## LayerNorm 计算式

对于同样的输入 X, LayerNorm 的计算可以表示为:

1. 首先计算每个样本的特征值的均值和标准差:

$$\mu = rac{1}{d} \sum_{i=1}^d x_i$$
  $\sigma = \sqrt{rac{1}{d} \sum_{i=1}^d (x_i - \mu)^2}$ 

2. 使用均值  $\mu$  和标准差  $\sigma$  对输入 X 进行归一化:

$$X_{\text{norm}} = \frac{X - \mu}{\sigma + \epsilon}$$

3. 最后,将归一化的数据  $X_{norm}$  乘以可学习的权重 w 并加上偏置 b:

$$Y = w \cdot X_{\text{norm}} + b$$

```
import torch
import torch.nn as nn

class LayerNorm(nn.Module):
    def __init__(self, dim, eps=1e-6):
        super(LayerNorm, self).__init__()
        self.eps = eps
        # 为每个输入特征学习一个独立的缩放参数和偏移参数
        self.weight = nn.Parameter(torch.ones(dim))
        self.bias = nn.Parameter(torch.zeros(dim))

def forward(self, x):
        mean = x.mean(-1, keepdim=True)
        std = x.std(-1, keepdim=True, unbiased=False)
        return self.weight * (x - mean) / (std + self.eps) + self.bias
```

### RMSNorm 计算式

对于给定的输入 X (其中 X 是一个  $n \times d$  的矩阵,n 是批次大小,d 是特征维度),RMSNorm 的计算可以表示为:

1. 首先计算每个样本的特征平方的均值:

$$\mu = \frac{1}{d} \sum_{i=1}^d x_i^2$$

其中  $x_i$  是 X 中的一个特征。

2. 接着计算均值的平方根的倒数,同时加上一个小的常数  $\epsilon$  以避免除以零:

$$RMS = \frac{1}{\sqrt{\mu + \epsilon}}$$

3. 最后,使用得到的 RMS 值对输入 X 进行归一化,并乘以可学习的权重参数 w:

$$Y = X \cdot \text{RMS} \cdot w$$

```
class RMSNorm(torch.nn.Module):
    def __init__(self, dim: int, eps: float = 1e-6):
        super().__init__()
        self.eps = eps
        self.weight = nn.Parameter(torch.ones(dim))

def __norm(self, x):
        return x * torch.rsqrt(x.pow(2).mean(-1, keepdim=True) + self.eps)

def forward(self, x):
    output = self._norm(x.float()).type_as(x)
        return output * self.weight
```

相对于LayerNorm, RMSNorm的计算量更小, 因此在处理大规模数据时更为高效。

## SwiGLU激活函数

```
SwiGLU(x) = (Linear(x) \cdot Sigmoid(Linear(x)))
```

结合了线性单元和门控机制,使其能够更复杂地表示非线性关系,能够有效地避免神经元死亡、缓解梯度消失和爆炸问题。相比之下,ReLU只是简单地将负值截断为零,表达能力相对有限。

## decoding过程中的采样策略

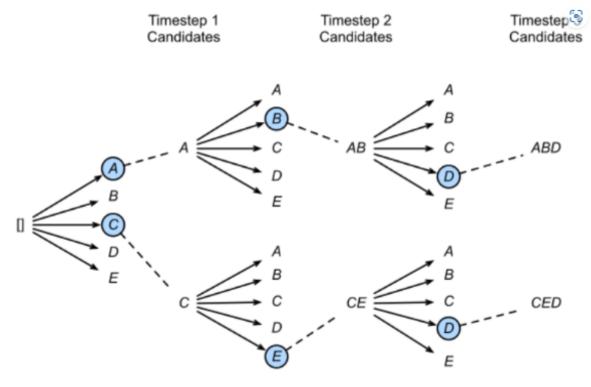
来自CSDN@自律也自由

### **Greedy search**

每次都选择当前时间步输出最大概率的词,贪婪搜索简单,计算量少,但是并不能找到全局最优的解。

#### **Beam Search**

beam search是对贪心策略一个改进。思路也很简单,就是稍微放宽一些考察的范围。在每一个时间步,不再只保留当前分数最高的1个输出,而是保留num\_beams个。当num\_beams=1时集束搜索就退化成了贪心搜索。是一种启发式图搜索算法,通常用在图的解空间比较大的情况下,为了减少搜索所占用的空间和时间,在每一步深度扩展的时候,剪掉一些质量比较差的结点,保留下一些质量较高的结点。这样减少了空间消耗,并提高了时间效率,但缺点就是有可能存在潜在的最佳方案被丢弃,因此Beam Search算法是不完全的,一般用于解空间较大的系统中。



### Top-k抽样



- 思路:从 tokens 里选择 k 个作为候选,然后根据它们的 likelihood scores 来采样模型从最可能的"k"个选项中随机选择一个,如果k=3,模型将从最可能的3个单词中选择一个。
- 优点: Top-k 采样是对前面"贪心策略"的优化,它从排名前 k 的 token 中进行抽样,允许其他分数或概率较高的 token 也有机会被选中。在很多情况下,这种抽样带来的随机性有助于提高生成质量。
- 缺点:在分布陡峭的时候仍会采样到概率小的单词,或者在分布平缓的时候只能采样到部分可用单词。k不太好选:k设置越大,生成的内容可能性越大;k设置越小,生成的内容越固定;设置为1时,和 greedy decoding效果一样。

# Top-p抽样——核采样 (Nucleus Sampling)



- 思路:候选词列表是动态的,从 tokens 里按百分比选择候选词,模型从累计概率大于或等于"p"的最小集合中随机选择一个,如果p=0.9,选择的单词集将是概率累计到0.9的那部分。
  - o top-P采样方法往往与top-K采样方法结合使用,每次选取两者中最小的采样范围进行采样,可以减少预测分布过于平缓时采样到极小概率单词的几率。如果k和p都启用,则p在k之后起作用。
  - o top-P越高,候选词越多,多样性越丰富。top-P越低,候选词越少,越稳定。
- 优点: top-k 有一个缺陷,那就是"k 值取多少是最优的?"非常难确定。于是出现了动态设置 token 候选列表大小策略——即核采样(Nucleus Sampling)。
- 缺点:采样概率p设置太低模型的输出太固定,设置太高,模型输出太过混乱。

### temperature



- 思路:通过温度,在采样前调整每个词的概率分布。温度越低,概率分布差距越大,越容易采样到概率大的字。温度越高,概率分布差距越小,增加了低概率字被采样到的机会。
- 参数: temperature(取值范围: 0-1)设的越高,生成文本的自由创作空间越大,更具多样性。温度越低,生成的文本越偏保守,更稳定。
- 一般来说,prompt 越长,描述得越清楚,模型生成的输出质量就越好,置信度越高,这时可以适当调高 temperature 的值;反过来,如果 prompt 很短,很含糊,这时再设置一个比较高的 temperature 值,模型的 输出就很不稳定了。

### 联合采样(top-k & top-p & Temperature)

思路:通常我们是将 top-k、top-p、Temperature 联合起来使用。使用的先后顺序是 top-k->top-p->Temperature。