# 자료 구조 Lab 007:

 $Lab18007.zip \quad : LabTest.java, \ lab007.java, \ lab.in, \ lab.out, \ lab007.pdf$ 

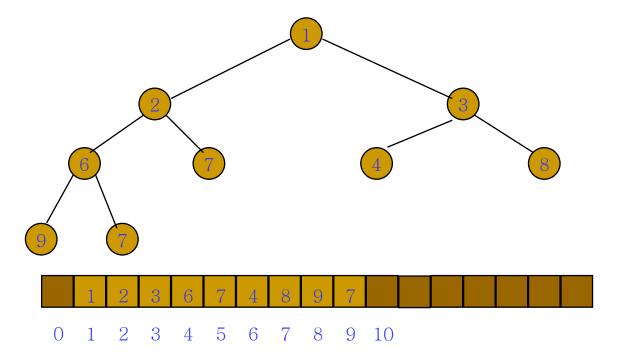
\_\_\_\_\_

# 제출

lab007.java 를 학번.java 로 변경하여 이 파일 한 개만 제출할 것.

\_\_\_\_\_\_

다음은 배열을 이용하여 min heap을 구현하는 내용이다. 클래스 MinHeap은 아래 그림과 같이 complete binary tree의 형태를 가지고 있는데, complete binary tree이기 때문에 배열로 표현하는 것이 적절하다. Min Heap의 조건은 각 노드를 기준으로 자신을 root로 하는 서브 트리의 모든 원소보다도 작아야 한다. 아래 그림은 그 한 예이다.



이러한 자료구조를 이용하여 간단한 프로그램을 작성한다. 수행 예는 다음과 같다.

```
🔊 🖨 🗊 kmucs@localhost: ~/dbox/classes181/ds/lab18/lab18007
kmucs@localhost:~/dbox/classes181/ds/lab18/lab18007$ java LabTest
MeanHeap >
ins 10
CMD : ins 10
Min Heap : - 10
MeanHeap >
ins 5
CMD : ins 5
Min Heap : - 5 10
MeanHeap >
ins 15
CMD : ins 15
Min Heap : - 5 10 15
MeanHeap >
ins 19
CMD : ins 19
Min Heap : - 5 10 15 19
MeanHeap >
ins 4
CMD : ins 4
Min Heap : - 4 5 15 19 10
MeanHeap >
post 2
CMD : post 2 : 19 10 5
Min Heap : - 4 5 15 19 10
MeanHeap >
```

사용자가 사용하는 명령어의 syntax는 다음과 같다. Main() 함수에 정의되어 있다.

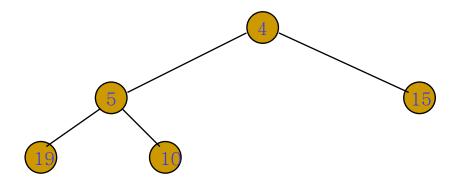
• ins integervalue

정수인 integervalue 값을 가지는 노드를 MinHeap에 삽입한다.

• post index

index가 가리키는 노드를 root로 하는 subtree를 postorder 로 방문(traverse) 한다. 방문해서 하는 작업은 방문한 노드의 값을 출력하는 것이다.

Min Heap: 으로 시작하는 라인은 현재 배열의 상태를 보여준다. 배열의 0번 원소는 사용하지 않기 때문에 -로 표현하였고, 배열 1번의 원소가 가장 작은 값임을 확인한다. 예를 들면 위 예제의 Min Heap: - 4 5 15 19 10 은 다음과 같이 트리 형태로 표현 가능하다. 이미 구현되어 있으니 따로 구현할 필요는 없다.



따라서 post 2 명령에 의해 노드 5를 root로 하는 서브트리를 post order 로 방문하면 19~10~5 가 출력되어야 한다.

- 이 내용을 구현하기 위해 다음 두 개의 함수를 구현해야 한다.
  - void Insert (T e);

MinHeap에 새로운 값 e를 삽입한다. 수업시간에 배운 MaxHeap 알고리즘을 상기하여 구현한다.

한 가지 주의할 점은 T 타입의 원소를 비교할 때 >, <, == 등을 사용할 수 없다.

이 경우에는 Comparable Interface에서 제공하는 compareTo()를 사용하면 된다. 예를 들면 if(heapArray[1] > e) 와 같은 비교를 하고 싶다면,

if (heapArray[1].compareTo(e) > 0)와 같이 쓰면 된다.

MaxHeap의 C++ 코드는 교과서에 구현되어 있기 때문에 이를 잘 응용하면 쉽게 구현할 수 있다.

void PostOrder (final int idx);

idx 가 Heap의 한 원소의 index 인데 이 노드로부터 시작하는 subtree를 post order로 방문 (traverse) 하는 재귀 함수이다. 방문한 노드의 내용은 System.out.print()로 출력한다.

#### 프로그램 테스트

#### 컴파일

\$ javac lab007.java LabTest.java

### 실행

\$ java LabTest

## 주어진 input으로 실행

\$ java LabTest < lab.in</pre>

### 주어진 output과 비교

\$ java LabTest < lab.in > abc
\$ diff abc lab.out

컴파일시 나오는 다음과 같은 Warning은 무시하기 바람.

kmucs@localhost: ~/dbox/classes181/ds/lab18/lab18007
kmucs@localhost: ~/dbox/classes181/ds/lab18/lab18007\$ javac lab007sol.java LabTes
t.java
Note: lab007sol.java uses unchecked or unsafe operations.
Note: Recompile with -Xlint:unchecked for details.
kmucs@localhost: ~/dbox/classes181/ds/lab18/lab18007\$