

Universidad de Oviedo



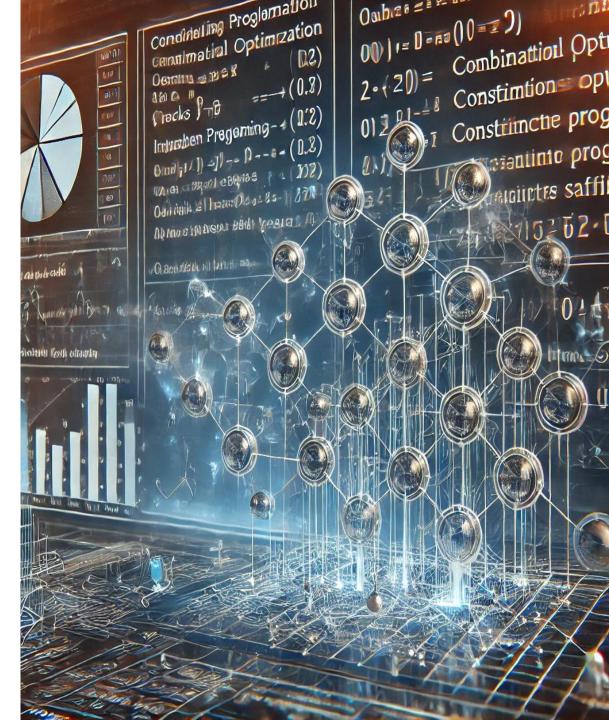
Técnicas de Inteligencia Artificial para la Optimización y Programación de Recursos

Algoritmos Genéticos y Diseño Orientado a Objeto

Jorge Puente Peinador (puente)@uniovi.es

Ciencia de la Computación e Inteligencia Artificial **Departamento de Informática**





Objetivo JSSP + "Framework GA"













```
Algoritmo Genético
                    Parámetros de Entrada (Pc, Pm, NumGen, PopSize, ...);
                    t \leftarrow 0;
                    Init(P(t)); // Población Inicial
              Evaluate(P(t)); // Función Fitness (Decodificación. y Evaluación)
                    while ( t < NroGen) {
Composición
                        t \leftarrow t+1;
    de
                       P'(t) = Select(P(t-1)); // Selección
Operadores
                    P''(t) = Alter(P'(t)); // Cruce y Mutación
                        Evaluate(P"(t)); // Función fitness (Decodificación. y Evaluación)
                        P(t) = Replace(P'(t), P''(t)); // Remplazamiento
                end.
```







	Problema:		Viajante de Comercio (TSP)
	Representación Soluciones:		Permutación de símbolos (ciudades)
	DEPENDENCIAS		
OPERADOR	Representación Problema/Instancia		
Selección	-	-	Torneo 8:1
Reemplazamiento	-	-	Generacional
Cruce	dependiente	-	Cruce Ordered Crossover (OX)
Mutación	dependiente	-	Mutación SWAP
Generador Inicial (Instancia->Genotipo)	dependiente	dependiente	Permutación Aleatoria / Heurístico: k vecinos más cercanos
Decodificador (Genotipo->Fenotipo)	dependiente	dependiente	Permutación ID-Ciudades -> Secuencia de coordenadas (x, y) a visitar
Evaluador (Fenotipo -> Fitness)	_	dependiente	Secuencia de (x, y) -> Distancia

Dependencias de los operadores

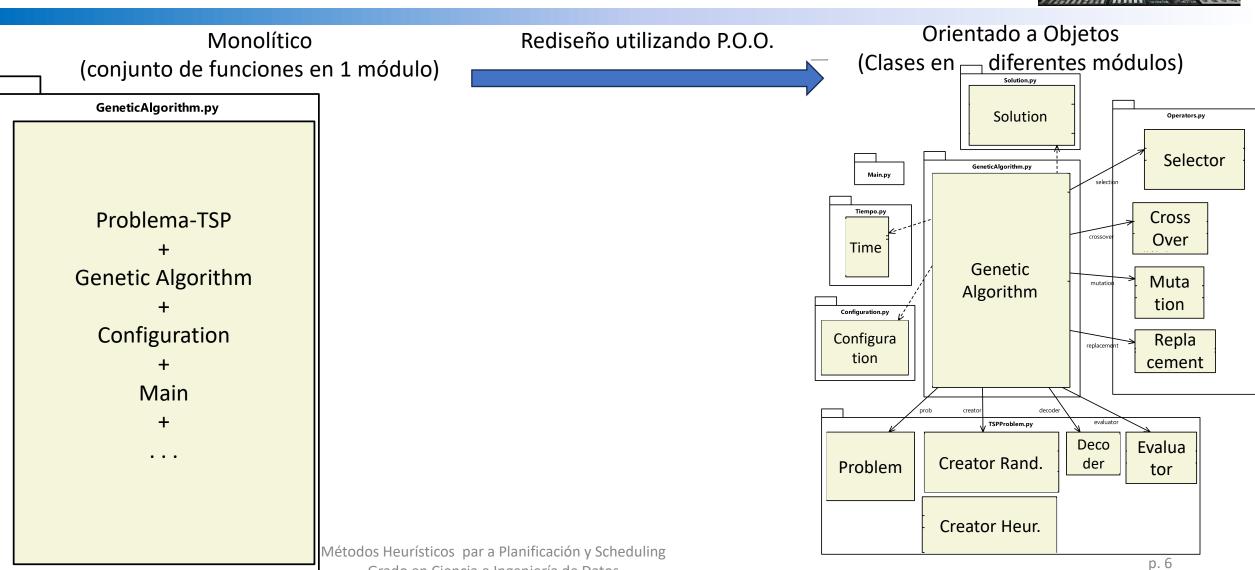


		Problema:	Viajante de Comercio (TSP)	JSSP
	Represer	ntación Soluciones:	Permutación de símbolos (ciudades)	Permutación de símbolos (tareas)
	DEPE	NDENCIAS		
OPERADOR	Representación	Problema/Instancia		
Selección	-	-	Torneo 8:1	Torneo 8:1
Reemplazamiento		-	Generacional	Generacional
Cruce	dependiente	-	Cruce Ordered Crossover (OX)	Cruce Order CrossOver (GOX) (*)
Mutación	dependiente	-	Mutación SWAP	Mutación SWAP (*)
Generador Inicial (Instancia->Genotipo)	denendiente	dependiente	Permutación Aleatoria / Heurístico: k vecinos más cercanos	Permutación Aleatoria de tareas
Decodificador (Genotipo->Fenotipo)	dependiente	dependiente	Permutación ID-Ciudades -> Secuencia de coordenadas (x, y) a visitar	El Fenotipo: Schedule y startingTimes
Evaluador (Fenotipo -> Fitness)	_	dependiente	Secuencia de (x, y) -> Distancia	El fitness es el Makespan (Ç _{max})

Diseño e Implementación GA-TSP

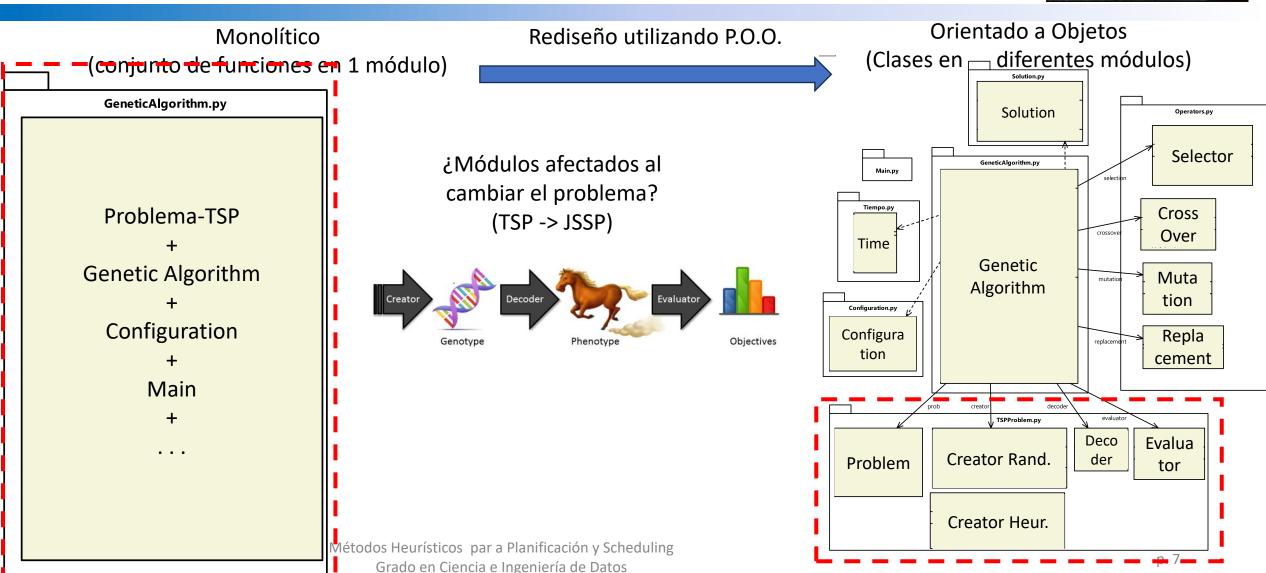
Grado en Ciencia e Ingeniería de Datos





Diseño e Implementación GA-TSP

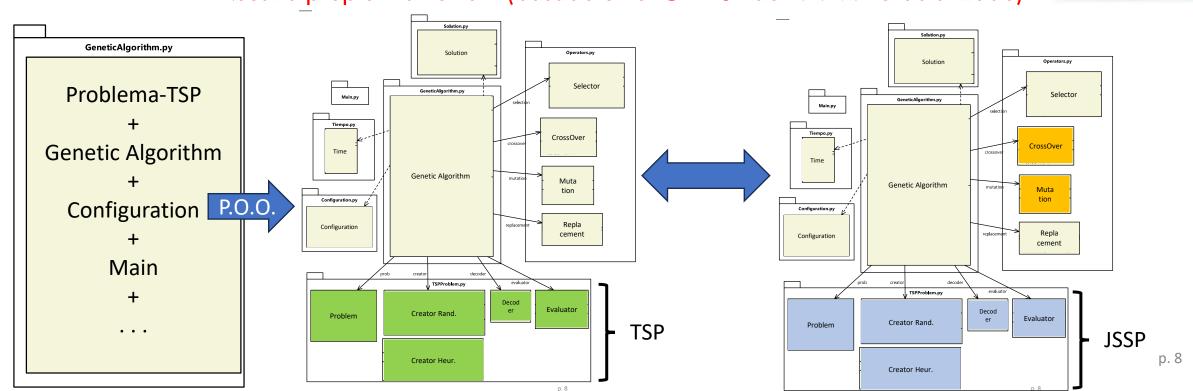




Objetivos



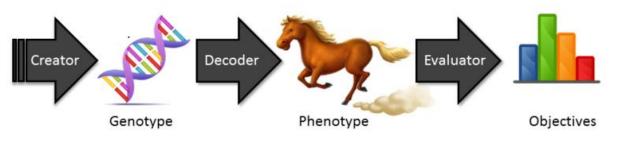
- Optimización problema JSSP mediante Algoritmos Genéticos
 - ¿Implementación "from Scratch"? No
 - Framework de Metaheurísticas
 - Nuestro propio Framework (basado en el GA-TSP de B. I. M. Refactorizado)



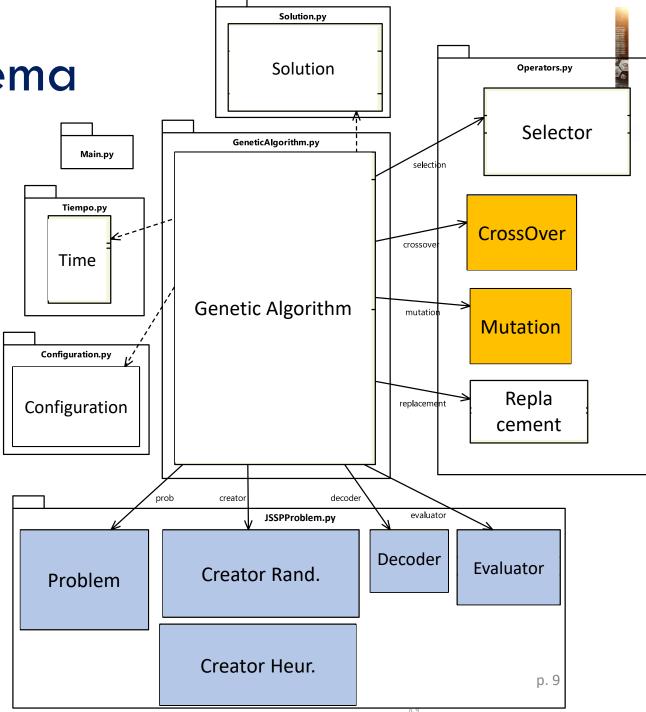


Cómo Definir el Problema

- Operadores específicos de JSSP
 - Problema
 - Codificación Cromosomas
 - Generación
 - \$<mark>Cruce</mark>?
 - ¿Mutación?
 - Decodificador & Evaluador







Algoritmos Genéticos. Población



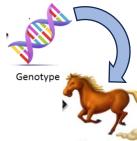


La **población** que emplea para evolucionar un Algoritmo Genético es representada mediante cromosomas.



- Un **cromosoma** representa una solución de un problema, y es un individuo de la población. En el caso del problema $J||C_{max}$ éste se puede representar con <mark>una permutación de tareas (con o sin repetición).</mark>
 - Es deseable que el cromosoma represente una solución factible, que respete las restricciones del problema.
 - Lo bueno o malo que es un cromosoma, nos lo da su valor de fitness.



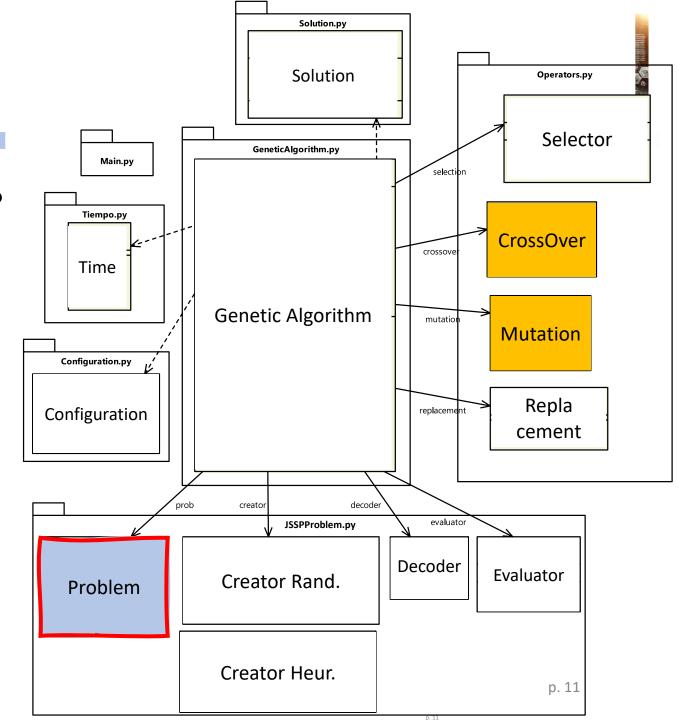


- Para calcular el valor de fitness de un individuo de la población o cromosoma tendremos que decodificarlo. Para ello se ha de construir la solución representada por el cromosoma, es decir obtener a partir de su genotipo, su fenotipo y calcula la función objetivo, lo que nos dará el fitness del cromosoma.
- Para decodificar un cromosoma podemos realizar <mark>una decodificación directa</mark> o <mark>emplear un Algoritmo Generador de Schedules (SGS),</mark> en ambos casos se empleará el orden de tareas expresado por el cromosoma para guiar la construcción de la solución.



Definiendo JSSP

- Operadores específicos de JSSP
 - Problema
 - Codificación Cromosomas
 - Generación
 - ¿Cruce?
 - ¿Mutación?
 - Decodificador & Evaluador

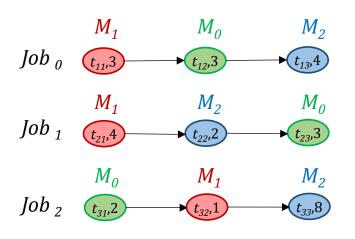






Datos

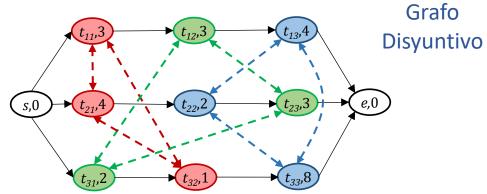
- Número de trabajos y de máquinas
- Secuencia de máquinas que usan las tareas de cada trabajo
- ullet Tiempos de procesamiento (duración) de las tareas, p_{ij}



3	tı	rabajos		
3	3 máquinas			
Secuencias			de	máquinas
1	0	2		
1	2	0		
0	1	2		
Dι	ıra	aciones		
3	3	4		
4	2	3		
2	1	8		

Restricciones

- Secuenciales (de trabajo). Una tarea no puede empezar antes de que termine la anterior en su trabajo
- Capacidad (de máquina). No se pueden solapar la ejecución de dos tareas en una misma máquina
- No-interrupción. No puede interrumpirse lo ejecución de las tareas

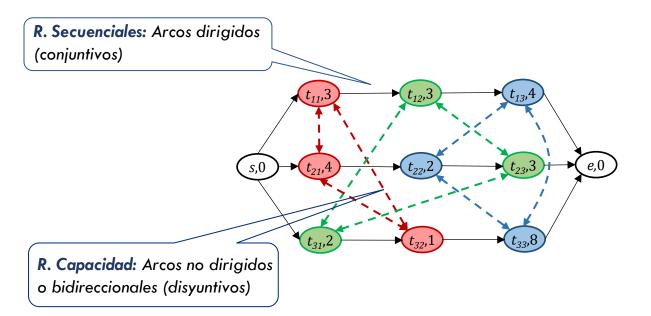






Grafo disyuntivo

- Grafo de restricciones:
 - Vértices: tareas con sus costes. Dos vértices adicionales $\{s, e\}$
 - Arcos: restricciones



Solución

- Orden de procesamiento para las tareas
 - Ordenación topológica (respeta las restricciones)

$$\pi = (s, t_{31}, t_{11}, t_{21}, t_{12}, t_{32}, t_{13}, t_{22}, t_{23}, t_{33}, e)$$

(Tiempos de inicio de las tareas)

Resolver un problema

- Elegir un sentido para los arcos disyuntivos (subgrafo)
 - Solución factible = Grafo Dirigido Acíclico
- Determinar los tiempos de inicio de las tareas

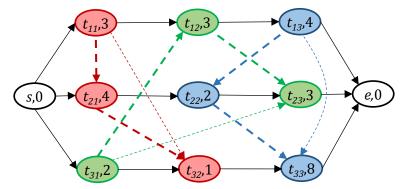
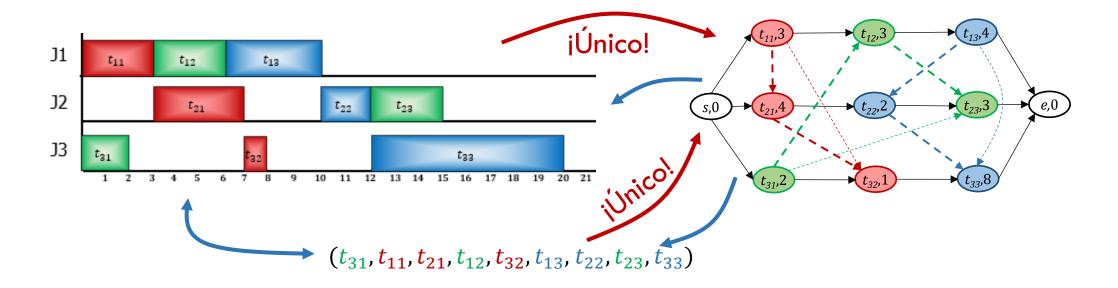




Diagrama de Gannt

Representa un Schedule mediante los tiempos de inicio y las duraciones de las tareas







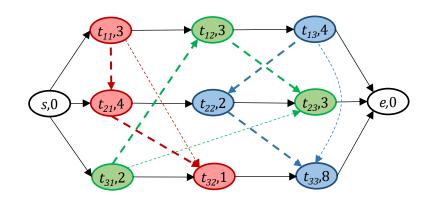
Funciones Objetivo

- (J) $|C_{max}|$ Minimizar el makespan $C_{max} = \max C_{ij}$
- (J) $|\Sigma C_i|$ Minimizar el flujo total $C_{sum} = \Sigma C_i$
- (J| $|\Sigma T_i|$) Minimizar el retraso respecto a fechas de entrega de los trabajos (Tardiness),
- $(J \mid L_{max})$ Minimizar el máximo tiempo de retraso (Lateness) ...

Coste de una solución

Calcular la función objetivo de una solución

$$\pi = (s, t_{31}, t_{11}, t_{21}, t_{12}, t_{32}, t_{13}, t_{22}, t_{23}, t_{33}, e)$$



Makespan:

$$C_{max} = max\{10, 15, 20\} = 20$$

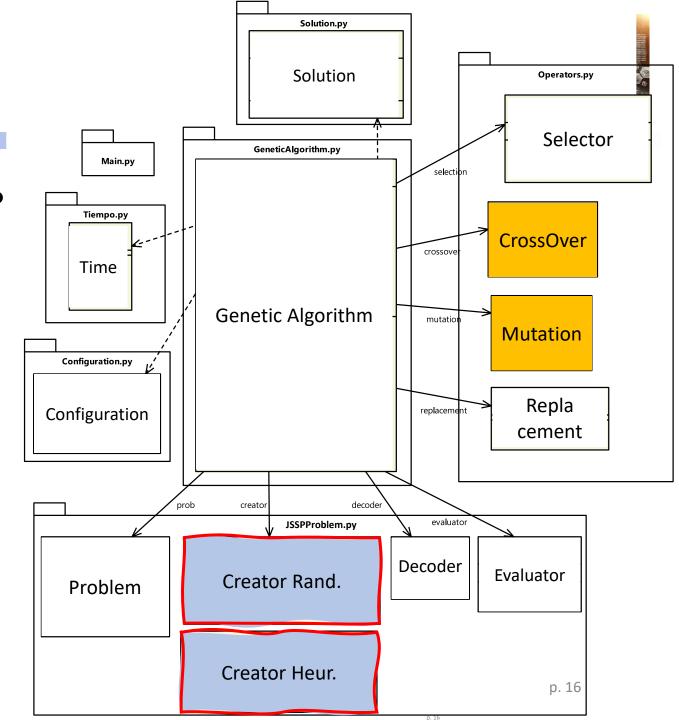
Total Completion Time:

$$\sum C_i = \sum_{i=1}^n C_i = 10 + 15 + 20 = 45$$



Definiendo JSSP

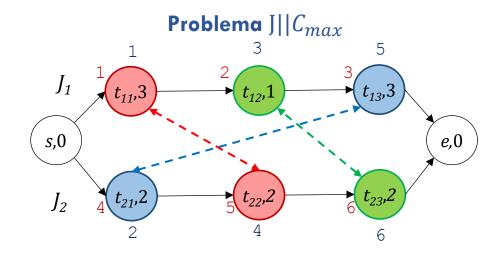
- Operadores específicos de JSSP
 - Problema
 - Codificación Cromosomas
 - Generación
 - ¿Cruce?
 - ¿Mutación?
 - Decodificador & Evaluador











Cromosoma: Orden de tareas.

- Permutaciones sin repetición
 - $(t_{21}, t_{22}, t_{11}, t_{12}, t_{13}, t_{23}), (2, 4, 1, 3, 5, 6), (4, 5, 1, 4, 5, 6)$
- Ventaja: operadores de cruce y mutación estándar
- Problema: podemos tener cromosomas que no representen soluciones factibles y tendrían que ser "reparadas"
 - No respeten las restricciones del problema

Ejemplos:

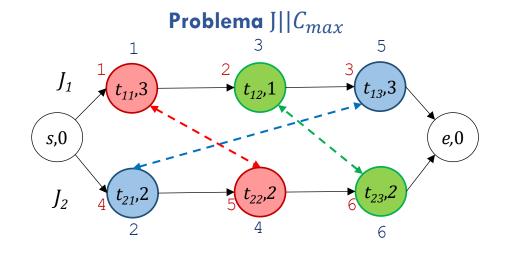
- $(t_{23}, t_{11}, t_{12}, t_{21}, t_{22}, t_{13}, t_{23})$ La tarea t_{23} no puede ir antes que la tarea t_{21} pues se incumple la restricción de secuencialidad en J_2
- (2,3,4,1,5,6) La tarea 3 (t_{12}) no puede ir antes que la tarea 1 (t_{11}) pues se incumple la restricción de secuencialidad en J_1
- (1, 2, 4, 6, 3, 5) La tarea 6 (t_{23}) no puede ir antes que la tarea 5 (t_{22}) pues se incumple la restricción de secuencialidad en J_2

Si queremos emplear esta codificación necesitamos un mecanismo que permita convertir las soluciones en factibles (para evaluarlas) o incluir en el AG un factor de penalización de estos individuos









Cromosoma: Orden de tareas.

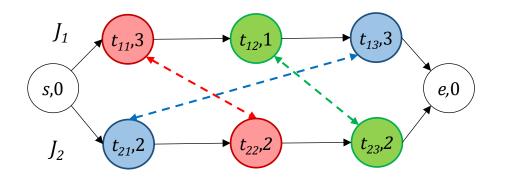
- Permutaciones con repetición
 - **(**2, 2, 1, 1, 1, 2)
- Problemas: Operadores de cruce y mutación no estándar, han de conservar la factibilidad de las soluciones de los cromosomas que generan
- Ventaja: la población sólo contiene individuos factibles y la decodificación es más sencilla (una de las operaciones más costosas del AG)
- Esta codificación emplea identificadores de trabajos. Al decodificar...
 - ¿Cómo saber a qué tarea del trabajo nos estamos refiriendo?
 - El primer identificador de un trabajo es la primera tarea del mismo, el segundo la segunda, etc...
 - En el proceso de decodificación debemos llevar la cuenta de las veces que ya ha salido el identificador del mismo trabajo







Problema $J||C_{max}||$



Decodificación directa: planificamos las tareas en el orden expresado por el cromosoma

Cromosoma

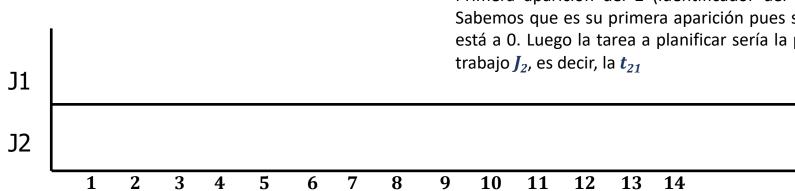
(2, 2, 1, 1, 1, 2)

El primer gen del cromosoma es el 2, lo que indica que la tarea a planificar pertenece al trabajo I_2

Primera aparición del 2 (identificador del trabajo I_2). Sabemos que es su primera aparición pues su contador está a 0. Luego la tarea a planificar sería la primera del

Contador

J_1	0
J_2	0

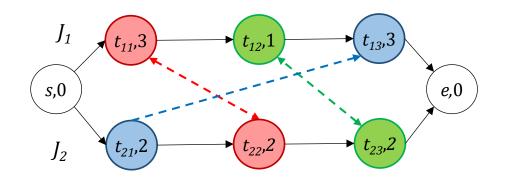








Problema $J||C_{max}||$



Cromosoma

(2, 2, 1, 1, 1, 2)

Planificamos la primera tarea del trabajo $J_{2,}$ tarea t_{21} y ponemos el contador para el trabajo J_{2} a ${\bf 1}$

Contador

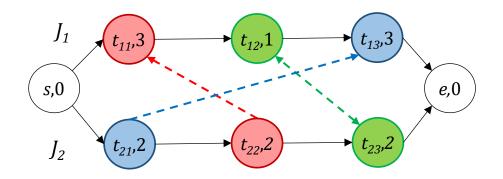






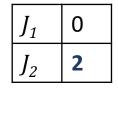


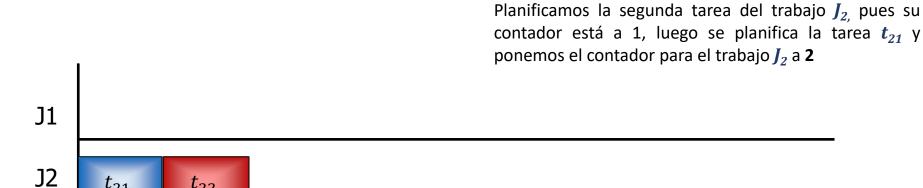
Problema $J||C_{max}||$



 t_{21}

Contador





Cromosoma

(2, **2**, 1, 1, 1, 2)

12

10

11

13

14

Segunda aparición del 2 (identificador del trabajo I_2).

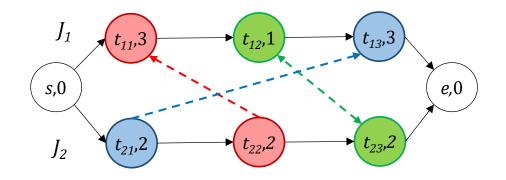
Métodos Heurísticos par a Planificación y Scheduling Grado en Ciencia e Ingeniería de Datos

 t_{22}





Problema $J||C_{max}||$



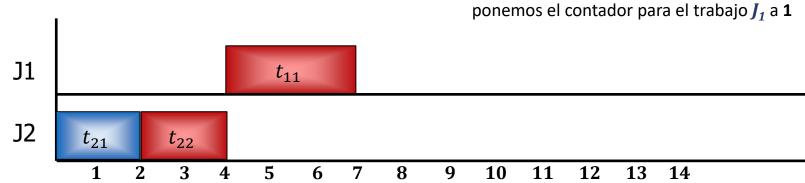
Cromosoma (2, 2, 1, 1, 1, 2)

Primera aparición del 1 (identificador del trabajo J_1)

Planificamos la primera tarea del trabajo J_{1} , pues su contador está a 0, luego se planifica la tarea t_{11} y ponemos el contador para el trabajo J_{1} a ${\bf 1}$

Contador

J_1	1
J_2	2

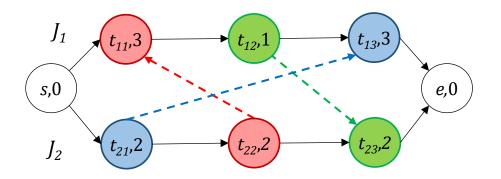








Problema $J||C_{max}||$



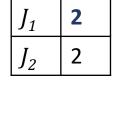
J1

J2

 t_{21}

 t_{22}

Contador





12

10

11

13

14

Segunda aparición del 1 (identificador del trabajo J_1)

Planificamos la segunda tarea del trabajo J_{1} , pues su contador está a 1, luego se planifica la tarea t_{12} y ponemos el contador para el trabajo J_{1} a 2



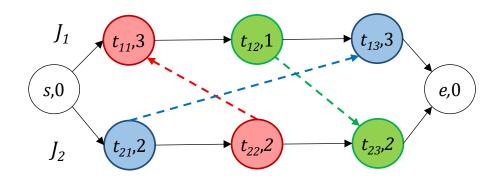
 t_{11}

 t_{12}





Problema $J||C_{max}||$



Cromosoma

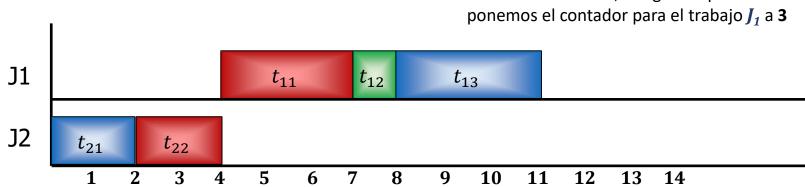
(2, 2, 1, 1, 1, 2)

Tercera aparición del 1 (identificador del trabajo J_1)

Planificamos la tercera tarea del trabajo J_{1} , pues su contador está a 2, luego se planifica la tarea t_{13} y ponemos el contador para el trabajo J_{1} a **3**

Contador

J_1	3
J_2	2

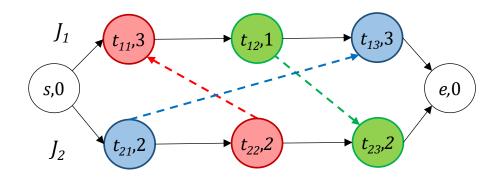








Problema $J||C_{max}||$



Cromosoma

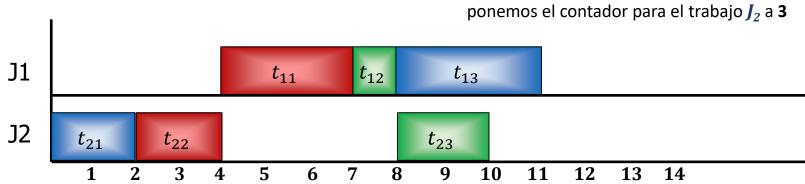
 $(2, 2, 1, 1, 1, \mathbf{2})$

Tercera aparición del 2 (identificador del trabajo J_2)

Planificamos la tercera tarea del trabajo J_{2} , pues su contador está a 2, luego se planifica la tarea t_{23} y ponemos el contador para el trabajo J_2 a **3**

Contador

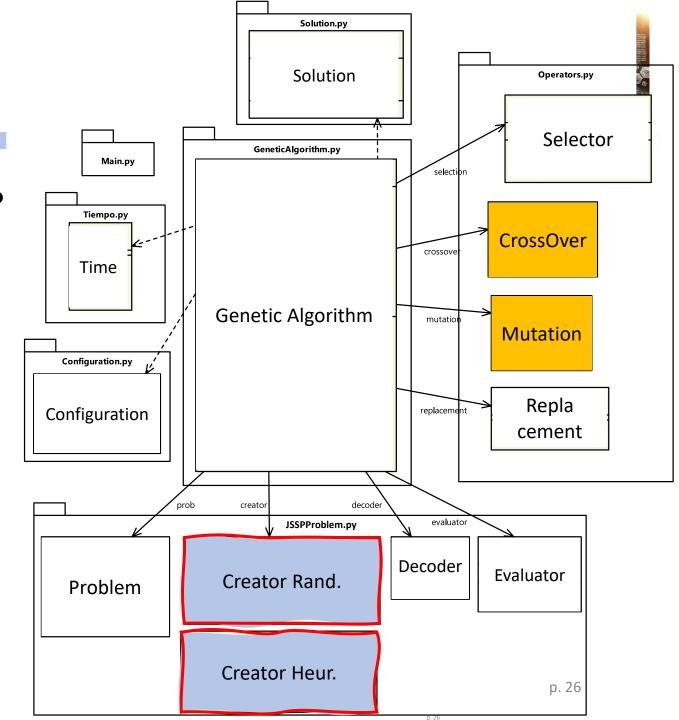
J_1	3
J_2	3





Definiendo JSSP

- Operadores específicos de JSSP
 - Problema
 - Codificación Cromosomas
 - Generación
 - ¿Cruce?
 - ¿Mutación?
 - Decodificador & Evaluador

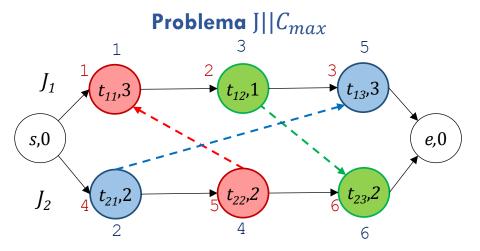






Generación Aleatoria de Soluciones





Cromosoma:

Secuencia Inicial: Secuencia de identificadores de trabajo, tantas veces como tareas tengan

Secuencia final: Permutación aleatoria de la secuencia inicial

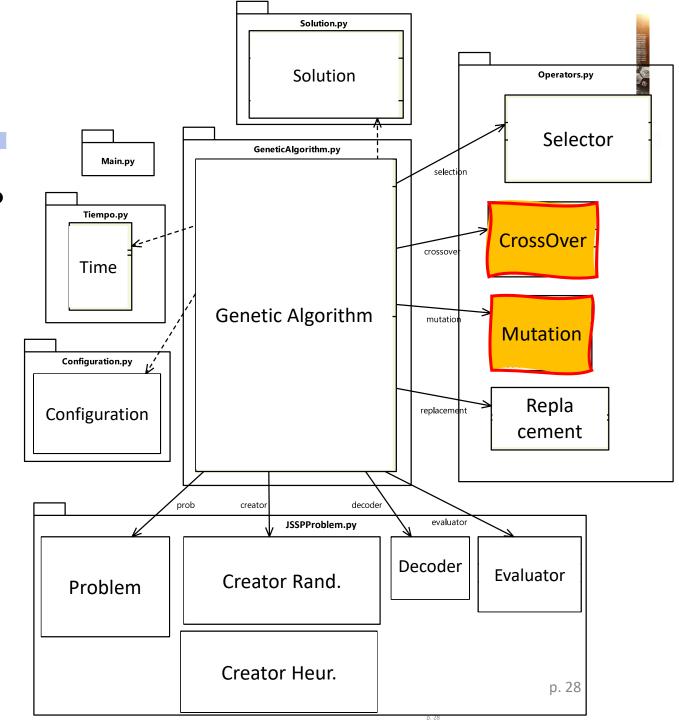
Ejemplos:
$$(1, 2, 2, 1, 2, 1)$$
 $(2, 2, 2, 1, 1, 1)$ $(1, 2, 1, 2, 1, 2)$... $(t_{12}, t_{21}, t_{22}, t_{12}, t_{23}, t_{13})$ $(t_{21}, t_{22}, t_{23}, t_{11}, t_{12}, t_{13})$ $(t_{11}, t_{21}, t_{12}, t_{22}, t_{13}, t_{23})$

Ventaja (con respecto a Permutaciones Sin Repetición): Todas las permutaciones codifican soluciones factibles



Definiendo JSSP

- Operadores específicos de JSSP
 - Problema
 - Representación Cromosomas
 - Generación
 - ¿Cruce?
 - Mutación?
 - Decodificador & Evaluador





Cruce y Mutación de Cromosomas



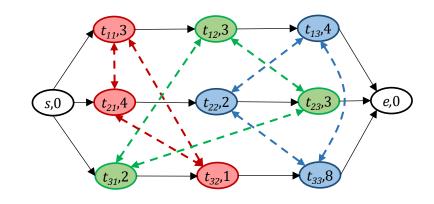
- Cruce
 - Generalized Order Crossover (GOX) [Bierwirth 1996]
 - Generalized Partial Mapped Crossover (GPMX) [Bierwirth 1996]

 parent 1
 3
 2
 2
 2
 3
 1
 1
 1
 3

 parent 2
 1
 1
 3
 2
 2
 2
 1
 2
 3
 3

 GOX offspring
 1
 3
 2
 2
 2
 3
 1
 1
 3

 GPMX offspring
 1
 3
 2
 2
 3
 1
 2
 1
 3

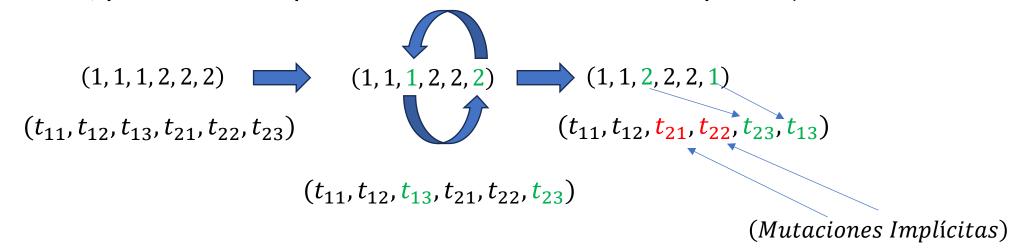




Cruce y Mutación de Cromosomas



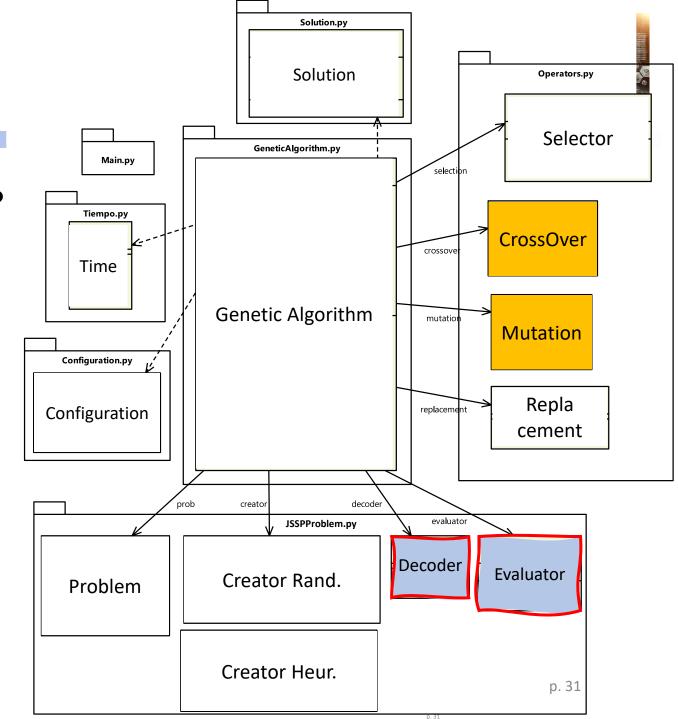
- Mutation SWAP
 - TSP: ok
 - JSSP: ok, pero más disruptiva: Mutaciones adicionales implícitas)





Definiendo JSSP

- Operadores específicos de JSSP
 - Problema
 - Representación Cromosomas
 - Generación
 - ¿Cruce?
 - ¿Mutación?
 - Decodificador & Evaluador



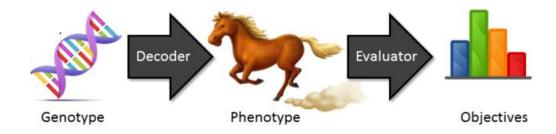






Decodificación y Evaluación de un cromosoma.

- Para calcular el valor de fitness de un individuo de la población o cromosoma tendremos que decodificarlo. Para ello se ha de construir la solución representada por el cromosoma, es decir obtener a partir de su genotipo, su fenotipo y calcula la función objetivo, lo que nos dará el fitness del cromosoma.
- Para decodificar un cromosoma podemos realizar una decodificación directa o emplear un Algoritmo Generador de Schedules (SGS), en ambos casos se empleará el orden de tareas expresado por el cromosoma para guiar la construcción de la solución.

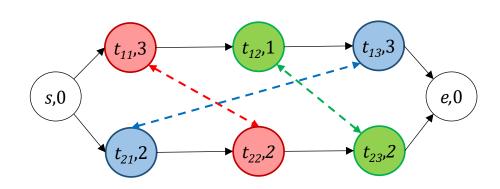






- Dado siguiente problema $J||C_{max}$, y el cromosoma que representa el orden topológico π , decodifica la solución representada por el cromosoma mediante una decodificación **directa** y calcula su fitness empleando la función objetivo Makespan $(C_{max} = max\{C_i | i = 1, ..., n\})$. En este problema todos los trabajos llegan en el instante cero.
- Orden topológico $\pi = (s, t_{11}, t_{12}, t_{13}, t_{21}, t_{22}, t_{23}, e)$
- **Cromosoma:** $(t_{11}, t_{12}, t_{13}, t_{21}, t_{22}, t_{23})$

En la decodificación directa se planifican las tareas en el orden expresado por el cromosoma



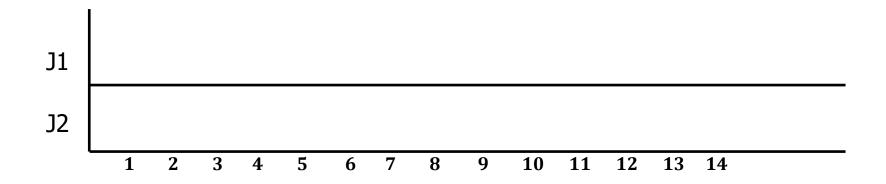




Vamos planificando las tareas en el orden expresado por el cromosoma t_{11} , t_{12} , t_{12} , t_{12} , t_{13} , t_{13} , t_{13} , t_{12} , t_{23} , t_{23

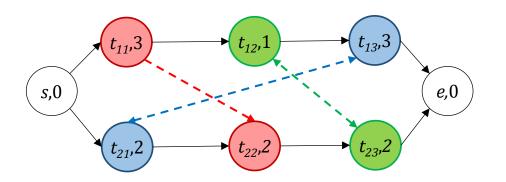
Cromosoma

 $(t_{11}, t_{12}, t_{13}, t_{21}, t_{22}, t_{23})$



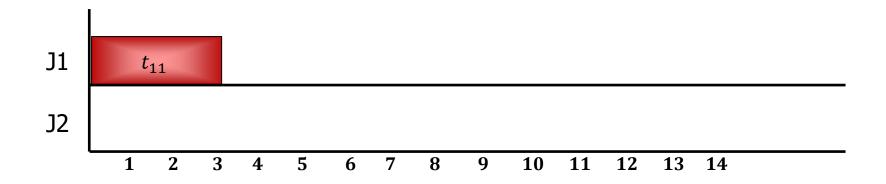






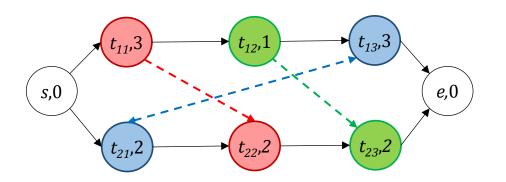
Cromosoma

 $(t_{11}, t_{12}, t_{13}, t_{21}, t_{22}, t_{23})$



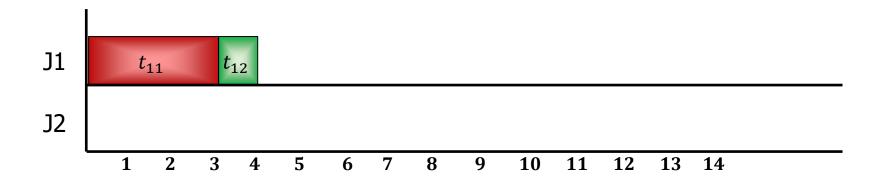






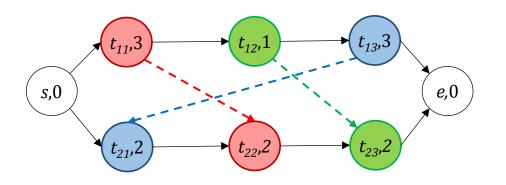
Cromosoma

 $(t_{11}, \boldsymbol{t_{12}}, t_{13}, t_{21}, t_{22}, t_{23})$



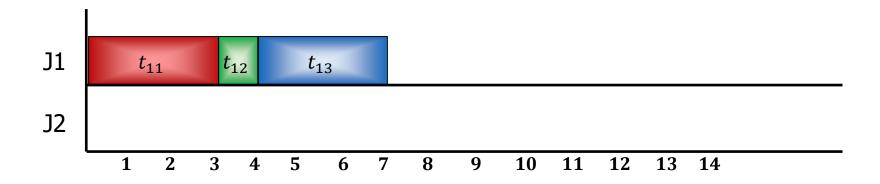






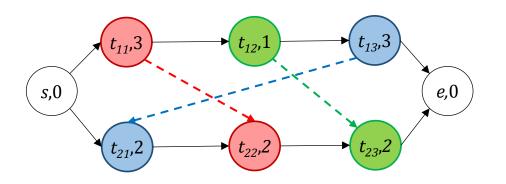
Cromosoma

 $(t_{11}, t_{12}, t_{13}, t_{21}, t_{22}, t_{23})$



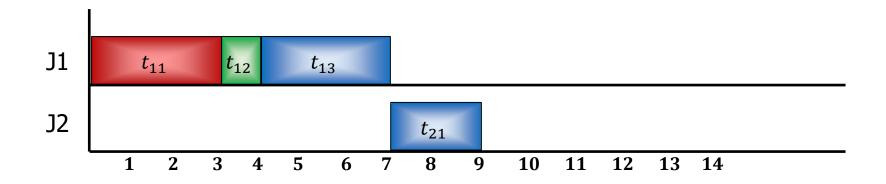






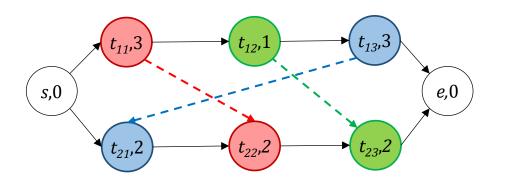
Cromosoma

 $(t_{11}, t_{12}, t_{13}, t_{21}, t_{22}, t_{23})$



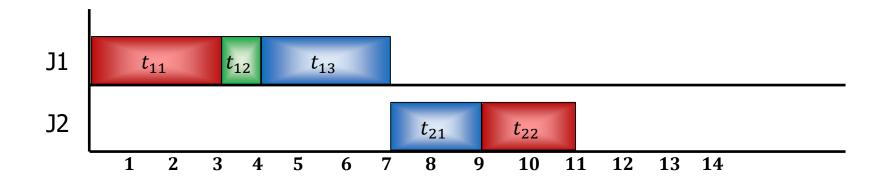






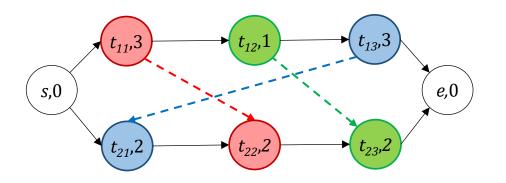
Cromosoma

 $(t_{11}, t_{12}, t_{13}, t_{21}, \boldsymbol{t_{22}}, t_{23})$



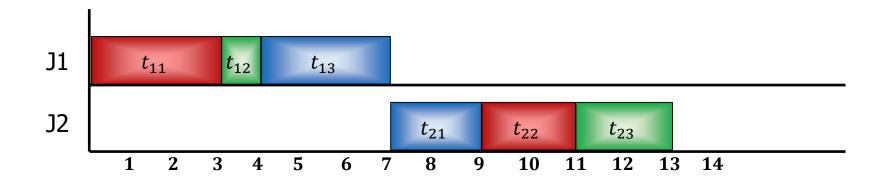






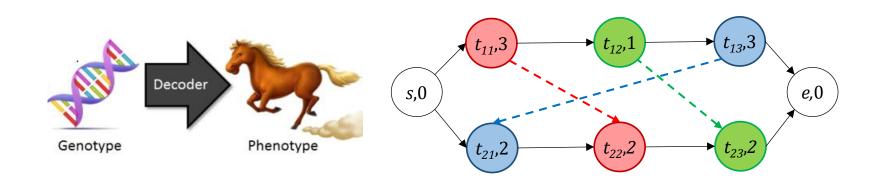
Cromosoma

 $(t_{11}, t_{12}, t_{13}, t_{21}, t_{22}, \boldsymbol{t_{23}})$



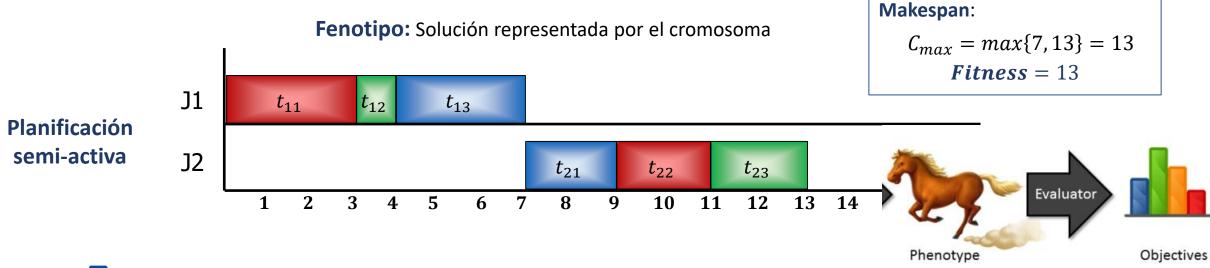






Cromosoma

 $(t_{11}, t_{12}, t_{13}, t_{21}, t_{22}, t_{23})$





Referencias



[Bierwirth 1996] Bierwirth, C., Mattfeld, D.C., Kopfer, H. (1996). On permutation representations for scheduling problems. In: Voigt, HM., Ebeling, W., Rechenberg, I., Schwefel, HP. (eds) Parallel Problem Solving from Nature — PPSN IV. PPSN 1996. Lecture Notes in Computer Science, vol 1141. Springer, Berlin, Heidelberg. https://doi.org/10.1007/3-540-61723-X 995

