SPRAWOZDANIE

Zajęcia: Uczenie maszynowe

Prowadzący: prof. dr hab. Vasyl Martsenyuk

Laboratorium Nr 1

Data 19.10.2024

Temat: "Praktyczne zastosowanie regresji liniowej w analizie danych.
Implementacja algorytmów
klasyfikacji binarnej w Pythonie"

Wariant 8

Tomasz Pietrzyk
Informatyka
II stopień, niestacjonarne,
1semestr, gr.1a

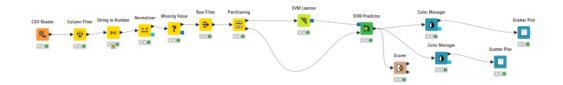
1. Polecenie: wariant 8 zadania

Opracować przepływ pracy uczenia maszynowego zagadnienia regresji (model regresji liniowej) oraz klasyfikacji binarnej (model SVM) na podstawie zbioru danych według wariantu zadania:

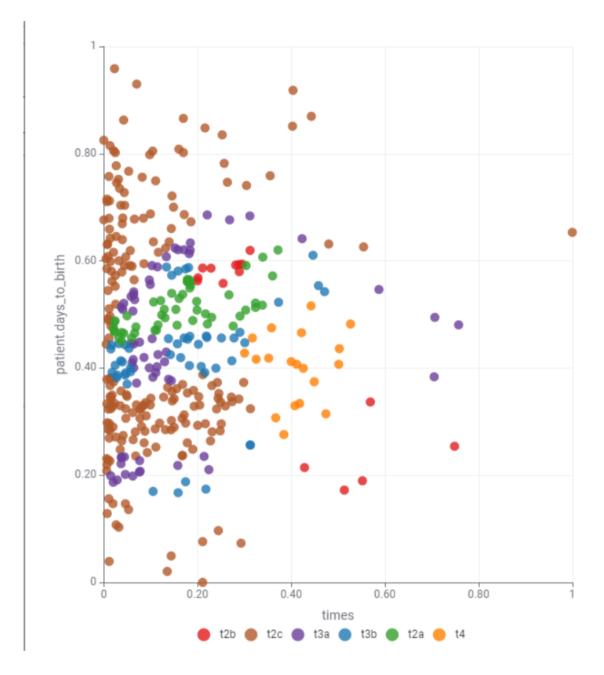
Prostate Cancer https://www.kaggle.com/datasets/ashrafalsinglawi/prostate-cancer-survival-data

2. Opis programu opracowanego (kody źródłowe, rzuty ekranu)

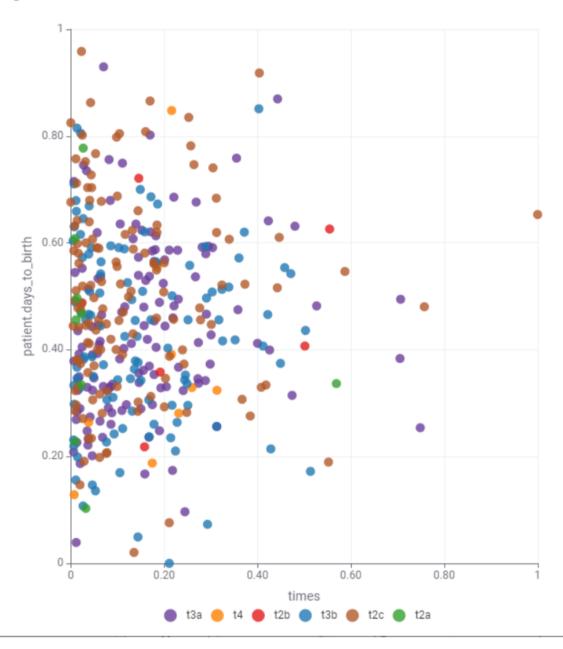
GitHub: https://github.com/TomekPietrzyk/UM | 2024 NS.git





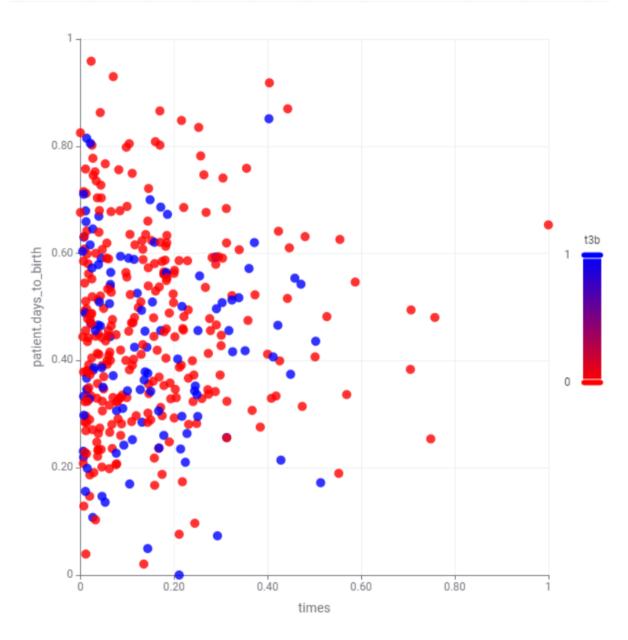


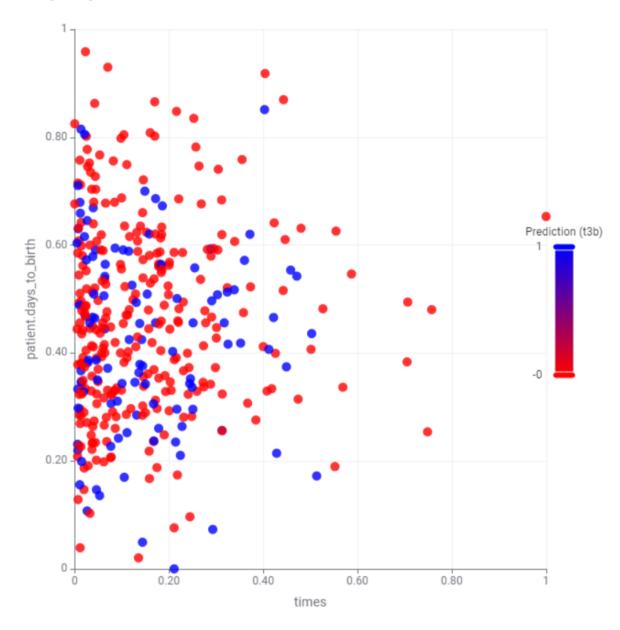
Orginalne Dane



#	RowID	TruePosit Number (inte	FalsePosi Number (inte_	TrueNega Number (inte	FalseNeg Number (inte	Recall Number (dou ∨	Precision Number (dou	Sensitivity Number (dou	Specificity Number (dou	F-measure Number (dou	Accur V
1	t2b	0	15	373	6	0	0	0	0.961	@	@
2	t3a	22	38	224	110	0.167	0.367	0.167	0.855	0.229	@
3	t4	0	19	366	9	0	0	0	0.951	@	@
4	t3b	12	38	250	94	0.113	0.24	0.113	0.868	0.154	@
5	t2c	69	131	131	63	0.523	0.345	0.523	0.5	0.416	@
6	t2a	1	49	336	8	0.111	0.02	0.111	0.873	0.034	@
7	NA	0	0	394	0	②	②	@	1	@	@
8	Overall	@	@	@	@	@	@	@	@	@	0.264

#	RowID	TruePosit V	FalsePosi Number (inte_	TrueNega Number (inte_	FalseNeg V	Recall Number (dou	Precision Number (dou	Sensitivity Number (dou	Specificity Number (dou	F-measure Number (dou	Accur V
1	t2b	0	15	373	6	0	0	0	0.961	3	@
2	t3a	22	38	224	110	0.167	0.367	0.167	0.855	0.229	@
3	t4	0	19	366	9	0	0	0	0.951	3	@
4	t3b	12	38	250	94	0.113	0.24	0.113	0.868	0.154	@
5	t2c	69	131	131	63	0.523	0.345	0.523	0.5	0.416	@
6	t2a	1	49	336	8	0.111	0.02	0.111	0.873	0.034	@
7	NA	0	0	394	0	0	@	@	1	@	@
8	Overall	@	@	@	@	②	@	@	@	3	0.264





Rows	:7 (Columns:	Table
	#	RowID	Prediction (t3b) Number (double)
	1	R^2	1
	2	mea	0
	3	mea	0
	4	root	0
	5	mea	-0
	6	mea	NaN
	7	adju	1

3. Wnioski

Klasyfikacja za pomocą SVN przebiegła miernie i jej efekt był fatalny, bardzo niska predykcja, duży wkład w tak słaby wynik niewątpliwie ma mała ilość danych cząstkowych opisujących pacjenta. Jeśli chodzi o regresje liniową rozłożenie metody leczenia za pomocą bloku one to many pomogło osiągnąć R^2 na poziomie 1