

Samuel Lambert
Julien Pollart
Louis Delbrouck
Tony Rasoamanana

1. Le problème :

On veut voir si une chaîne d'ADN rentre dans un autre afin de prévoir si une maladie existe dans la chaîne d'ADN. Par exemple, si la première chaîne d'ADN est TACGTCG et que la deuxième est CG, le programme regarde combien de fois la chaîne CG rentre PARFAITEMENT (en entière) dans TACGTCG. Ici 2 fois.

2. La solution :

L'utilisateur rentre une chaîne d'ADN, composé uniquement des lettres A, T, G, C, qui sera parcourue grâce à une autre chaîne d'ADN elle aussi rentrée par l'utilisateur.

Lien vers le github :

- <https://github.com/TonyRasoa/TonyRasoa.github.io>