz

Der für die Modellwahl verwendete Datensatz beinhaltet die logarithmierten relativen Reflexionswerte $-\delta(\lambda)$ bei Wellenlängen zwischen 1400 nm und 2672 nm in einem Abstand von 4 nm sowie die Stoffmengeanteile $y^{(N)},\,y^{(SOC)}$ und entsprechenden pH-Werte von insgesamt 533 Proben. Informationen über die chemische Zusammensetzung der Probe in den Reflexionswerten im Nahinfrarotbereich sind stark überlagert. [AHJ10] Aus diesem Grund ist eine sorgfältige Auswahl relevanter Wellenlängen von besonderer Bedeutung für die Erstellung eines zuverlässigen Modells.

3.2 Statistisches Modell

Sei $n \in \mathbb{N}$ die Größe des Datensatzes und $k \in \mathbb{N}$ mit k < n die Anzahl der Wellenlängen im Datensatz. Entsprechend Abschnitt 3.1 definieren wir dann die Einflussgröße x_{ij} als für die ite Probe und jte Wellenlänge als

$$x_{ij} := -\lg \delta_i(\lambda_j)$$

für jedes $i, j \in \mathbb{N}, i \leq n, j \leq k$.

Der Stoffmengenanteil des Stickstoffs $y^{(N)}$ stellt die Zielgröße unseres späteren Modells dar. Wie definieren hierfür den Vektor der Stoffmengenanteile y_i der iten Probe als den n-dimensionalen Vektor

$$y^{(N)} \coloneqq \left(y_i^{(\mathrm{N})}\right)$$

Nachdem wir sowohl die Einflussgrößen als auch die Zielgröße für das lineare Modell definiert haben, lassen sich diese nun in Zusammenhang bringen. Es ist valide anzunehmen, dass sich die Zielgröße durch einen Linearkombination der Einflussgrößen beschreiben lässt. Hierfür definieren wir zunächst $Y^{(\mathrm{N})}$ als einen zufälligen Vektor von $y^{(\mathrm{N})}$ mit

$$\mathbb{E}Y^{(N)} := \beta_0 + \sum_{j=1}^k x_{ij}\beta_j$$

Zudem ist es notwendig eine Variable $\varepsilon^{(\mathrm{N})}$ einzuführen welchen den Zufall der Messungen beschreibt. In Matrixschreibweise lässt sich dies durch die Designmatrix $\mathbb{X} \in \mathbb{R}^{n \times (k+1)}$, dem Parametervektor $\beta \in \mathbb{R}^{k+1}$ und dem stochastisch verteilten Parameter $\varepsilon^{(\mathrm{N})}$ wie folgt darstellen.

$$Y^{(\mathrm{N})} = \mathbb{X}\beta + \varepsilon^{(\mathrm{N})}$$

Für den Zufallsparameter $\varepsilon^{(N)}$ muss zudem gelten

$$\mathbb{E}\,\varepsilon^{(N)} = 0, \qquad \cos\varepsilon^{(N)} = (\sigma^2)^{(N)}I$$

wobei $(\sigma^2)^{(N)} \in (0,\infty)$. Weiterhin soll angenommen werden, dass $\varepsilon^{(N)}$ normalverteilt ist mit

$$\varepsilon^{(N)} \sim \mathcal{N}\left(0, (\sigma^2)^{(N)}I\right)$$

sodass sich für das Gesamtmodell gilt

$$Y^{(N)} \sim \mathcal{N}\left(\mathbb{X}\beta^{(N)}, (\sigma^2)^{(N)}I\right)$$

3.3 Modellwahl im Falle der NIR-Spektroskopie

Seien $Y \in \mathbb{R}^n$ die Zielgröße in einem statistischen Modellwahlverfahrens und $\mathbb{X} \in \mathbb{R}^{n \times d}$ eine Designmatrix. Zur Wahl einer geeigneten Menge von k Einflussparametern auf die Zielgröße y_i wird klassischerweise die Modellwahl über eine hierarchische Aufstellung von linearen Modellen erreicht. Beginnend mit dem minimalen Modell $E(Y_i) = \beta_0$ werden nach und nach neue potenzielle Einflussparameter x_{ik} hinzugefügt. Zu jedem dieser neuen x_{ik} wird dann eine Teststatistik aufgestellt, die darauf hinweist, ob der gewählte Parameter wichtig ist ist oder nicht. Dabei ist die Nullhypothese, dass x_{ik} keinen Einfluss auf die Zielgröße hat: $H_0 = \beta_k = 0$ und wird abgelehnt, falls $H_1 = \beta_k \neq 0$

zutrifft. Dies wird über die T-Teststatistik erreicht, wobei für den Fall, dass H_0 richtig ist, gilt:

$$\frac{\hat{\beta_k}}{\sqrt{\sigma^2(\mathbb{X}^T\mathbb{X})_{kk}^{-1}}} \sim t_{n-(k+1)}.$$

Dieses Verfahren ist vor allem dann besonders gut geeignet, wenn man bereits theoretisch fundierte Annahmen über die Einflussgrößen machen kann. Mit diesem Modellwahlverfahren ergeben sich hier allerdings einige Schwierigkeiten, wobei die für unseren Fall besonders schwerwiegenden herausgehoben werden: In dieser Arbeit haben wir es mit einer großen Anzahl potenzieller Einflussvariablen auf dem Nahinfrarotspektrum zu tun. A priori kann schwer eine inhaltliche Deutung vorgenommen werden, die gewisse Wellenlängen bevorzugt. Daher ist eine hierarchische Modellwahl mit wenigen, theoretisch begründeten Einflussvariablen nicht möglich. Demnach muss in dieser Arbeit die Anzahl der möglichen Einflussgrößen stark erhöht werden und hier bekommen wir ein Problem mit der T-Teststatistik. Es ließen sich sehr viele unterschiedliche Kombinationen von Einflussgrößen aufstellen und in eine hierarchische Form bringen. Doch da wir bei der T-Teststatistik ein zufälliges Intervall konstruieren, gegen das unsere Hypothese getestet wird, wird die Wahrscheinlichkeit bei oft wiederholten Tests fälschlicherweise die Nullhypothese abzulehnen mit Anzahl der Versuchen immer größer. An ein automatisiertes Modellwahlverfahren, das in dieser Arbeit von Vorteil ist, ist also mittels des T-Tests nicht zu erreichen [Sch19]. Stattdessen bietet sich eine Modellwahl basierend auf dem erwarteten Prognosefehler ("sum of prediction squared error", SPSE)

$$SPSE := \mathbb{E}(\sum_{i=1}^{n} (Y_{i+n} - \hat{Y}_{i}^{(M)})^{2})$$

Hierbei sind die Werte in Y_{i+n} neue Beobachtungen zum Erwartungsvektor x_i und $\hat{Y}_i^{(M)} = x_i^{(M)} \hat{\beta}_i^{((M)}$ ist sind die Prognosewerte aus dem zu testenden Modell M. Der Prognosefehler lässt sich in 3 Terme zerlegen: Einen irreduzierbaren Prognosefehler, der unabhängig von dem momentan betrachteten Modell ist, einen Biasterm, der die Abweichung des aktuellen Modells M vom Prognosemodell als Summe der quadrierten Prognose-Verzerrungen anzeigt und einen Varianzterm, der die Ungenauigkeiten widerspiegelt, die sich aus der Schätzung von p=(|M|+1) unbekannten Parametern ergibt:

$$SPSE^{(M)} = n\sigma_{full}^2 + p\sigma_{full}^2 + (bias^{(M)})^2$$

Der SPSE lässt sich über unterschiedliche Wege schätzen:

- (1) mithilfe neuer Beobachtungen,
- (2) (wiederholter) Zerlegung der Ursprungsdaten in Test-

und Trainingsdaten (Kreuzvalidierung) oder

(3) mittels Schätzung basierend auf der Residuenquadratsumme ("residual squared sum", RSS), hier im Vergleich zu o.g. SPSE:

$$RSS^{(M)} := \sum_{i=1}^{n} (Y_i - \hat{Y}_i^{(M)})^2$$

$$SPSE^{(M)} := \sum_{i=1}^{n} \mathbb{E}(Y_{i+n} - \hat{Y}_{i}^{(M)})^{2}$$

Es kann gezeigt werden, dass RSS den Wert von SPSE systematisch unterschätzt, dass diese Unterschätzung jedoch behoben werden kann, indem für alle Modelle die Varianzschätzung aus dem maximalen Modell verwendet wird[Sch19]:

$$SPSE^{(M)} := RSS^{(M)} + 2\tilde{\sigma}_{full}^2(k+1)$$

Die Minimierung des SPSE entspricht der Minimierung des Mallow's Cp- Kriteriums, das für die folgenden Analysen getestet werden soll. Dabei gilt:

$$Cp^{(M)} = \frac{1}{\sigma_{full}^2} \sum_{i=1}^n (y_i - \hat{y_i}^{(M)})^2 - n + 2(k+1)$$

3.4 Modellselektion

Sei Λ die Menge der erhobenen Wellenlängen in der Designmatrix. Das erste Ziel dieser Arbeit ist es, diejenigen Wellenlängen $\lambda \in \Lambda$ herauszufinden, deren Reflektionswerte x_j der Nahinfrarotspektroskopie einen Einfluss auf den Stickstoffgehalt des Untergrunds hat. Es wurden mehrere Selektionsverfahren verglichen, die auf zwei Annahmen basieren:

- (1) Die erste Ableitung x_j' der Wellenlängen zeigt an, wie groß die Veränderungen der Reflektionswerte sind. Da bei der großen Anzahl an potenziellen Einflussparametern eine Vorauswahl schwierig ist, wurden also diejenigen mit auffälligem mathematischen Verhalten ausgewählt: (a) diejenigen Reflexionen, deren 1. Ableitung über einem Grenzwertes τ_1 lag oder (b) diejenigen, deren Werte unterhalb eines Schwellenwertes lagen.
- (2)Darüber hinaus wurden diejenigen Wellenlängen ausgewählt, die einen hohen Informationsgehalt,bzw.eine Variablilität $var(x_j') > \tau_2$ haben. Zur Berechnung der Variablilität wurden wiederum unterschiedliche Verfahren angewandt. In Modell (a) wurde die Differenz zwischen dem minimalen und dem maximalen Ableitungswert normaiert auf den Mittelwert, während (b) und (c) ohne Normierung arbeiten. In (b) wird lediglich zusätzlich der Betrag verwendet:

$$\begin{array}{l} \text{(a) } var(\delta(\lambda)) = \frac{|max(\delta(\lambda)') - min(\delta(\lambda)')|}{mean((\delta(\lambda)'))} \\ \text{(b) } var(\delta(\lambda)) = |max(\delta(\lambda)') - min(\delta(\lambda)')| \\ \text{(c) } var(\delta(\lambda)) = max(\delta(\lambda)') - min(\delta(\lambda)') \end{array}$$

Der Vergleich zwischen den Modellen ergab, dass der zugehörige SPSE-Wert am kleinsten ist, wenn wir diejenigen Reflexionen verwenden, deren erste Ableitung und Variablilität über τ_1 , bzw. τ_2 liegen. (1b) und (2b), oder:

$$\Delta(\lambda)_{select} = \{ (\delta(\lambda)') \in \Lambda | (\delta(\lambda)') > \tau_1 \land |\max(\delta(\lambda)') - \min(\delta(\lambda)')| > \tau_2 \}$$

Die so ausgewählten Wellenlängen wurden als Maximalmodell in der Berechnung von Mallow's Cp gegeben. Da immer noch sehr viele Variablen im Modell sind, wurde die performantere Rückwärtsselektion für die konkrete Berechnung verwendet.

3.5 Validierung des Modells

Ein geeigneter Parameter zur Messung der globalen Anpassungsgüte einer Regression ist \mathbb{R}^2 , definiert als **Quelle**

$$R^{2(M)} := \frac{\sum_{i=1}^{n} \left(\hat{y}_{i}^{(M)} - \overline{y} \right)^{2}}{\sum_{i=1}^{n} \left(y_{i} - \overline{y} \right)^{2}}$$

Dieser beschreibt den Anteil der durch die Regression erklärten Quadratsumme an der totale Quadratsumme und nimmt dadurch Werte zwischen 0 und 1 an. Während ein \mathbb{R}^2 von 1 für einen perfekten linearen Zusammenhang steht bedeutet ein Wert von 0, dass kein linearer Zusammenhang vorliegt. Für das gewählte Modell ergibt sich ein Wert von Dies weißt auf eine relativ gute Anpassung durch das gewählte Modell hin. **zu prüfen** Zudem ist es sinnvoll neben dem Parameter \mathbb{R}^2 ein Korrelationsdiagramm zwischen der durch das Modell geschätzten Ausprägung \hat{y}_i und dem wahren Wert y_i zu betrachten. **Einfügen von Grafik:**

Korrelations diagramm

3.6 Theoretische Grundlagen der Simulation

Wie in Abschnitt ?? beschrieben gibt der SPSE den erwarteten Prognosefehler an. Es ist offensichtlich, dass dieser Wert möglichst gering sein sollte, um ein verlässliche Vorhersagen zu neuen Daten zu generieren.

Im Allgemeine kann der SPSE mit Hilfe neuer Beobachtungen geschätzt werden.[?] Da diese nicht zur Verfügung stehen werden stattdessen neuen Pseudobeobachtungen der Zielgröße mit Hilfe des gewählten Modells generiert. Der aus der Pseudobeobachtungen geschätzte Prognosefehler kann der mit dem wahren wahren Prognosefehler des Modellsverglichen werden. Bei gegebenem Modells M wird

der wahre Prognosefehler durch

$$SPSE^{(M)} := n\sigma^2 + (|M| + 1)\sigma^2$$

berechnet.

Der neue Vektor der Pseudobeobachtungen ist gegeben durch,

$$\widetilde{Y} := \widetilde{y}_i + \varepsilon$$

wobei für den stochastisch verteilen Parameter ε gilt

$$\varepsilon \sim \mathcal{N}\left(0, \sigma^2 \mathbf{I}_n\right)$$

und als Varianz die Varianz des Modells angenommen wird.

$$\sigma^2 \coloneqq \left(\tilde{\sigma}^2\right)^{(M)}$$

Aus den generierten Pseudodaten wird ein neues bestes Modell \widetilde{M} auf basierend auf dem kleinsten Cp-Wert ausgewählt, für dass gilt.

$$\widetilde{Y} \sim \mathcal{N}\left(\mathbb{X}\widetilde{\beta}, \sigma^2 I_n\right)$$

Hierfür wird die Varianz als unbekannt angenommen. Neben dem Vergleich des wahren und geschätzten Prognosefehlers bei gleicher Stichprobengröße soll zudem überprüft werden welcher Einfluss die Änderung der Stichprobengröße auf den Wert des geschätzten SPSE hat. Hierzu werden die verschiedenen Stichprobengrößen von n=(100,200,300,400,500,533) gewählt und zufällig aus dem Datensatz ausgewählt. Um die Verzerrung der Ergebnisse durch zufällige Ausreißer zu vermeiden werden die Simulationen mehrfach durchgeführt.

4 Implementation

5 Calibration

5.1 Model Selection

5.2 Bewertung der Modellwahl

Anhand des \mathbb{R}^2 Werte zeigt sich, dass das gewählte Modell ... die Varianz in den Daten gut erklären kann. Dies spiegelt auch das Korrelationsdiagramm wieder bei dem.... Abweichungen sind jedoch im dem Bereich zu beobachten, was durch ... erklärt werden kann. Insbesondere werden die Stickstoffwerte im dem Bereich zwischen... unter / überschätzt.

Insgesamt kann man sagen, dass das gewählte Modell ausreichend gute Prognosen liefert....

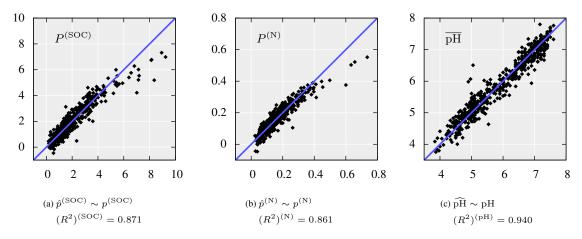


Figure 1: Correlation diagrams plotting \hat{y} on y and the blue line representing the id

6 Simulation - Schätzgenauigkeit von Mallow's Cp

Die hier vorgestellte Untersuchung soll zeigen, ob und inwiefern sich Mallow's Cp als Schätzwert für den SPSE an diesen annähert, wenn sich der Umfang der Stichprobe verändert. Genauer gesagt ziehen wir ein Sample von oben erstelltem Modell, zu dem die exakte Berechnung des SPSE für alle von uns gewählten Stichprobengrößen (z.B. n = [5, 10, 25, 50, 100, 200, 500]) möglichist. Der ermittelte SPSE Wert dient uns im späteren Vergleich als Ground Truth. Für jeden Stichprobenumfang ermitteln wir zudem den Wert von Mallow's Cp, der ein Schätzwert des ursprünglichen SPSE darstellt. Ermittelt werden soll dabei, inwiefern sich der Umfang der Stichprobe auf die Abweichung des Schätzers von der Ground Truth (SPSE) auswirkt.

7 Conclusion

Using Mallow's $C_{\rm p}$ criterion, we calibrated three predictive models for the soil parameters $p^{\rm (SOC)},~p^{\rm (N)}$ and pH. To construct ...

References

[AHJ10] Lidia Esteve Agelet and Charles R Hurburgh Jr. A tutorial on near infrared spectroscopy and its calibration. *Critical Reviews in Analytical Chemistry*, 40(4):246–260, 2010.

[PDD+13] C Poeplau, A Don, M Dondini, J Leifeld, R Nemo, J Schumacher, N Senapati, and M Wiesmeier. Reproducibility of a soil organic carbon fractionation method to derive rothe carbon pools. *European Journal of Soil Science*, 64(6):735-746, 2013. [Sch19] Jens Schumacher. Skript zur vorlesung statistische verfahren im wintersemester 2018/19, 2019.

[Umw17] Umweltbundesamt. Stickstoff, 2017.

A Prediction Parameters and Models

Table 1: Estimated model parameters of $P^{(\mathrm{SOC})}$ on selected model

$\lambda_i [\text{nm}] \beta_i^{(\text{SOC})} \lambda_i [\text{nm}] \beta_i^{(\text{SOC})}$	$\lambda_i [\mathrm{nm}]$	$\beta_i^{(SOC)}$	$\lambda_i [\mathrm{nm}]$	$\beta_i^{(SOC)}$
--	---------------------------	-------------------	---------------------------	-------------------

Table 2: Estimated model parameters of $\overline{\mathbf{p}H}$ on selected model

$\lambda_i [\text{nm}] \beta_i^{(\text{pH})}$	$\lambda_i [\mathrm{nm}]$	$\beta_i^{(\mathrm{pH})}$	$\lambda_i [\mathrm{nm}]$	$\beta_i^{(\mathrm{pH})}$	$\lambda_i [\mathrm{nm}]$	$\beta_i^{(\mathrm{pH})}$

Table 3: Estimated model parameters of $P^{(\mathrm{N})}$ on selected model

$\lambda_i [\text{nm}] \beta_i^{(\text{N})}$	$\lambda_i [\text{nm}] \beta_i^{(\text{N})}$	$\lambda_i [\text{nm}] \beta_i^{(\text{N})}$	$\lambda_i [\mathrm{nm}] \beta_i^{(\mathrm{N})}$
---	---	---	---

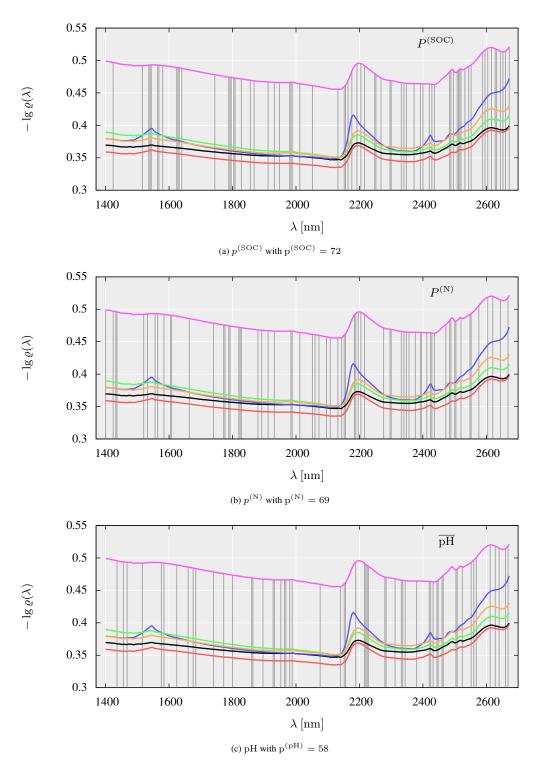


Figure 2: Displaying the spectra from figure ?? with wavelength included in the selected models for each response highlighted by vertical grey lines

B R Source Code

Statutory Declaration		
We herewith declare that		
Jena, 25th of August 2016		
	Kazimir Menzel	Markus Pawellek