

Trabajo fin de grado

Soporte a la decisión clínica en la farmacovigilancia

Directores: Manuel Campos – José Manuel Juárez

Autor: Tony Wang Chen – X1968208Y

2013-2014

FACULTAD DE INFORMÁTICA – UNIVERSIDAD DE MURCIA

RESUMEN

Según la Organización Mundial de la Salud, la farmacovigilancia “trata de recoger, vigilar, investigar y evaluar la información sobre los efectos de los medicamentos, productos biológicos, plantas medicinales y medicinas tradicionales, con el objetivo de identificar información sobre nuevas reacciones adversas y prevenir los daños en los pacientes”. Tanto a nivel nacional como Europeo, existe una legislación que regula el uso de medicamentos, y que establece como aspecto clave la farmacovigilancia. En España, éste es uno de los objetivos principales de la Agencia Española de Medicamentos y Productos Sanitarios, dependientes de Ministerio de Sanidad, Servicios Sociales e Igualdad.

Los actores participantes en los procesos de recogida de información sobre efectos adversos son tanto los ciudadanos como los profesionales clínicos.

En un hospital, el número de fármacos administrados a los pacientes es muy alto, y, por tanto, son necesarios muchos recursos para hacer una revisión eficiente de los tratamientos. Por un lado, el volumen de información que los clínicos deben tener a su disposición es muy alto considerando el gran número de fármacos existentes, y la cantidad de información proporcionada por cada uno de ellos. Por otro lado, esta información tiene que ser además contrastada con los datos particulares de cada paciente antes de aplicar un tratamiento.

Un sistema de soporte a la decisión que asista a los clínicos y farmacéuticos aumentaría la eficiencia de la revisión de tratamientos, y, como consecuencia, la seguridad del paciente.

Así, el objetivo de este Trabajo Fin de Grado es el desarrollo de un sistema de soporte a la decisión clínica en farmacovigilancia.

Para llevarlo a cabo, se han definido varios subobjetivos. En primer lugar, se modelará todo el conocimiento sobre los medicamentos, haciendo énfasis en los tipos de alertas existentes (por ejemplo, alergias o interacciones medicamento-medicamento) y sus mecanismos de disparo. Para ello, se recurrirá a las normativas nacionales sobre medicamentos y al catálogo de medicamentos aprobados por la Agencia Española de Medicamentos y Productos Sanitarios, y se estudiarán los estándares de representación.

En segundo lugar se desarrollará el sistema de soporte a la decisión clínica. Se estudiará el uso que se ha hecho de técnicas inteligentes para farmacovigilancia, así como del conocimiento requerido para su diseño. Inicialmente, este proyecto usará una aproximación basada en reglas, que han sido tradicionalmente uno de los sistemas más utilizados, incluso desde el inicio del desarrollo de sistemas basados en conocimiento como es MYCIN de Edward Shortliffe. También, se estudiarán las plataformas disponibles para el desarrollo de soporte a la decisión clínica, prestando interés a las plataformas abiertas que den soporte a reglas.

En último lugar, se realizará una evaluación inicial en un dominio real. Se analizarán, entre otros, las limitaciones de la representación de conocimiento elegida para la información de los medicamentos y para el conocimiento dado por las guías clínicas de tratamiento. Otro parámetro de análisis será la capacidad de razonamiento del sistema, y su eficiencia en el dominio seleccionado.

EXTENDED ABSTRACT

ÍNDICE DE CONTENIDO

1. Introducción	1
1.1. Estándares clínicos	1
1.2. La informática en la medicina	2
1.2.1. <i>Clinical decision support system</i>	2
1.2.2. Limitaciones	3
1.3. Guías clínicas	3
1.4. Motivación	5
1.5. Enfoque del proyecto	6
2. Objetivos	7
2.1. Metodología y herramientas	7
2.1.1. Sistemas con objetivos similares	7
2.1.2. Herramientas	7
2.1.3. Desarrollo utilizando reglas	7
2.1.4. Plataforma <i>OpenCDS</i>	14
3. Diseño y resolución.....	¡Error! Marcador no definido.
3.1. La aplicación usando reglas	19
3.1.1. Estudio del rendimiento con <i>Drools</i> : Comparativa de versiones	19
3.1.2. Diagrama de clases	33
3.1.3. Diagrama de paquetes	33
3.1.4. Ejemplo de aplicación	33
3.2. La aplicación en <i>OpenCDS</i>	33
3.2.1. Diagrama de clases	33
3.2.2. Diagrama de paquetes	35
3.2.3. Etapas de desarrollo	35
3.2.4. Requisitos	35
3.2.5. Casos de uso	35
3.2.6. Implementación y desarrollo	35
3.2.7. Instrucciones de uso	35
3.2.8. Screenshots	35
4. Conclusiones y vías futuras	38
Anexo I: Instalación y configuración de <i>OpenCDS</i>	40
Anexo II: Creación de un proyecto pequeño en <i>OpenCDS</i>	¡Error! Marcador no definido.
Glosario de términos.....	44

Bibliografía y referencias.....46

ÍNDICE DE ILUSTRACIONES

Ilustración 1: Diagrama de fases de una Guía Clínica. Obtenida de [15].	4
Ilustración 2: Ejemplo de red <i>RETE</i> . Obtenida de [4]	9
Ilustración 3: Capas de memoria en <i>Phreak</i> . Obtenida de [1]	14
Ilustración 4: Diagrama de la arquitectura de <i>OpenCDS</i>	15

ÍNDICE DE GRÁFICOS

Gráfico 1: Comparativa de CPU usada con 1 regla y hechos variables	20
Gráfico 2: Comparativa de memoria usada con 1 regla y hechos variables.....	20
Gráfico 3: Comparativa de memoria reservada con 1 regla y hechos variables	21
Gráfico 4: Comparativa de tiempos de ejecución con 1 regla y hechos variables	21
Gráfico 5: Comparativa de CPU usada con 1 hecho y reglas variables	22
Gráfico 6: Comparativa de memoria usada con 1 hecho y reglas variables.....	22
Gráfico 7: Comparativa de memoria reservada con 1 regla y hechos variables	22
Gráfico 8: Comparativa de tiempos de ejecución con 1 hecho y reglas variables	23
Gráfico 9: Comparativa de CPU usada con 100 reglas y hechos variables	23
Gráfico 10: Comparativa de memoria usada con 100 reglas y hechos variables	24
Gráfico 11: Comparativa de memoria reservada con 100 reglas y hechos variables	24
Gráfico 12: Comparativa de tiempos de ejecución con 100 reglas y hechos variables.....	24
Gráfico 13: Comparativa de CPU usada con 500 reglas y hechos variables	25
Gráfico 14: Comparativa de memoria usada con 500 reglas y hechos variables	25
Gráfico 15: Comparativa de memoria reservada con 500 reglas y hechos variables	25
Gráfico 16: Comparativa de tiempos de ejecución con 500 reglas y hechos variables.....	26
Gráfico 17: Comparativa de CPU usada con 2000 reglas y hechos variables	26
Gráfico 18: Comparativa de memoria virtual máxima usada con 2000 reglas y hechos variables.....	27
Gráfico 19: Comparativa de memoria física máxima usada con 2000 reglas y hechos variables.....	27
Gráfico 20: Comparativa en tiempos de ejecución con 2000 reglas y hechos variables.....	28
Gráfico 21: Comparativa de memoria virtual máxima usada para una <i>query</i> con hechos variables...	32
Gráfico 22: Comparativa de tiempos de ejecución para una <i>query</i> con hechos variables	33

ÍNDICE DE TABLAS

No se encuentran elementos de tabla de ilustraciones.

1. INTRODUCCIÓN

Este proyecto se desarrolla para intentar abordar un problema que hoy en día es importante en las instituciones clínicas que es el uso eficiente de antibióticos. Aunque la gente no sea del todo consciente y haga un mal uso de ellos, desde el punto clínico y dentro de una institución médica se debe hacer un uso correcto y eficiente de ellos para evitar, entre otros, los siguientes problemas [12]:

- Fracaso terapéutico.
- Desarrollo de resistencias bacterianas.
- Enmascaramiento de procesos infecciosos.
- Cronificación: la falta de erradicación de un número suficiente de bacterias dará lugar a la persistencia de algunas que mantienen su grado de patogenicidad sin ocasionar manifestaciones agudas.
- Recidiva: las cepas supervivientes, sean resistentes o sensibles, inician una nueva proliferación que provocará una recaída o una reinfección.
- Efectos adversos debidos a la acción del medicamento (independientes de que sea o no eficaz). La toxicidad de algunos antibióticos es potencialmente grave y su aparición es inaceptable si el paciente no necesitaba el fármaco.

Para un manejo adecuado de los antibióticos se requieren conocimientos de 1) farmacología de los diversos antibióticos (es un catálogo muy grande), 2) indicaciones de primer orden y alternativas en las diversas enfermedades infecciosas y 3) efectos adversos y contraindicaciones. Como se ha indicado, los antibióticos existentes son muchísimos, así como efectos adversos y enfermedades infecciosas. Todo ello viene relacionado y recogido en las **guías clínicas**, las cuales orientan a un médico a la hora de tratar a un paciente. Esta carga de trabajo podría reducirse si se consiguiera informatizar el proceso mediante algún tipo de **soporte a la toma de decisiones clínicas**. De esta manera se consiguen ventajas como resultados más óptimos en el uso de antibióticos, lo cual provoca una reducción de costes y también se evitarían los problemas anteriormente mencionados.

Para abordar este problema con sistemas informáticos, se han de hacer uso de **estándares clínicos**, de manera que entre distintas instituciones pueda existir una comunicación eficaz. Por tanto, antes de adentrarse en el proyecto, es conveniente comenzar explicando los conceptos clínicos relevantes en el mundo médico y farmacéutico (guías clínicas y estándares clínicos) así como en el de las tecnologías (estándares clínicos en la informática y sistemas de soporte a la decisión clínica). También se mencionarán las ventajas que conlleva tener sistemas informáticos en el campo de la salud así como las limitaciones que pudieran haber.

1.1. ESTÁNDARES CLÍNICOS

Los estándares en medicina son esenciales para permitir de una manera precisa y fiable trabajar en el dominio médico. Existen varios tipos de estándares y vienen explicados a continuación.

[TODO] Los estándares en medicina son esenciales para permitir una manera precisa y fiable de trabajar en el dominio médico. Hay estándares de vocabulario médico (CIE, LOINC, CIAP, etc), otros de comunicación de la información médica (como HL7v.2) y otros de interoperabilidad entre sistemas (por ejemplo UN13606).

1.2. LA INFORMÁTICA EN LA MEDICINA

El uso de las nuevas tecnologías en la salud, ha cobrado particular importancia este último siglo, y es principalmente, entre otras, por las siguientes razones [13]:

- Las tecnologías de la información están actualmente muy presentes en la sociedad, y está avanzando muy rápido y aumentando más la presencia en todos los campos.
- El volumen de conocimiento médico y de la salud está incrementando a un ritmo tan rápido que es imposible mantenerlo actualizado ni tener la esperanza de almacenarlo, organizarlo y recuperar la información existente sin el uso de nuevas tecnologías y técnicas de procesamiento.
- Se obtienen beneficios económicos con el uso de la informática como soporte en los servicios de salud.
- La calidad de la atención médica se ve incrementada.
- Se consigue mayor escalabilidad.

La **Informática Médica** se basa en cuatro pilares los cuales buscan el desarrollo de un nuevo paradigma para el manejo de la información, en lo relativo al campo de la salud que son [14]:

- Producir estructuras para representar datos y conocimiento.
- Desarrollar métodos para una correcta y ordenada adquisición y representación de los datos.
- Manejar el cambio entre los procesos y las personas involucradas para optimizar el uso de la información.
- Integrar la información de diferentes fuentes.

Por tanto se puede definir como **Informática Médica** [13][14] al estudio, intervención e implementación de estructuras y algoritmos destinados a mejorar la comunicación, el conocimiento y el manejo de la información médica con objetivo de recolectar datos, conocimientos para aplicarlos en la toma de decisiones cuando sea necesario. La posición que ocupa la **Informática Médica** en el campo de la salud es muy amplio, y está presente en sistemas de **estándares médicos**, sistemas orientados puramente a la informatización médica (sistemas de información clínico, sistemas para gestión farmacéutica o historia clínica electrónica), sistemas para ingreso de órdenes médicas, sistemas médicos expertos, sistemas de administración o **sistemas de alertas de apoyo médico**, en otros. Este proyecto en particular se centrará en estos últimos, como parte de una implementación de un sistema de soporte a la decisión clínica (*clinical decision support system*).

1.2.1. CLINICAL DECISION SUPPORT SYSTEM

[10] Para mejorar la calidad del servicio médico en Estados Unidos, se hicieron esfuerzos para incrementar la práctica de medicina basada en evidencias a través de sistemas de soporte a la decisión clínica (CDSS). Los CDS permiten a los clínicos, pacientes y cuidadores que tengan conocimientos médicos e información específica de pacientes (historial clínico, datos del paciente...) tomar las decisiones adecuadas mejorar el cuidado del paciente. Esta información del paciente se asocia a una base de conocimiento clínica y las evaluaciones específicas o recomendaciones del mismo se le comunica a dicha base cuando sea adecuada durante el tratamiento del enfermo. Algunas intervenciones usando CDS incluyen cuestionarios y plantillas para obtener la información del paciente, recordatorios, alertas y otros grupos de

cuestiones que proporcionan sugerencias y soporte. Aunque estas intervenciones CDS pueden ser diseñadas para ser usadas por médicos, pacientes y cuidadores informales, la idea principal es centrarse en el uso que le dan los médicos para mejorar el proceso que siguen a la hora de tomar todas las decisiones clínicas. También, las intervenciones CDS pueden realizarse sobre papel o sobre un ordenador siendo esta última opción más útil debido a su capacidad para el soporte en las decisiones.

El uso de CDSS ofrece muchos beneficios potenciales. Una importante, es que las intervenciones con CDS pueden incrementar el uso de conocimiento médico basado en evidencias y reducir variaciones innecesarias en la práctica clínica. En el proceso de desarrollar e implementar sistemas CDS se pueden **establecer estándares en la estructura de la base de conocimiento** que vayan acorde a las [guías clínicas ya existentes](#). Los CDSS también pueden asistir a los clínicos dándole soporte a la hora de manejar la información de manera que se mejoren las habilidades en la toma de decisiones, reduzcan el trabajo mental de los mismos y mejore el flujo de trabajo clínico. Si un CDSS está bien diseñado e implementado, tiene potencial para mejorar la calidad en el cuidado de la salud además de incrementar la eficiencia y reducir los costes médicos. Otros beneficios que proporcionan [11] podrían ser que evitaría algunos errores que podría cometer un humano, podría advertir de decisiones mal tomadas, y que todo esto llevaría a tener un paciente más satisfecho, lo cual es la finalidad de todo personal sanitario.

Por último y como ejemplo, existen algunos sistemas expertos como pueden ser *Mycin* (el cual diagnosticaba enfermedades infecciosas de la sangre), *CADUCEUS* o *Clinical Rules* que en cierto modo funcionan como un CDS. En esta sección no se entra mucho en detalle, puesto que [más adelante](#) se hará más hincapié en los más significativos.

1.2.2. LIMITACIONES

[TODO] En la bibliografía hay un pdf muy bonito que los separa por tipos de instituciones. Hay otro PDF que los acumula, hay que ver cómo lo estructuro.

A pesar de que los CDSS son prometedores, [10] existen numerosas limitaciones y barreras para su desarrollo e implementación.

1.3. GUÍAS CLÍNICAS

Según [15], las **Guías de Práctica Clínica** (GPC) son un conjunto de recomendaciones basadas en una revisión sistemática de la evidencia en la evaluación de los riesgos y beneficios de las diferentes alternativas, con el objetivo de optimizar la atención sanitaria a los pacientes. El desarrollo de GPC viene motivado por razones como la existencia de un problema de salud importante con impacto en la morbilidad, aparición de técnicas o tratamientos novedosos, posibilidad de conseguir un cambio para mejorar resultados en la atención, etc. Además, se comprende de las siguientes fases [15]:

- **Elaboración:** A su vez, esta etapa se subdivide en las siguientes fases: 1) Delimitación del alcance de los objetivos, 2) Creación del grupo elaborador de la GPC, 3) Formulación de preguntas clínicas, 4) Búsqueda, evaluación y síntesis de la literatura, 5) Formulación de recomendaciones, 6) Revisión externa, 7) Edición de la GPC.
- **Actualización:** Proceso que pretende mantener la vigencia y la calidad de una GPC. El plazo para que una GPC se quede obsoleta es de 3 a 5 años y necesita ser actualizada.

- **Adaptación:** En lugar de elaborar GPC nuevos, se promueve la modificación y adaptación de una GPC desarrollada en un contexto cultural y organizativo diferente. De esta manera se evita elaboración y actualización de un GPC, que son procesos complejos que requieren esfuerzo, tiempo y disponibilidad de recursos.
- **Evaluación:** En esta etapa se valora la calidad de una GPC con el objetivo de que las personas que la usan puedan confiar en las recomendaciones a la hora de utilizarla en su práctica clínica diaria.
- **Implementación:** Proceso que tiene como objetivo trasladar las recomendaciones de una GPC a la práctica clínica. En la implementación hay que prestar atención al contexto donde se desarrolla, a las barreras y facilitadores y a la valoración de estrategias de intervención que pueden resultar más efectivas y eficientes a la hora de culminar la implementación de la GPC de forma exitosa. La implementación implica utilizar estrategias de comunicación efectivas para promover el cambio.

En este diagrama se puede ver la relación existente entre las diferentes fases de la vida de una GPC:

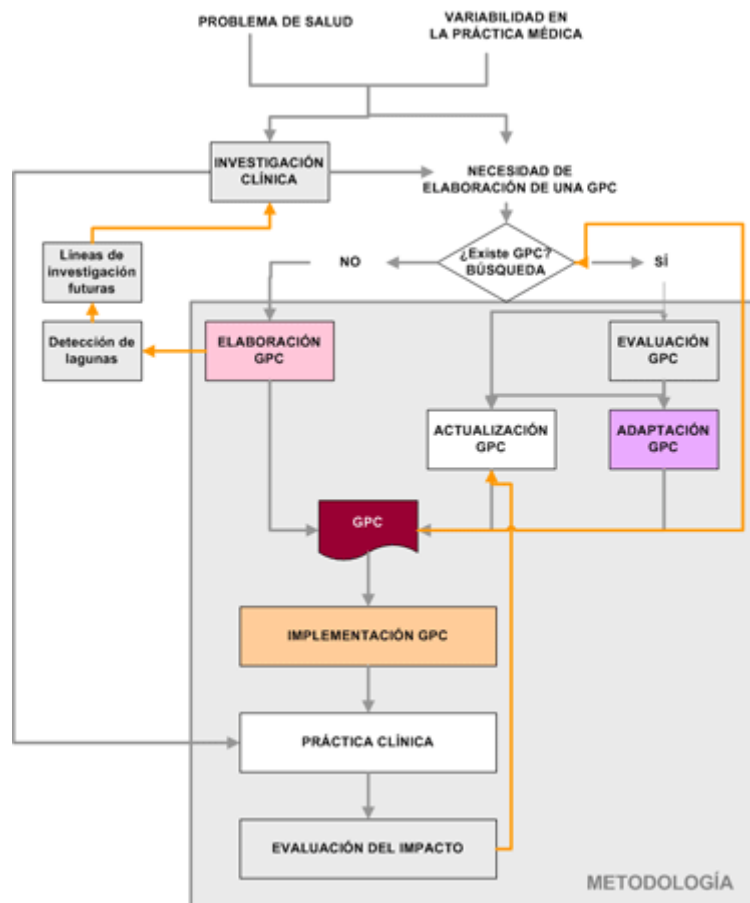


ILUSTRACIÓN 1: DIAGRAMA DE FASES DE UNA GUÍA CLÍNICA. OBTENIDA DE [15]

Existen además, una serie de ventajas y desventajas en el uso de GPC que vienen en enumeradas a continuación [16].

Ventajas:

1. Los autores de las guías clínicas han dedicado más tiempo para revisar las decisiones que sugieren que la mayoría de los clínicos que están involucrados en la atención de los enfermos.
2. Las mejores guías han sido escritas por personas con experiencia en el problema clínico que tratan.
3. Un grupo de expertos que tenga en cuenta varios casos comunes es capaz de evaluar mejor las evidencias que un grupo de especialistas que trabaje de manera aislada.
4. Permiten un equilibrio entre la práctica y la teoría, entre diferentes especialidades médicas, entre médicos y administradores, entre administradores y político, etc.
5. Las guías son interesantes tanto para médicos como para personal de otras áreas importantes por lo que muchas personas se preocupan seriamente por desarrollar buenas guías.
6. El hecho de que los profesionales de la salud asuman criterios comunes favorece la implantación de diagnósticos adecuados.
7. Ofrecen posibilidad de adaptar guías con experiencias nacionales a situaciones locales.

Desventajas:

1. Los propósitos de las guías tienden a ser vagos y los criterios para evaluar el progreso después de haberlas usados son imprecisos.
2. Los métodos para confeccionar guías son muy variados, no hay un marco estándar.
3. La atención que se le presta en la implementación y aplicación de las guías en escenarios prácticos no es la misma que se le da en el proceso de redacción.
4. No existe un compromiso por parte de los autores de las guías que evalúen el impacto de las guías en el comportamiento de profesionales, pacientes o costos de la atención médica.
5. Cuando se publica una guía, a menudo las mejores evidencias en las que se basan ya se han quedado obsoletas porque aparecen nuevos métodos de diagnóstico y tratamiento. Por esto se necesitan revisiones periódicas.
6. No existe un compromiso por parte de los médicos a la hora de usar las guías. Deben realizarse grandes esfuerzos para que haya una aplicación diaria del médico.
7. En ocasiones se emplean como referencia para evaluar malas prácticas profesionales, que fueron realizadas por personas que no tienen experiencia en la especialidad.
8. Muchas GPC carecen de características cruciales (claridad, especificidad, flexibilidad, validez,...) que afectan tanto en su aceptación por los médicos como en su impacto sobre la práctica clínica.

Para este proyecto, las guías clínicas son una parte fundamental del mismo, puesto que es la referencia que se toma a la hora de modelar el conocimiento (en forma de reglas) que funciona como núcleo del sistema.

1.4. MOTIVACIÓN

Este proyecto viene motivado por la necesidad de un estándar clínico en los **sistemas de soporte a la decisión clínica**. El por qué, ya se menciona anteriormente pero se puede resumir en que la idea es aprovechar al máximo los beneficios que aportan las nuevas tecnologías en la medicina implementando y desarrollando los CDSS bajo un estándar concreto. De esta manera también se aprovecharían los beneficios que aporta tener un estándar médico.

Hoy en día existen muchos [estándares médicos](#) pero no hay ninguno a la hora de diseñar un CDSS. Se prevé que de cara al futuro y debido al avance en las tecnologías y en el campo de la salud, esto sea algo necesario por lo que varias instituciones importantes ya están al tanto de ello y están desarrollando dicho estándar ([plataforma OpenCDS](#)). Por tanto, la realización de este proyecto también viene motivada por lo novedoso que es, además de que deja las puertas abiertas para una futura investigación.

Por último, el proyecto se centrará en un campo concreto, que es en el de la farmacovigilancia. Debido a la cantidad de medicamentos, enfermedades y pacientes que hay, la necesidad de tener un CDSS de apoyo es inherente y es necesaria su implementación. Se espera que desarrollando un buen proyecto, el clínico encargado de la farmacovigilancia haga más uso del sistema informático.

1.5. ENFOQUE DEL PROYECTO

Como se ha estado comentando, este proyecto se centra en alertas de apoyo al médico. En concreto tratará de enfermedades infecciosas de la sangre. Se trata de diseñar un CDSS que ayude a tomar las decisiones a la hora de administrar antibióticos a pacientes con dichas enfermedades. Para ello se hará uso de:

1. Inteligencia artificial, más en concreto [Sistemas Basados en Reglas](#) (SBR).
 - 1.1. Las reglas se diseñarán en función a una [guía clínica](#)
2. Estándares HL7v2, vMR, OMG y en concreto [OpenCDS](#) que es el encargado de unirlos como plataforma CDSS.

De esta manera se consigue un sistema de soporte a las decisiones clínicas estandarizado que puede usarse en cualquier institución. Cambiando las reglas del sistema, se podría orientar para una funcionalidad u otra. El prototipo final del proyecto sería un CDSS que muestre alertas de aviso en pacientes en el caso de que el médico no esté siguiendo correctamente la guía clínica además de dar soporte a la hora de elegir qué dosis de qué antibiótico administrar en cada momento.

2. OBJETIVOS

El principal objetivo de este trabajo final de grado será crear un sistema de soporte a la decisión clínica para la farmacovigilancia. Para ello se tendrán que cubrir una serie de subobjetivos que se nombran a continuación:

- Se estudiarán los tipos de efectos adversos en alertas de vigilancia microbiológica.
- Se estudiarán alternativas para el diseño y desarrollo de alertas en un sistema de información clínico.
- Se modelarán las alertas que se produzcan en farmacovigilancia.
- Se estudiará la plataforma **OpenCDS**.
- Se implementará un prototipo en **OpenCDS**.

Por otro lado, no formará parte de este proyecto las siguientes cuestiones:

- Evaluación clínica de la herramienta (será un prototipo que no estará validado por ningún experto en el campo).
- Modelado de todos los tipos de efectos adversos.
- Extensión de la plataforma **OpenCDS**.
- Módulo de conexión con el SNS.

2.1. METODOLOGÍA Y HERRAMIENTAS

[TODO] En esta sección se explicarán las herramientas que se podrían haber usado para abordar el proyecto y se hará hincapié en aquella que finalmente se ha decidido usar. Se describirá las limitaciones, los estándares... y se harán comparativas. También se mencionarán sistemas que hayan ya existido que hicieran las mismas funciones así como sus características.

2.1.1. SISTEMAS CON OBJETIVOS SIMILARES

[TODO-Estado del arte] Tras una búsqueda y un pre-estudio antes de abordar el problema, se han encontrado una serie de sistemas que tienen un objetivo similar. Los más destacados son los siguientes.

Efectivamente, MYCIN es un sistema con un objetivo similar. Sistemas con un objetivo similar son: aquellos que clínicamente tienen el mismo objetivo (alertas de antibióticos), sistemas que (en el dominio médico) hacen uso del OPENCDS o sistemas de alertas para detectar problemas en medicamentos.

2.1.2. HERRAMIENTAS

[TODO] Estudio de las herramientas y comparativas (tabla). Las herramientas que se estudiarán serán PL/SQL, Java, Reglas (Drools, Jess, Clips), y OpenCDS. Las dos primeras las descartamos directamente indicando las razones. Mencionar que es útil aun así explicar un sistema basado en reglas, puesto que OpenCDS por debajo funciona con Drools y reglas.

2.1.3. DESARROLLO UTILIZANDO REGLAS

[TODO] Una breve introducción a por qué se podría realizar utilizando reglas. Explicar JESS, CLIPS, y al final explicar Drools. Además introducir que vamos a hablar del algoritmo RETE.

2.1.3.1. ALGORITMO *RETE*

[4] Creado por *Charles Forgy*, es un algoritmo diseñado para SBRs. El nombre proviene de **REdundancia TEmporal** y utiliza una red de nodos denominada **red RETE**. El funcionamiento básico de *RETE* es el siguiente:

1. Realizar los cambios en la base de hechos.
2. Propagar los cambios por la red *RETE*.
3. Modificar el conjunto conflicto.

Surge porque en un SBR en cada ciclo equiparamos todas las reglas con todos los elementos de la base de hechos para formar el conjunto de conflicto y el SBR sería poco eficiente. *RETE* lo que introduce es un proceso de filtrados de reglas antes de generar el conjunto conflicto. Antes de explicar en más detalle *RETE*, se deben saber los aspectos más importantes de un SBR.

Un SBR se inspira en los sistemas de deducción en lógica proposicional o de primer orden. Se entienden las reglas como una sentencia del tipo:

IF condición THEN acción

Sus componentes son los siguientes:

- **Base de conocimiento:** Contiene las reglas que codifica todo el conocimiento (por norma general es estático y es el conocimiento que se ha ido adquiriendo a lo largo del tiempo). Una regla se disparará cuando se cumplan sus condiciones (antecedentes) y se ejecutará entonces una acción (consecuente).
- **Base de hechos:** Contiene propiamente los hechos ciertos a la hora de resolver el problema. Algunos de estos vendrán como datos de entrada y otros serán conclusiones inferidas (aplicándose las reglas de la base de conocimiento). Esta base es dinámica puesto que se irán añadiendo y eliminando hechos cuando se disparen las reglas.
- **Motor de inferencia:** Se encarga de seleccionar las reglas que se pueden disparar en un momento y las aplica siguiendo unas determinadas condiciones para obtener nueva información y actualizar las bases.
- **Conjunto conflicto:** Conjunto de reglas que pueden ser disparadas en un momento, con la base de hechos que haya.

Por lo general, el algoritmo de un SBR puede funcionar de dos maneras:

- **Encadenamiento hacia delante:** Se busca un conjunto de metas que se verifican a partir de un conjunto de hechos.
- **Encadenamiento hacia detrás:** Se determinan si se va cumpliendo la meta con el conjunto de hechos.

Los pasos que sigue un SBR, por norma general se pueden resumir en los siguientes:

1. Con una base de conocimiento y una base de de hechos inicial, y mientras no se tenga la meta en la base de hechos y se sigan teniendo reglas en el conjunto conflicto hacer:
 - a. Meter en el conjunto conflicto aquellas reglas que pueden ser disparadas.
 - b. Resolver el conflicto y seleccionar una regla.
 - c. Aplicar la regla, sacarla del conjunto conflicto y actualizar los datos con el consecuente de la regla.

- d. Comprobar si está la solución en la base de hechos. Si es así, terminar.

Una vez explicado esto, se sabe que se puede situar el algoritmo *RETE* en el primer paso del algoritmo general de un SBR. Generar un buen conjunto conflicto hará que el SBR sea mucho más eficiente. Como se ha empezado diciendo, *RETE* tiene un filtro que permite que en cada ciclo no sea necesario equiparar todas las reglas con todos los elementos de la base de hechos y como normalmente los cambios que implica la ejecución de una regla son pocos, hace que el filtro sea eficiente. La comunicación a la red *RETE* de los cambios producidos en la base de hechos se hacen mediante la utilización de **testigos**, los cuales están formados por dos componentes: un signo (+ o -) para indicar si el elemento se ha borrado o añadido a la base de hechos y los elementos que son añadidos o borrados. Por ejemplo:

- (A C) que indica que se han eliminado los hechos A y C de la base.

La red *RETE* se genera al principio de la ejecución del SBR y sigue los siguientes pasos:

1. Se consideran los elementos que son constantes y los que, siendo variables, no aparecen en dos o más elementos de condición distintos en la misma regla.
2. Se consideran el resto de los elementos.

Un ejemplo de red *RETE* con la siguiente regla:

R1: (A B) \wedge (C ?x D ?x) \rightarrow ...

Sería lo siguiente:

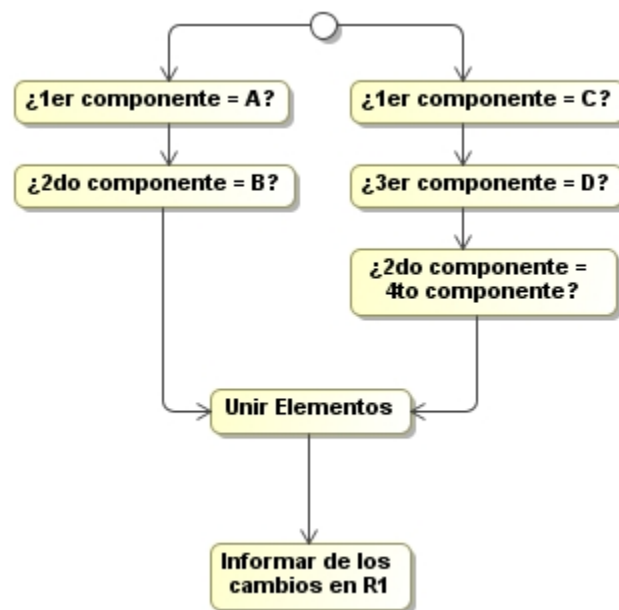


ILUSTRACIÓN 2: EJEMPLO DE RED *RETE*. OBTENIDA DE [4]

Se ve que no se hace referencia a las variables ya que se pueden equiparar con cualquier valor que se encuentre en su posición. En este particular caso sólo se ha de comprobar que el segundo componente y el cuarto componente de la segunda parte de la regla coincidan. En caso de que alguna entrada no atravesase la red completa hasta un nodo terminal, quedaría registrada su posición por si en el siguiente ciclo cambiara. La red *RETE* se puede considerar como una

función que traslada los cambios de la base de hechos a cambios en el conjunto conflicto. Además se pueden encontrar los siguientes tipos de nodo:

- **Nodo de una entrada** (nodo raíz, nodos de componentes variables o constantes, nodos terminales y nodos de comprobación de variables).
- **Nodos de dos entradas** (se sitúan siempre después de los nodos de una entrada, a excepción de los nodos terminales y pueden ser nodos de unión de elementos condición, nodos de unión de elementos condición con variables iguales de una misma regla y nodos de unión de los elementos condición negados con los restantes elementos condición de una regla)

En última instancia se tendrá un árbol con todas las reglas de nuestro sistema en forma de red *RETE* y cada vez que se introduzcan o eliminen nuevos hechos se modificará el conjunto conflicto (cuando todos los hechos llegan a algún nodo terminal, que son las reglas). No se va a entrar más en detalle, así que a continuación y para terminar se detallan las características más importantes:

- Como en cada ciclo los cambios en la base de hechos suelen ser pocos aunque los contenidos sean muchos, es muy ineficiente equiparar en cada ciclo toda la base de hechos. En una red *RETE* se almacenan las equiparaciones que se producen en cada ciclo con lo que estas pueden ser reutilizadas en el ciclo siguiente y de esta forma el coste computacional depende de la velocidad de cambio de la base de hechos (que suele ser baja) y no de su tamaño (que suele ser grande).
- Aprovecha la **similitud estructural**. Las condiciones de las reglas tienen muchos patrones similares aunque no idénticos. La red *RETE* agrupa los patrones comunes con el fin de evitar repetir las equiparaciones idénticas y elimina las operaciones redundantes construyendo un único nodo por cada operación distinta y uniendo dicho nodo con aquellos que necesitan dicho resultado.

2.1.3.2. *DROOLS*

Una vez se sabe que la plataforma **OpenCDS** funciona por debajo con *Drools* como sistema de inferencia de reglas, se va a hacer un estudio del mismo para ver la eficiencia, escalabilidad, etc... Este estudio se realizará con las versiones 5 y 6, puesto que de una a otra cambian bastantes aspectos importantes como por ejemplo, el algoritmo usado en el motor de inferencias. Además, se tiene que tener en cuenta que la plataforma **OpenCDS** usa la versión 5 de *Drools* y se espera que para el futuro se adapte a la versión 6, que en teoría debería de proporcionar mejoras al mismo.

2.1.3.2.1. ALGORITMO *RETEOO* VS ALGORITMO *PHREAK*

[1] Como se ha mencionado anteriormente, el aspecto que más diferencia a ambas versiones es su algoritmo del motor de inferencias. Mientras que *Drools* 5 usa un algoritmo *ReteOO*, la nueva versión tiene un algoritmo llamado *PHREAK*. Antes de meternos a la explicación del algoritmo *PHREAK*, vamos a recordar cómo funcionaba el motor de inferencias de las versiones anteriores a la 6 de *Drools*. En concreto, nos referimos en este caso al anteriormente mencionado algoritmo *ReteOO* que usa como base el conocido *RETE* pero aplicando una serie de mejoras que se documentan a continuación:

- **Node Sharing:** Los nodos compartidos se aplican tanto para el *alpha network* como el *beta network*¹. En el caso del *beta network* es siempre compartido desde la raíz.
- **Alpha indexing:** Los nodos *alpha* que tienen muchos nodos hijo utilizan un mecanismo de búsqueda *hash* para evitar tener que probar cada uno de los resultados.
- **Beta indexing:** Los nodos *join*, *not* y *exists* indexan su memoria usando un *hash*. Esto nos reduce los intentos de unión para las comprobaciones de igualdades. Recientemente se ha añadido la indexación de rango a los nodos *not* y *exists*.
- **Tree based graphs:** Las coincidencias de los *join* no contienen referencias a las de su nodo padre o nodos hijos. Por tanto cuando eliminamos tendremos que volver a calcular todas las coincidencias de los *join* de nuevo, lo que implica recrear todos los objetos coincidentes del *join* para que seamos capaces de encontrar las partes de la red en la que debemos de eliminar las tuplas. Todo este método explicado es conocido como *symmetrical propagation*. Un grafo basado en árbol nos proporciona referencias al nodo padre y a los nodos hijos por lo que cuando eliminamos lo único que deberemos de hacer es seguir las referencias que tenemos. De esta manera, tenemos lo conocido como *asymmetrical propagation*. El resultado es que de esta manera lo haremos más rápido y el impacto al recolector de basura será menor, además de ser más robusto porque los cambios en los valores no causan pérdidas de memoria cuando ocurren sin que el motor de inferencias sea notificado.
- **Modify-in-place:** El algoritmo *RETE* tradicional implementa el modificar como un borrar e insertar de nuevo el objeto. Esto causa que el recolector de basura limpie todas las tuplas *join* y por tanto muchos se recrean de nuevo como parte de la inserción. Con *modify-in-place* modificaríamos directamente por lo que evitaríamos este problema.
- **Property reactive:** También llamado “*new trigger condition*” permite mas reactividad en las actualizaciones de grano fino. Un patrón puede reaccionar a cambios de propiedades específicas e ignorar otras. Esto evita problemas de recursividad y mejora el rendimiento.
- **Sub-networks:** Los nodos *not*, *exists* y *accumulate* pueden tener cada uno de ellos anidados elementos condicionales en forma de *sub-networks*.
- **Backward Chaining:** Puede funcionar con árboles de derivación de encadenamiento hacia atrás al igual que *Prolog*. La aplicación usa una pila, por lo que no tiene problemas de recursión para grafos grandes.
- **Lazy Truth Maintenance**
- **Heap based agenda:** La agenda usa una cola *binary heap*² para ordenar las reglas que se dispararían por relevancia.
- **Dynamic Rules:** Las reglas pueden añadirse y eliminarse en tiempo de ejecución mientras que el motor siga rellenándose con los datos.

Una vez se ha explicadas las características de *Drools 5* podemos pasar a definir la última versión que, como bien se ha mencionado antes, cambia el algoritmo para introducir *PHREAK*. Este algoritmo trata de abordar algunos de los principales problemas de *RETE*. Por tanto, no es ningún algoritmo que se haya escrito desde cero, sino que incorpora todo lo existente en *ReteOO* así como las mejoras que tuviera. Aun siendo una evolución del algoritmo *RETE* este

¹ Charles Forgy, "Rete: A Fast Algorithm for the Many Pattern/Many Object Pattern Match Problem", *Artificial Intelligence*, 19, pp 17–37, 1982.

² Chris L. Kuszmaul. "binary heap". *Dictionary of Algorithms and Data Structures*, Paul E. Black, ed., U.S. National Institute of Standards and Technology. 16 November 2009.

no se clasifica ya como una aplicación de la misma, sino que se introduce una nueva clasificación puesto que los cambios que lleva así lo merece.

Los algoritmos *RETE* tienen como características principales (y en donde se buscan las optimizaciones) que son algoritmos *greedy*³ (produce todas las coincidencias parciales en las reglas) y que está orientado a los datos, por lo que prácticamente todo el trabajo se realiza durante la inserción, la actualización y el borrado de los mismos. Como *RETE* es un algoritmo *greedy*, esto puede ocasionar que en grandes sistemas se produzcan fallos y se desperdicie mucho trabajo (trabajo sobre todo en esfuerzos para encontrar reglas que se puedan disparar y que al final no son disparadas).

Todo lo contrario ocurre con el algoritmo *PHREAK* que se caracteriza por ser del tipo perezoso (las coincidencias parciales se retrasan) y orientado a mejorar el algoritmo. *PHREAK* está inspirado por otra serie de algoritmos (que no limitados por) como por ejemplo *LEAP*, *RETE/UL* y *Collection-Oriented Match*. *PHREAK* además, tiene todas las mejoras que se han comentado anteriormente de *ReteOO*, añadiendo a ellas el siguiente conjunto de mejoras que se detallan a continuación:

- Tres capas de memoria contextual. Una para los nodos, otra para los segmentos y otra para las reglas.
- Reglas, segmentos y nodos basados en vinculaciones.
- Evaluación perezosa de las reglas.
- Evaluación aislada de las reglas.
- Orientado a establecer propagaciones.
- Evaluaciones usando una pila, con opción de pausar y reanudar.

Cuando el motor en *PHREAK* arranca, todas las reglas empiezan estando desvinculadas por lo que no puede ocurrir ninguna evaluación de las mismas. Las operaciones de inserción, actualización y borrado son encoladas antes de entrar al *beta network*. Se usa una heurística simple para seleccionar la siguiente regla para evaluar, que está basada en la regla que más probabilidad tiene de ser disparada; esto retrasa la evaluación y el disparado de las otras reglas. Las reglas sólo podrán ser vinculadas una vez y será cuando se cumplan todos sus antecedentes, a pesar de que todavía el sistema no haya empezado a trabajar. En su lugar, se crea un objetivo que representa a la regla y se coloca en una cola de prioridad que es ordenada por relevancia. Cada una de estas colas se asocian con una *AgendaGroup* y sólo la *AgendaGroup* activa inspeccionará su cola, sacando de ella aquella el objetivo de la regla con mayor prioridad y sometiéndolo para su evaluación. Por lo tanto, el trabajo realizado cambia desde la fase de inserción, actualización y borrado hasta la fase *fireAllRules*. Sólo la regla para la cual el objetivo fue creado es evaluada, mientras que las demás reglas potenciales que llevan los mismos hechos se retrasan. Mientras se están evaluando las reglas individualmente *node sharing* se sigue consiguiendo a través del proceso de segmentación que se explica más adelante.

Cada vez que en *RETE* se hace un *join* se crea una tupla (o coincidencia parcial) que se propaga a los nodos hijo. Por esta razón es caracterizado por ser un algoritmo orientado a tuplas. Por cada nodo hijo al que la tupla llegue, intentará llegar al otro lado del nodo y así sucesivamente hasta el final (tal y como se ha explicado en la red *RETE*). Esto lo que genera es un “efecto” de

³ Introduction to Algorithms (Cormen, Leiserson, and Rivest) 1990, Capítulo 17 "Greedy Algorithms" p. 329.

recursión descendente, hiperpaginando la red ya que desde el punto de entrada hasta el *beta network* intenta propagarse hacia abajo, arriba, derecha e izquierda hacia todos los nodos hoja.

Sin embargo la propagación de *PHREAK* es orientado a colecciones en vez de a tuplas. Para cada regla que se está evaluando, se visita el primer nodo y se procesan las operaciones de inserción, borrado y actualizado que estuvieran en la cola. Los resultados se añaden a una colección y se propagan al nodo hijo. En este nodo hijo se vuelven a procesar las operaciones de inserción, borrado y actualizado de la cola y los resultados los introducen en la misma colección para ser propagado y así sucesivamente hasta que se llegue a un nodo terminal. Con eso se consigue se sólo se haga una pasada (efecto *pipeline*) y se aísla a la regla que se está evaluando. Se consigue un efecto de proceso por lotes que proporciona ventajas de rendimiento en algunas de las reglas (al igual que las sub-redes con las acumulaciones). También de cara al futuro esto permitirá sacarle partido a las máquinas multi-núcleo de varias maneras.

Las “conexiones” y “desconexiones” usan una máscara de bits por capas, basadas en la segmentación de la red. Cuando se está construyendo la red para una regla los segmentos son creados para los nodos que comparten el mismo conjunto de reglas. Una regla está formada por un *path* de segmentos aunque si no es una regla compartida será un elemento único. Una máscara de bit *offset* es asignada a cada nodo del segmento y otra a cada segmento en el *path* de la regla. Cuando al menos hay una entrada a la hora de la propagación de los datos, el bit del nodo se pone en activo. Cuando cada nodo del segmento tiene su bit activo entonces el bit del segmento se pone también en activo, de la misma manera que si algún bit de algún nodo se desactiva, este también se desactivará. Si cada segmento del camino que sigue la regla tiene su bit activo, entonces se puede decir que la regla se ha “conectado” y se crea el objetivo que se trata de programar la evaluación de dicha regla. La misma técnica es usada para detectar nodos, segmentos y reglas sucios. Esto permite que una regla que ya fue “conectada” que vuelva a ser programada para la evaluación si se considera sucia desde la última evaluación. Con la anterior técnica se asegura que ninguna regla se evalúe cuando hay coincidencias parciales en el antecedente, mientras que en *RETE* clásico esto se produce incluso si el último *join* que se realiza es un resultado vacío. Además, como la evaluación de las reglas se realiza siempre desde el nodo raíz, el bit sucio comentado anteriormente permite que los nodos y segmentos que no estén sucios puedan ser saltados.

RETE tiene una única unidad de memoria, la memoria del nodo. En *PHREAK* existen 3 niveles de memoria lo que permite mucha más comprensión contextual durante la evaluación de una regla.

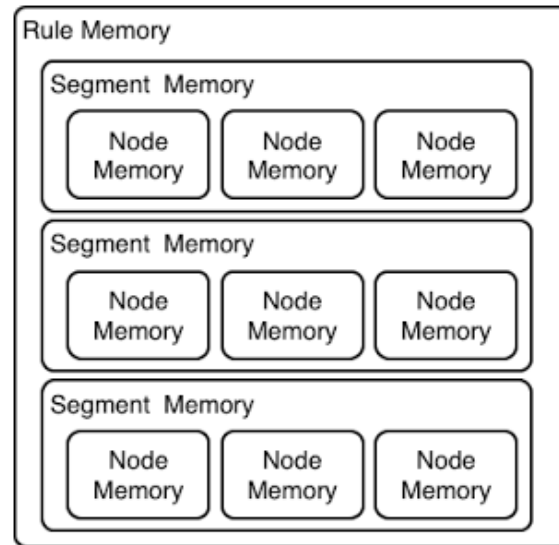


ILUSTRACIÓN 3: CAPAS DE MEMORIA EN *PHREAK*. OBTENIDA DE [1]

Todas las evaluaciones de las reglas son incrementales y no desperdician el trabajo recalculando coincidencias que ya se han produciendo. El algoritmo de evaluación es basado en pila en lugar del método recursivo, por lo que puede ser parado y reanudado en cualquier momento usando un *StackEntry* para representar al nodo actual que se está evaluando. Cada vez que la evaluación de una regla llegue a una sub-red se crea un *StackEntry* para el segmento del *path* exterior y el segmento de la sub-red. El segmento de la sub-red es evaluado primero y cuando la colección (la que se explicó antes que se iba transfiriendo entre nodos) alcance el final del *path* de la sub-red se une a una lista de clasificación para que se alimente el nodo exterior. Dicho *StackEntry* entonces se reanuda y puede procesar los resultados de la sub-red. Esto además tiene un beneficio añadido que es que todo el trabajo se procesa en lotes antes de propagarlo al nodo hijo, lo que es mucho más eficiente para los nodos acumulativos.

Este mismo sistema basado en pila se puede usar para un encadenamiento hacia atrás eficiente. Cuando la evaluación de una regla alcanza un nodo *query* se para la evaluación actual, poniéndolo en la pila. Entonces se evalúa la *query* lo que produce un resultado que se guarda en memoria para que al reanudar el *StackEntry* pueda obtenerlo y propagarlo al nodo hijo. Si esta misma *query* llama a otras *queries* el proceso se repetiría pausando la *query* actual y empezando una nueva evaluación de la *query* actual.

Como último punto en el rendimiento, una única regla por norma general no se evaluará más rápido con *PHREAK* que con *RETE*. Para una única regla y los mismos datos ambos crearán las mismas coincidencias y producirán el mismo número de instancias de reglas por lo que tardarán lo mismo. *PHREAK* también se puede considerar más indulgente que *RETE* para las bases de conocimiento que tengan reglas escritas muy pobremente. Cuando la complejidad de las reglas se incrementa, se degrada también el rendimiento. *RETE* produce coincidencias parciales para reglas que no tienen datos en todos sus *joins* y *PHREAK* evita esto. Por tanto no es tanto que *PHREAK* sea más rápido que *RETE* sino que no se ralentiza tanto a medida que el sistema crece.

2.1.4. PLATAFORMA *OPENCDS*

OpenCDS [6] es un proyecto de código abierto desarrollado por varias instituciones clínicas que trata de generar un estándar en el soporte a la decisión clínica. Con esto se proporcionan varias

herramientas y recursos a los que cualquier institución puede adaptarse de tal manera que exista una comunicación eficaz a la hora de, por ejemplo, emitir y recibir datos de algún determinado historial clínico. Este proyecto fue fundado por el doctor *Kensaku Kawamoto*, facultativo del Departamento de Informática Biomédica y copresidente del grupo *HL7 CDS*. Además en la comunidad de **OpenCDS** colaboran entidades [7] como *Apelon*, *CDS Consortium*, *HLN Consulting*, *HP Advanced Federal Healthcare Innovation Lab*, *Intermountain HealthCare*, *IsoDynamic*, *ej-technologies*, *Keona Health*, *KS Consulting*, *New York City Department of Health and Mental Hygiene*, *Open Health Tools*, *Tolven*, *University of Utah*, *Utah Department of Health*, *Veterans Health Administration* y *Wolters Kluwers Health*.

La arquitectura [8] de **OpenCDS** se establece siguiendo esta serie de cuestiones:

- ¿Por qué usar servicios CDS?
 - De esta manera se encapsula conocimiento en componentes altamente reusables.
 - Permite múltiples métodos de representación del conocimiento.
- ¿Por qué usar un estándar?
 - Permite interoperabilidad y escalabilidad.
- ¿Por qué código abierto?
 - Para fomentar la adaptación y la participación

Un diagrama del funcionamiento en general de **OpenCDS** sería el siguiente:

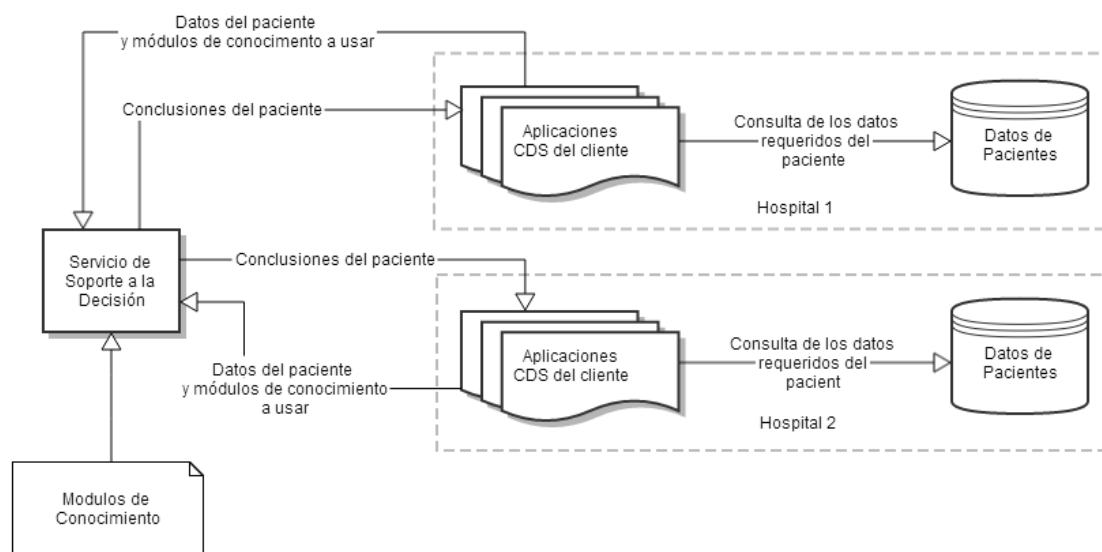


ILUSTRACIÓN 4: DIAGRAMA DE LA ARQUITECTURA DE **OPENCDS**

En el diagrama, el **Servicio de Soporte a la Decisión** está implementado con **OpenCDS** y es independiente de cada una de las aplicaciones CDS del cliente. Gracias a la estandarización este servicio es capaz de ser utilizada con cada una de las organizaciones de salud y los sistemas informáticos de salud. El funcionamiento es sencillo, desde un hospital cualquiera se envía desde su propia aplicación los datos en este estándar. El **Servicio de Soporte a la Decisión** al tener el mismo estándar, será capaz de interpretar los datos y enviarle los resultados pedidos del paciente. Estos resultados también podrán ser enviados a otras instituciones distintas que implementen el mismo estándar. De esta manera se consigue que todos los hospitales del mundo

puedan llegar a **comunicarse de manera eficaz**, cosa que hoy en día es más que útil, pues serviría entre otras cosas para poder trasladar a un paciente a otro hospital sin la necesidad de, a la hora de trasladar su historial clínico, tener que adaptarlo al sistema de este nuevo hospital.

Se han comentado algunos de los beneficios que se tendrían a la hora de usar esta plataforma, pero no obstante aún no está implementado ningún tipo de estándar común para todas las instituciones. A lo largo de este proyecto se va a hacer una pequeña implementación usando la plataforma y se irán comentando más ventajas y desventajas que se han ido encontrando así como las dificultades a la hora de desarrollar. Antes de esto, se describe cómo funciona por “debajo” **OpenCDS**, esto es, los componentes y demás estándares de los que hace uso [9]. Esa descripción será de manera general y de “alto nivel” (para detalles de implementación consultar la sección del [proyecto en OpenCDS](#) y la [creación de un pequeño proyecto de ejemplo](#)). Por tanto a grandes rasgos la composición sería la siguiente:

La parte de la interfaz se implementa siguiendo los estándares DSS que se adoptan en HL7⁴ y OMG⁵. De esta manera se especifica un estándar en el soporte para la decisión clínica como un servicio software. Este estándar lleva tiempo y esfuerzo implementándose y es conocido como *HL7-OMG Healthcare Services Specification Project*. El proyecto de estandarización está liderado por el doctor *Kensaku Kawamoto*; la misma persona que fundó el proyecto **OpenCDS**. Principalmente esta interfaz que implementa se subdivide a su vez en tres interfaces que son las siguientes:

- **Evaluation:** Usada para evaluar los datos del paciente usando módulos de conocimiento para generar conclusiones específicas para cada uno.
- **Metadata Discovery:** Usada para identificar metadatos del servicio y sus módulos de conocimiento.
- **Query:** Usadas para consultar módulos de conocimiento de interés.

Como modelo de datos, usa vMR. Este, es un estándar que está contenido en HL7 que está optimizado especialmente para el soporte en la decisión clínica. También implementado por el doctor *Kawamoto* vMR se puede resumir en las siguientes características:

- Diseñado de manera que es fácil de entender y usar.
- Como está basado en un estándar, comparte las características semánticas de otros estándares de HL7 como puede ser CCD (*Continuity of Care Document*).
- Es extensible y soporta plantillas de estructuras de datos.
- Está adaptado a motores de inferencia y otro software diseñados para analizar eficientemente cantidades grandes de datos.

No se usa el estándar en su completitud sino que usa una forma simplificada. Además **OpenCDS** puede también comunicarse con sistemas externos usando un formato XML para representar vMR⁶.

Como lógica de la plataforma, usa la plataforma [Drools](#) que se explica en el apartado anterior. Recordamos que *Drools* es un motor de inferencias desarrollado por *JBoss* y que actualmente se usa por todo el mundo. Puede ser usado de dos maneras diferentes:

⁴ Más información acerca de HL7: http://hssp-dss.wikispaces.com/hl7_specification

⁵ Más información acerca de OMG: http://hssp-dss.wikispaces.com/omg_specification

⁶ Más información de vMR: [http://wiki.hl7.org/index.php?title=Virtual_Medical_Record_\(vMR\)](http://wiki.hl7.org/index.php?title=Virtual_Medical_Record_(vMR))

- Como proyecto web para crear bases de conocimiento, pruebas, versiones y empaquetado usando una compilación de *Drools* conocida como *Guvnor*.
- Creando reglas usando programación de bajo nivel y probándolo bajo *Eclipse*, ya que *Drools* tiene integración con el mismo.

Hasta aquí los componentes principales de la arquitectura de **OpenCDS** y a los que se le hará más hincapié en el proyecto. Además, también usa los siguientes componentes opcionales y/o no de tan importancia a la hora de programar usando el estándar **OpenCDS**:

- **JBoss jBPM**: Gestor de procesos de negocio de código abierto. Se usa para permitir diagramas de flujo para representar las decisiones clínicas.
- **Apelon DTS**: Las siglas corresponden a *Distributed Terminology System* y es un framework de código abierto que da soporte completo a terminologías. Por tanto incluye la posibilidad de mantener contenido de vocabulario médico y relaciones y mapeos entre vocabularios.
- **Drools DSL**: *Drools* permite la posibilidad de crear un DSL para manejar de manera intuitiva la base de conocimiento. Con esta herramienta se ocultan todos los detalles técnicos que hay a la hora de crear reglas y muestra una interfaz clínica sencilla de tal manera que se permite la creación de reglas gráficamente seleccionando los componentes que describan los aspectos relevantes, los cuales se mostrarán en un lenguaje clínico común.

Para finalizar este apartado, al final se decide hacer el proyecto en esta herramienta por las siguientes razones:

- Por lo novedoso que es. Por ahora no hay mucha gente que lo haya utilizado por lo que es un gran punto a favor de cara a la innovación.
- Se siguen estándares médicos existentes, por lo que si se consiguiera que todas las instituciones siguieran un mismo estándar se optimizaría muchísimo el servicio médico (si se realiza una aplicación con solamente con reglas, al final no sería compatible en todos los lugares).
- Suple perfectamente las necesidades que plantea este trabajo fin de grado (hacer un soporte a la decisión clínica en farmacovigilancia).
- De cara al futuro, se piensa que va a ser una herramienta fundamental en la investigación, por lo que este trabajo podría ser una buena introducción a la misma.
- El lenguaje de programación sea *Java*, el cuál es de los lenguajes de programación de alto nivel que más se usan y en el cuál es más fácil desarrollar.
- Únicamente se usan componentes de código abierto.

[TODO] Apartado incompleto, cuesta mucho entender la plataforma. Hay que generar XML y no se hace de manera automática. Los ficheros de reglas también que generarlos, si no es con guvnor, manualmente y también cuesta. Sobre todo el entender los estándares que usa por debajo.

No obstante, algunas de las limitaciones que se tendría al usar esta plataforma serían las siguientes:

-

3. DISEÑO Y RESOLUCIÓN

[TODO] Esta sección se corresponde a toda la parte técnica y de programación de la aplicación. Se definirá la aplicación implementada desde su inicio hasta su fin así como tipos de diseño, etc.

3.1. LA APLICACIÓN USANDO REGLAS

[TODO] Introducción

3.1.1. ESTUDIO DEL RENDIMIENTO CON *DROOLS*: COMPARATIVA DE VERSIONES

Para la siguiente sección, se va a hacer una serie de comparativas de los algoritmos explicados en el [apartado 2](#), en la parte correspondiente a reglas, usando un número determinado de reglas y hechos y midiendo el uso de memoria y CPU así como el tiempo tardado⁷ hasta que infieren una solución. Realmente se está comparando íntegramente las versiones de *Drools* donde cada una de ellas usa un algoritmo diferente, ya que no se puede aislar y comparar únicamente la parte en la que se hace uso del algoritmo.

Estas pruebas se han realizado bajo un ordenador de las siguientes características:

- **Procesador:** Intel® Core™ i7-3610QM CPU @ 2.30Ghz
- **Memoria RAM:** 8,00 GB
- **Sistema Operativo:** Windows 7 Professional N (SP1) de 64 bits

En primera instancia, se explica aquí los detalles de las pruebas realizadas. Se ha implementado un hecho que contiene un único atributo numérico con valor inicial de 0. Por otro lado, se ha desarrollado un software que genera reglas para nuestra aplicación de pruebas que siguen la siguiente estructura:

```
Archivo Rules.drl

Regla 1: SI hecho.numero=0 ENTONCES hecho.numero=1

Regla 2: SI hecho.numero=1 ENTONCES hecho.numero=2

Regla 3: SI hecho.numero=2 ENTONCES hecho.numero=3

Regla 4: SI hecho.numero=3 ENTONCES hecho.numero=4

...
```

Dependiendo del número de reglas que se quiera generar y empezando con una regla, cada regla siguiente lo único que hará será modificar el valor del atributo numérico para incrementarlo en una unidad. De esta manera, se consigue que por cada hecho nuevo que se cree, se disparen todas las reglas de la base de conocimiento (a partir de ahora BC). Por tanto, si se tienen dos hechos en la base de hechos (a partir de ahora BH) y tres reglas en la BC, se dispararán un total de 6 reglas y la aplicación finalizará.

⁷ Para la medición de la CPU se usa el monitor de sistema de Windows. Para la medición de la RAM se usa el método `totalMemory()` de *Java* y por último para la medición del tiempo, se coloca una bandera antes de introducir los hechos en la BH y se comprueba al final de la ejecución cuánto tardó.

Con estos primeros resultados se puede ver que como los tiempos de cómputo son tan pequeños no se puede medir bien el uso de CPU que lleva cada ejecución por lo que podría provocar valores incoherentes (los dejamos a 0.00 cuando el tiempo es inferior a 1 segundo).

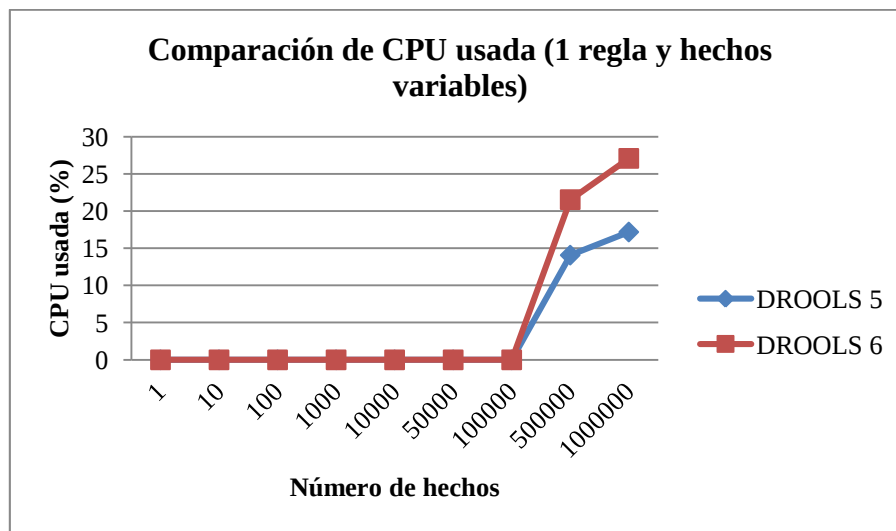


GRÁFICO 1: COMPARATIVA DE CPU USADA CON 1 REGLA Y HECHOS VARIABLES

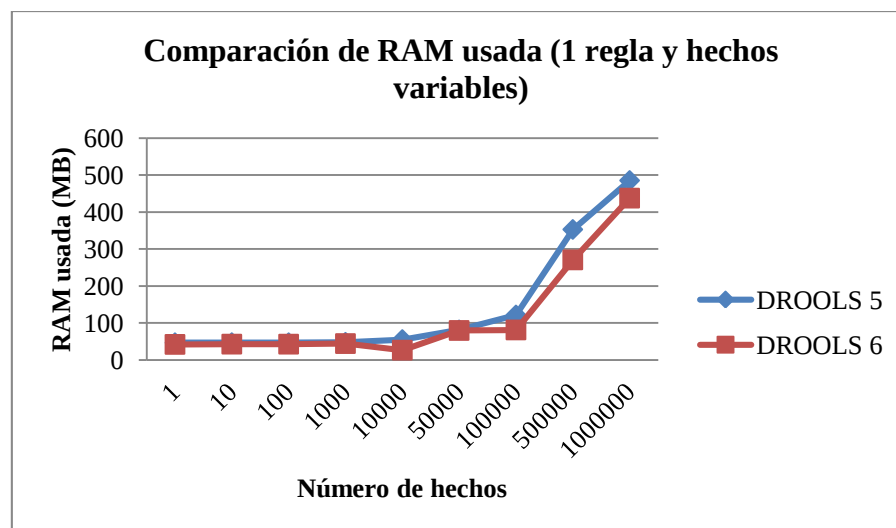


GRÁFICO 2: COMPARATIVA DE MEMORIA USADA CON 1 REGLA Y HECHOS VARIABLES

También se puede ver que por mucho que aumentemos el número de hechos al tener una regla nada más, la memoria que usa la aplicación no crece tanto (los hechos no necesitan tanta memoria) y el tiempo de cómputo hasta inferir la solución no es tan alto.

La cantidad de memoria que se necesita en *Drools* 6 es menor que para la versión 5. Cuando se tienen pocos hechos, parece que *Drools* 5 tarda menos en terminar, pero la diferencia es ínfima. A medida que aumentan los hechos vemos que la eficiencia de *Drools* 6 aumenta bastante respecto a su antecesor. En cuanto a la CPU, *Drools* 6 necesita más cómputo y debe de ser debido a la optimización en el algoritmo que usa. En *Drools* 6 también se ve que llegado a un punto, como la memoria está llena el recolector de basura se encarga de vaciarla.

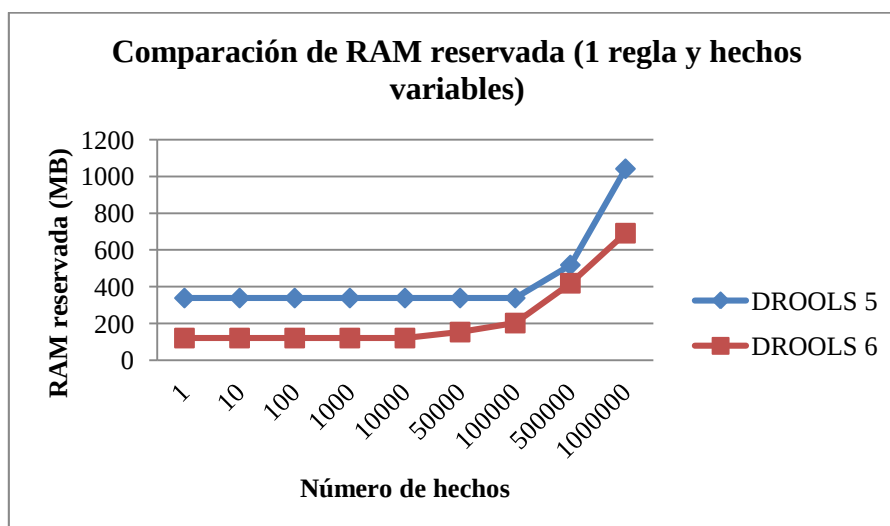


GRÁFICO 3: COMPARATIVA DE MEMORIA RESERVADA CON 1 REGLA Y HECHOS VARIABLES

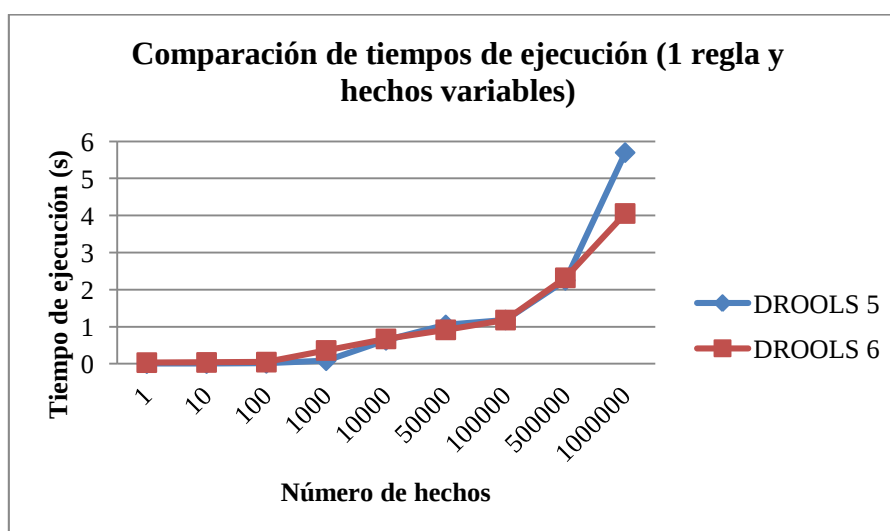


GRÁFICO 4: COMPARATIVA DE TIEMPOS DE EJECUCIÓN CON 1 REGLA Y HECHOS VARIABLES

En cuanto a tiempos de ejecución no se puede apreciar mucho la diferencia puesto que ambos, en estos ejemplos finalizan muy rápido. No obstante parece ser que a partir de tener bastantes más hechos *Drools 6* empieza a funcionar de manera más rápida. Ahora se realizan las mismas pruebas pero en vez de aumentar los hechos, esta vez aumentamos las reglas y se obtienen los siguientes resultados:

Se puede ver que el número de reglas que permite la aplicación es más limitada (llega un momento en el que se produce error). En estas ejecuciones, el tiempo que tarda en cargar todas las reglas en la BC es bastante grande (el tiempo que sale en la tabla es el tiempo de ejecución). En los datos se observa que las reglas ocupan mucho más en memoria aunque en un punto el recolector de basura trabaje y limpie la memoria. Igualmente en una aplicación real tener más de 2000 reglas no es algo que pueda ser habitual. Entre *Drools 5* y *6*, se cumple también lo mismo que para los hechos. La última versión está más optimizada en cuanto a memoria pero en tiempo tarda más debido a la optimización que sufre. Aun así, las diferencias de tiempo siguen siendo despreciables.

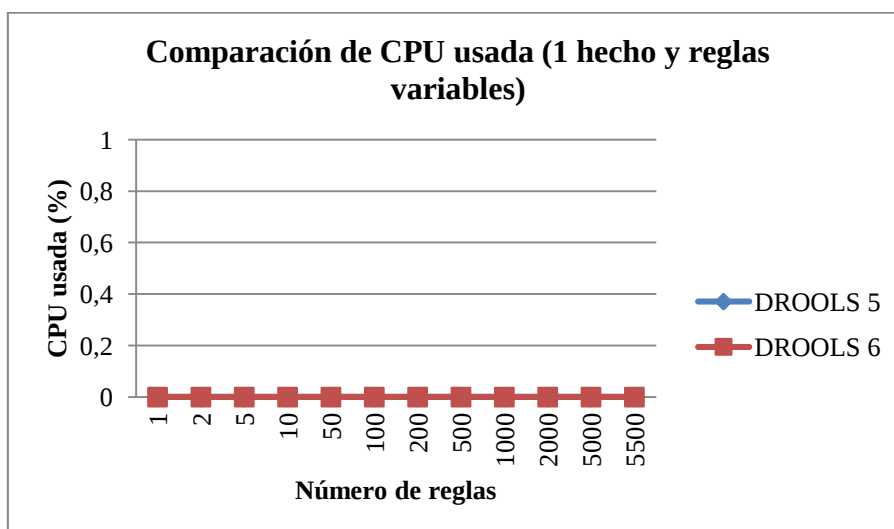


GRÁFICO 5: COMPARATIVA DE CPU USADA CON 1 HECHO Y REGLAS VARIABLES

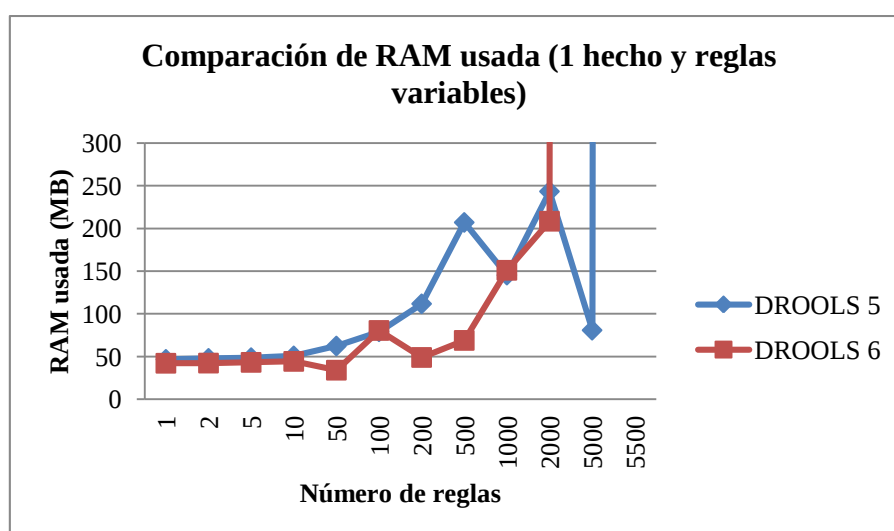


GRÁFICO 6: COMPARATIVA DE MEMORIA USADA CON 1 HECHO Y REGLAS VARIABLES

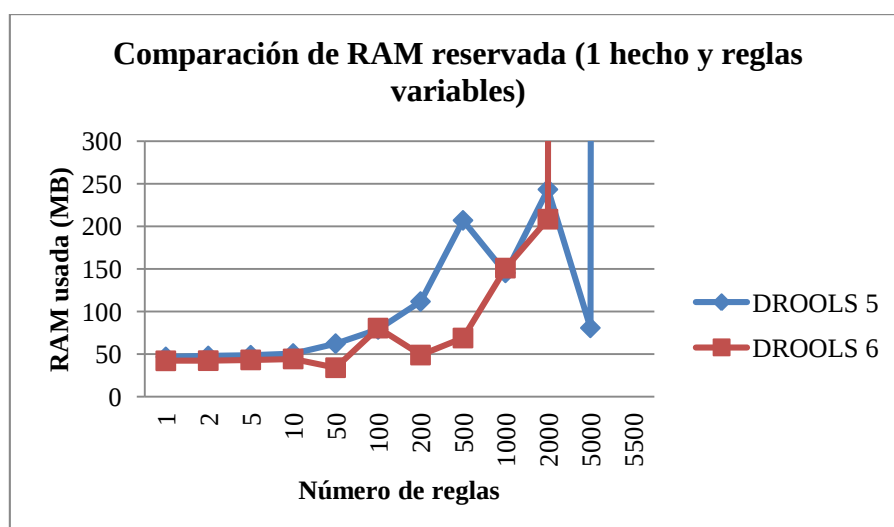


GRÁFICO 7: COMPARATIVA DE MEMORIA RESERVADA CON 1 REGLA Y HECHOS VARIABLES

Se ve que por normal general *Drools* 6 se sitúa por debajo aunque tampoco hay una gran diferencia. En el gráfico se ve que se admite un número máximo de reglas, y que a partir de ese máximo la memoria que ocupa ya es infinita puesto que la aplicación no sería capaz de terminar.

Como caso curioso se puede observar que *Drools* 5 tarda menos tiempo en procesar un número de reglas mayor cuando sólo se tiene un hecho en la base. A partir de ahora al ser BC y BH más grandes y se harán combinaciones de ambos, por lo que los datos de medición serán más precisos y diferirán más por lo que podemos obtener una comparativa más precisa de la escalabilidad.

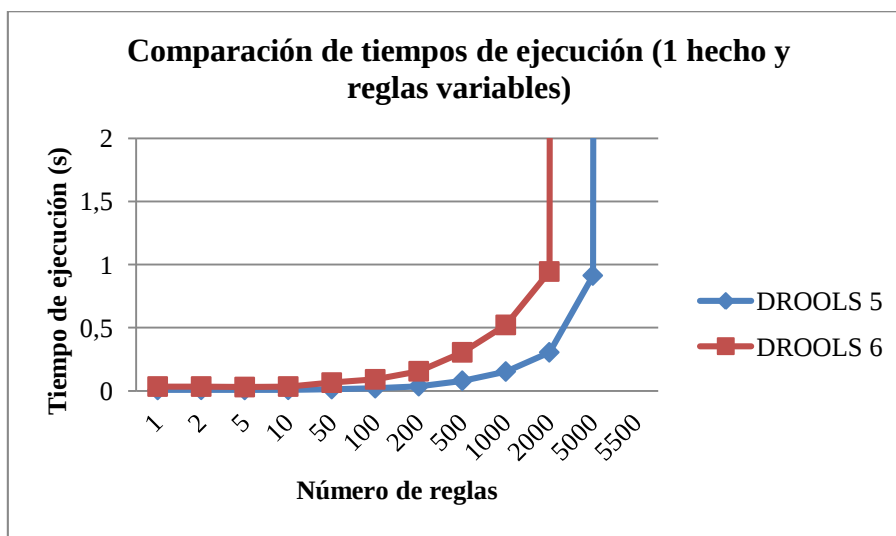


GRÁFICO 8: COMPARATIVA DE TIEMPOS DE EJECUCIÓN CON 1 HECHO Y REGLAS VARIABLES

Una aplicación con 100 reglas y cambiando el número de hechos y luego una de 500 reglas cambiando también el número de hechos producen los siguientes resultados:

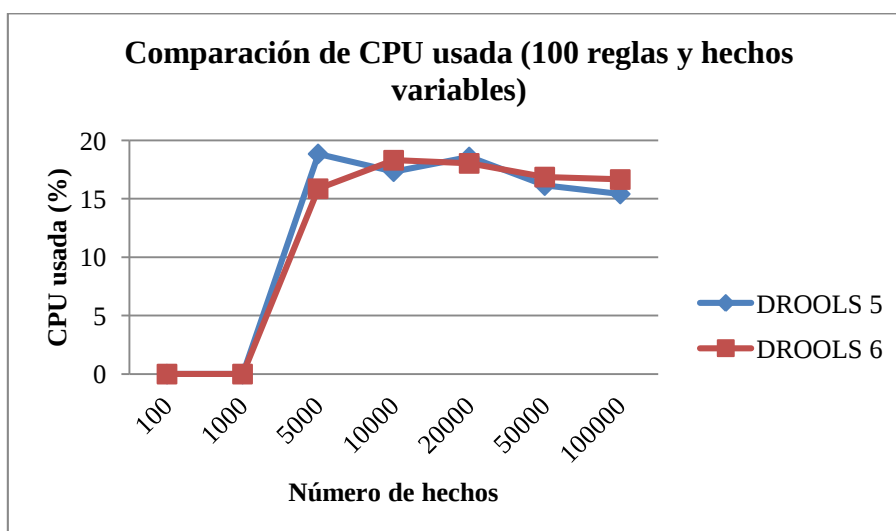


GRÁFICO 9: COMPARATIVA DE CPU USADA CON 100 REGLAS Y HECHOS VARIABLES

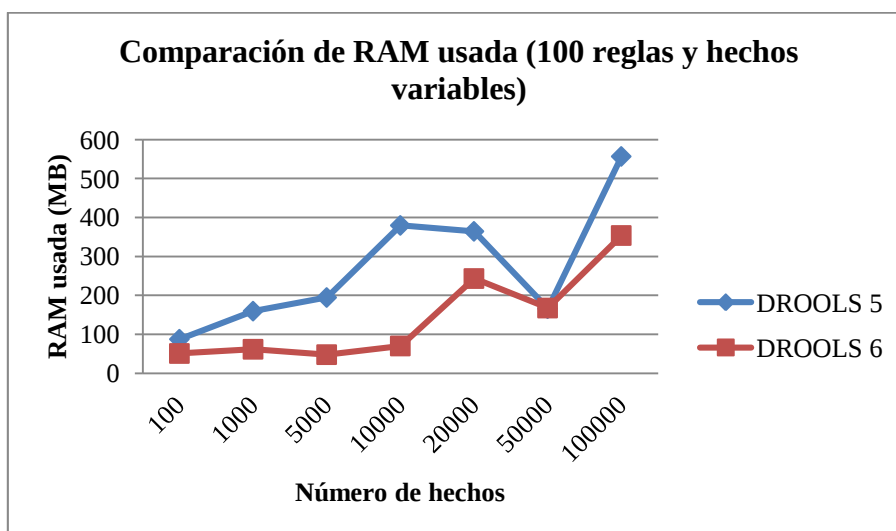


GRÁFICO 10: COMPARATIVA DE MEMORIA USADA CON 100 REGLAS Y HECHOS VARIABLES

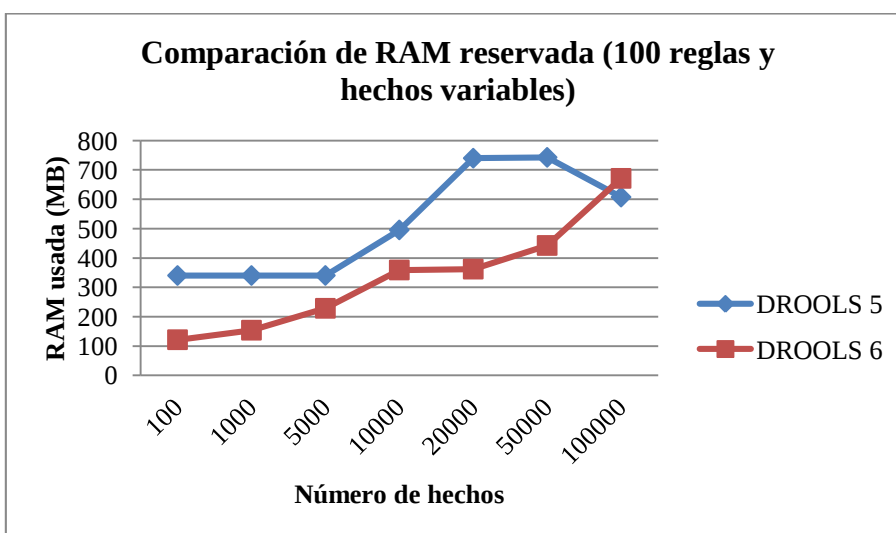


GRÁFICO 11: COMPARATIVA DE MEMORIA RESERVADA CON 100 REGLAS Y HECHOS VARIABLES

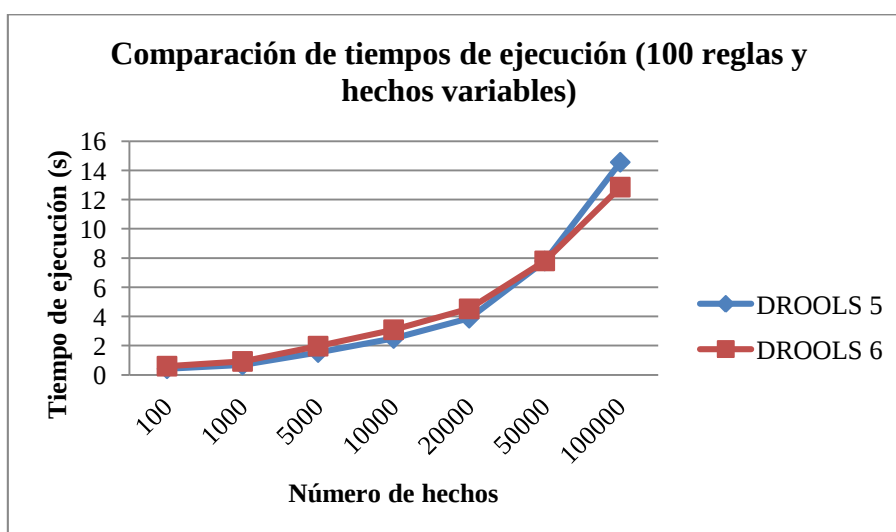


GRÁFICO 12: COMPARATIVA DE TIEMPOS DE EJECUCIÓN CON 100 REGLAS Y HECHOS VARIABLES

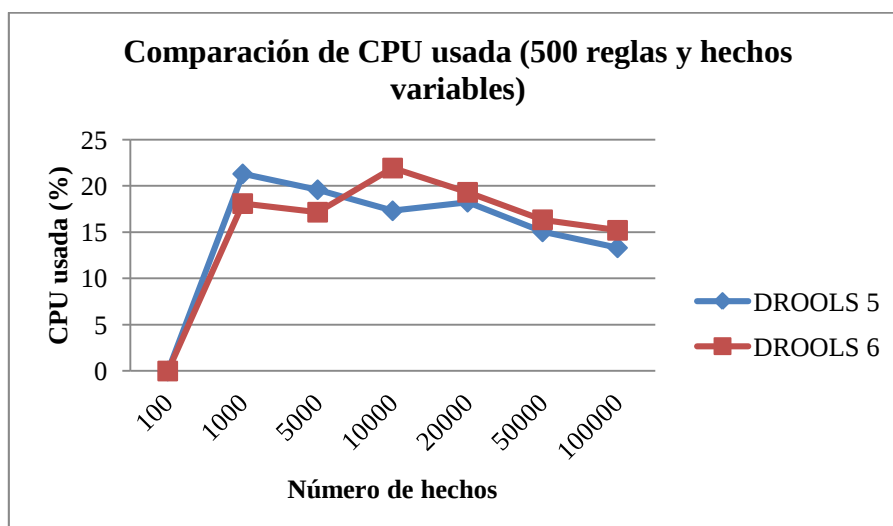


GRÁFICO 13: COMPARATIVA DE CPU USADA CON 500 REGLAS Y HECHOS VARIABLES

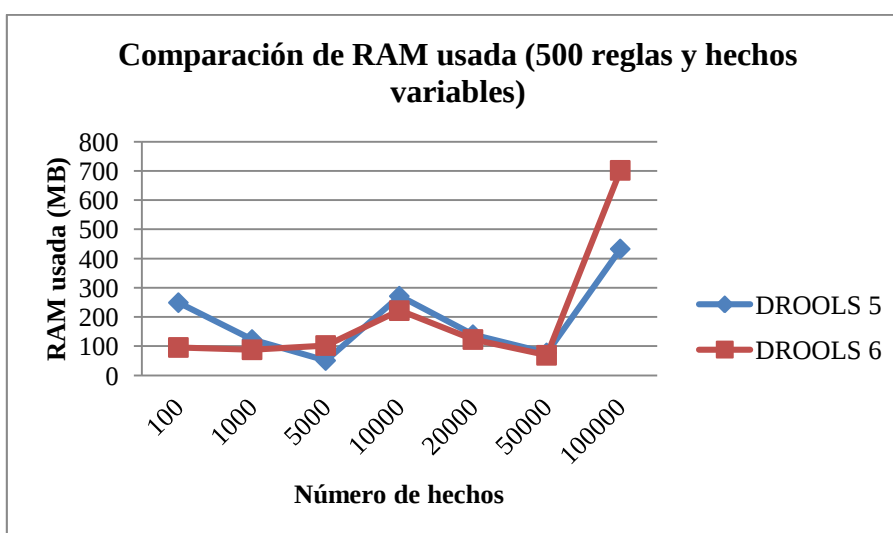


GRÁFICO 14: COMPARATIVA DE MEMORIA USADA CON 500 REGLAS Y HECHOS VARIABLES

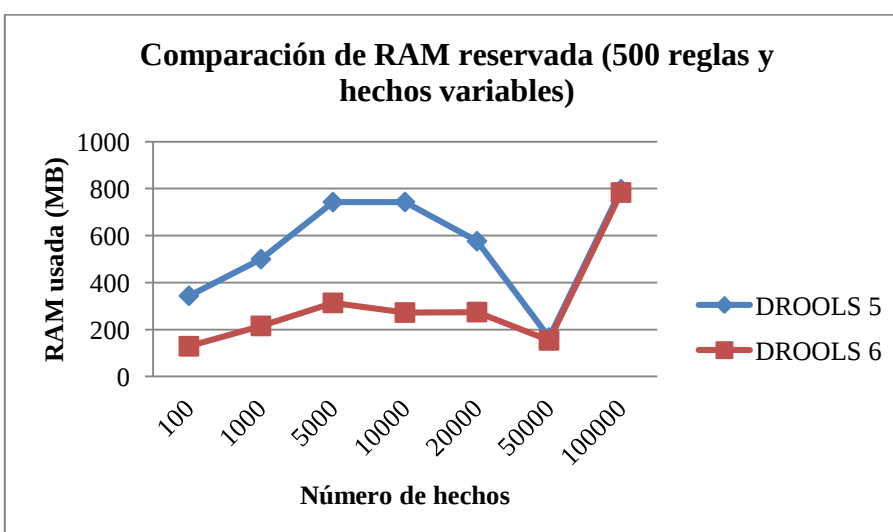


GRÁFICO 15: COMPARATIVA DE MEMORIA RESERVADA CON 500 REGLAS Y HECHOS VARIABLES

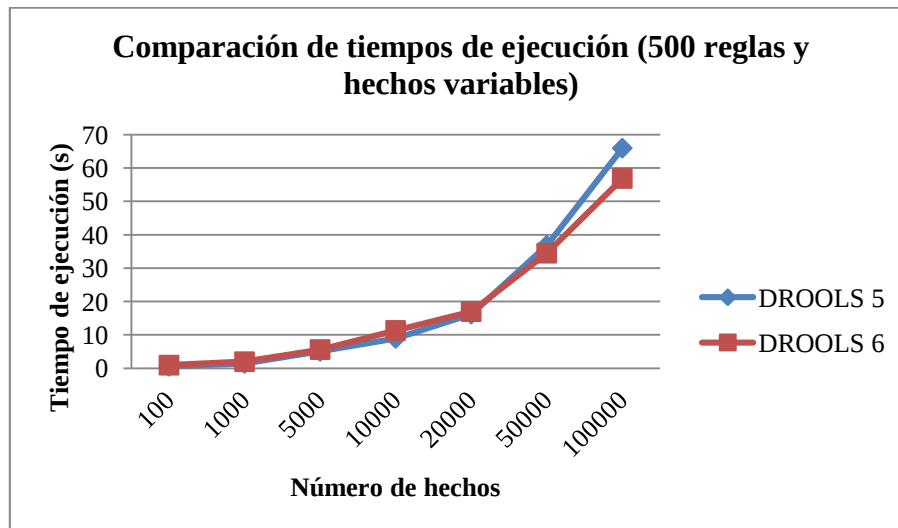


GRÁFICO 16: COMPARATIVA DE TIEMPOS DE EJECUCIÓN CON 500 REGLAS Y HECHOS VARIABLES

Se puede ver claramente que a medida que la base de hechos aumenta, *Drools 6* es más eficiente en memoria y en tiempo respecto a *Drools 5*. La cantidad de CPU que se utiliza es similar en ambos casos. Por lo tanto cuantos más datos se estén introduciendo, la mejora es mayor (por lo que se demuestra que *Drools 6* es mucho más escalable).

Por último se analiza una aplicación de 2000 reglas y cambiando el número de hechos. Para estas tablas se ha optado por usar un software que sea más preciso a la hora de calcular los datos⁸. Con esto ya se tendría suficiente para hacer el estudio de escalabilidad, puesto que bases más grandes no serían realistas y en rara ocasión tendría lugar en la vida real.

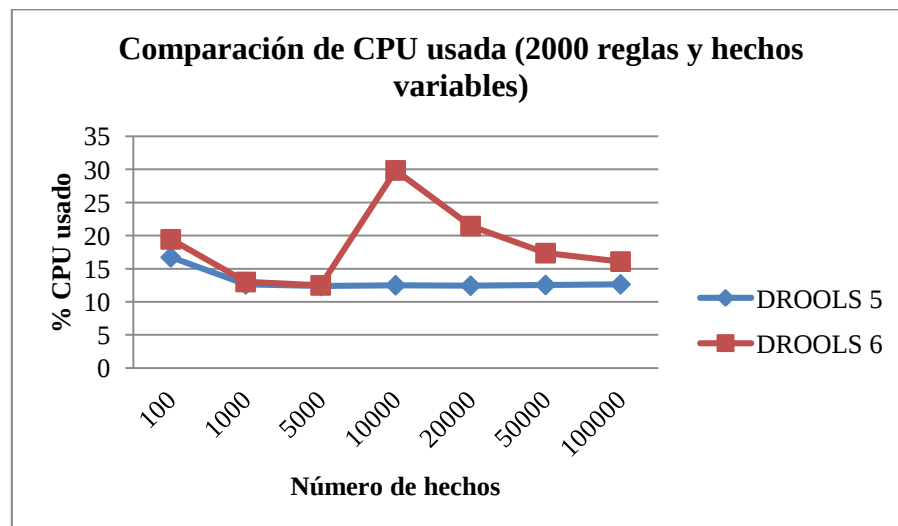


GRÁFICO 17: COMPARATIVA DE CPU USADA CON 2000 REGLAS Y HECHOS VARIABLES

En media, *Drools 5* usa un 13.13% de CPU mientras que *Drools 6* usa un 18.52%. Por lo tanto se puede concluir que *Drools 6* usa un 41% más de CPU que *Drools 5*.

⁸ Para esta medición haremos uso de un software externo, y tomaremos los datos desde la carga de las reglas hasta que termina el motor de inferencia. El software usado es el *process explorer* (<http://technet.microsoft.com/es-es/sysinternals/bb896653.aspx>) y se mide el pico de memoria física y virtual, el tiempo de ejecución desde que se cargan las reglas hasta que infiere la solución y el uso medio de CPU.

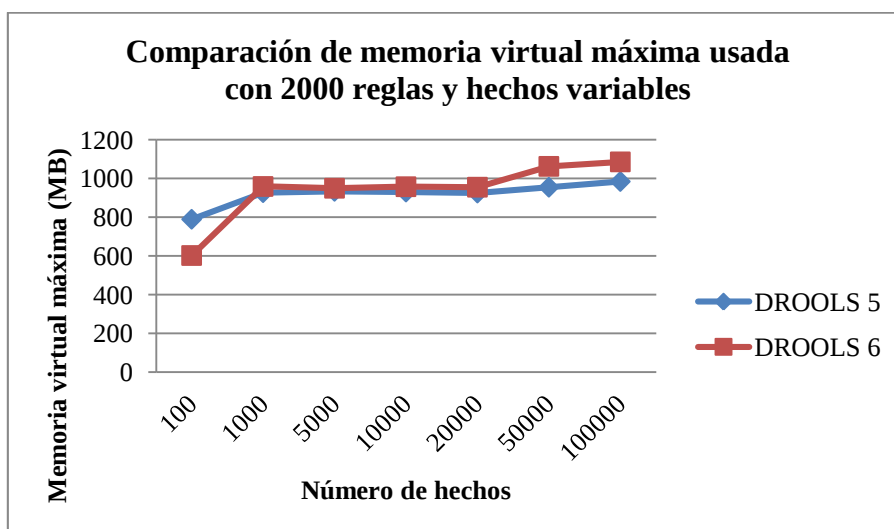


GRÁFICO 18: COMPARATIVA DE MEMORIA VIRTUAL MÁXIMA USADA CON 2000 REGLAS Y HECHOS VARIABLES

Drools 5 usa de media de memoria virtual máxima de 920.14 MB y *Drools* 6 un poco más, 938.41 MB. La diferencia no es mucha y es más importante la memoria física que utilice que se representa en el siguiente gráfico.

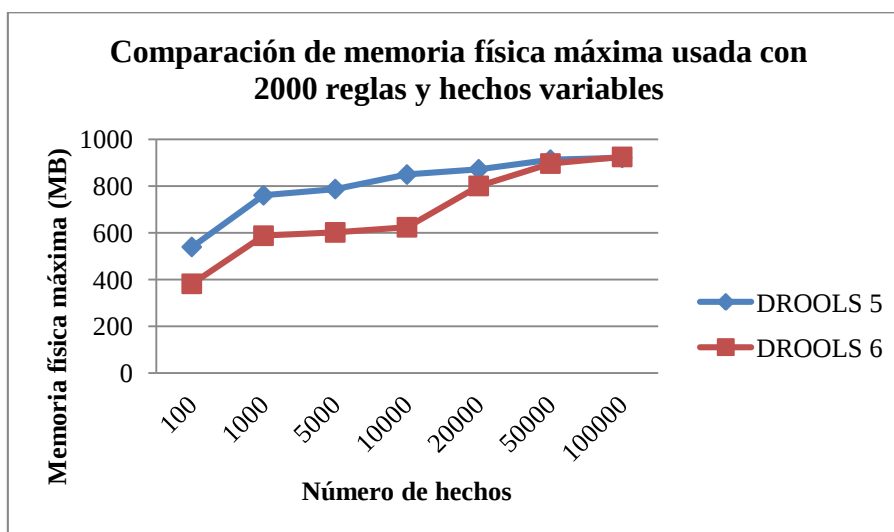


GRÁFICO 19: COMPARATIVA DE MEMORIA FÍSICA MÁXIMA USADA CON 2000 REGLAS Y HECHOS VARIABLES

Se puede ver directamente que *Drools* 6 está por debajo en la mayoría de casos hasta que ambos convergen. Cabe destacar que rara vez una aplicación podría llevar tantos hechos. De media, *Drools* 5 usa de máximo 805.88 MB mientras que *Drools* 6 tiene de media 687.93 MB. Por tanto la última versión de *Drools* **ahorra aproximadamente un 15% de memoria** física en sus ejecuciones.

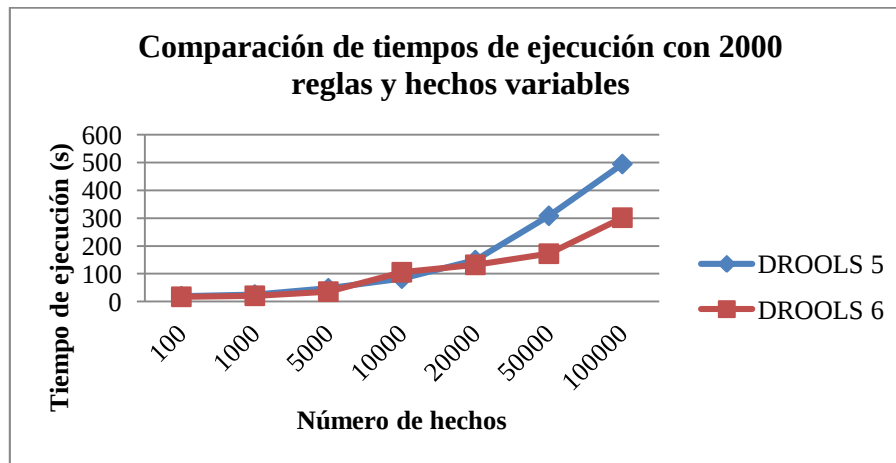


GRÁFICO 20: COMPARATIVA EN TIEMPOS DE EJECUCIÓN CON 2000 REGLAS Y HECHOS VARIABLES

Lo más significativo aquí es que en cuestión de tiempos, *Drools* 6 es mucho más escalable. A partir de un tamaño grande, el tiempo de ejecución es mucho menor en esta última versión, aspecto que en la mayoría de casos es la que más importancia tiene. En media, *Drools* 5 se ejecuta en 161.19s mientras que *Drools* 6 tarda de media 112.4s **siendo un 43% más rápido** que su predecesor.

Como conclusión final se puede decir que la última versión de *Drools* usa más CPU para funcionar pero a cambio consigue que la aplicación finalice en bastante menos tiempo cuando las BH y BC superan un umbral. En cuanto al tema de memoria, usada y la memoria física también se mejora pero no es tanta la mejoría. Por lo general, es un cambio bastante significativo el usar un algoritmo distinto al clásico *RETE* que se lleva usando desde el principio.

3.1.1.2. CROSS PRODUCTS Y QUERIES

En *Drools* existe un término llamado *Cross Product* [2] que funciona como un *join* (mencionado anteriormente en las descripciones de los algoritmos) de SQL. Esto se trata simplemente se realizar un producto cruzado cuando se tienen creados varios objetos y están como antecedentes en una regla. Si se hace buen uso de los *Cross Product* se ahorrará bastante trabajo así como memoria, puesto que se evitaría generar datos inútiles que lo único que hacen es que el motor tarde más en terminar de inferir y ocupar espacio.

Para que se entienda mejor se presenta un ejemplo:

- Sean dos tipos de clases: *Contenedor* y *Contenido*.
- La clase *Contenido* pertenece a un *Contenedor*. Por lo tanto tiene un atributo *Contenedor* que indica cuál es su *Contenedor*.
- Se tienen cuatro objetos de cada tipo: *contenedorA*, *contenedorB*, *contenedorC*, *contenedorD* (cada una asociada a su contenedor correspondiente).

A la hora de definir las reglas, se deberá de tener en cuenta qué datos son los que interesan ser comparados y guardados. Por ejemplo la regla:

```
rule "Mostrar contenido" when
    $contenedor: Contenedor()
```

```
$contenido: Contenido()  
then  
    System.out.println( "contenedor:" + $contenedor.getNombre() + "  
contenido:" + $contenido.getNombre() );  
end
```

Al no especificar ninguna restricción, se hará un *cross product* de todos los objetos, y devolverá 9 parejas de datos, de los cuales la mayoría no interesan pues no coincide el *Contenido* con su *Contenedor*. Lo que devuelve en este caso es:

```
Contenedor: contenedorA Contenido: contenidoA  
Contenedor: contenedorA Contenido: contenidoB  
Contenedor: contenedorA Contenido: contenidoC  
Contenedor: contenedorB Contenido: contenidoA  
Contenedor: contenedorB Contenido: contenidoB  
Contenedor: contenedorB Contenido: contenidoC  
Contenedor: contenedorC Contenido: contenidoA  
Contenedor: contenedorC Contenido: contenidoB  
Contenedor: contenedorC Contenido: contenidoC
```

De este resultado sólo interesan las parejas que coinciden, por lo que tenemos que restringir el *cross product* para que sea más eficiente en cuanto a tiempo y memoria. Si no se especificasen correctamente, para reglas que utilicen muchos objetos, el *cross product* podría ser demasiado grande, causando que el motor de inferencias sea extremadamente lento cuando no hay necesidad de ello. La regla correcta sería:

```
rule "Mostrar contenido" when  
    $contenedor: Contenedor()  
    $contenido: Contenido( contenedor == $contenedor )  
then  
    System.out.println( "contenedor:" + $contenedor.getNombre() + "  
contenido:" + $contenido.getNombre() );  
end
```

De esta manera nos aseguramos que los contenidos que se muestren sean sólo aquellos que se asocien de manera correcta a su contenedor. El resultado en este caso sería:

```
Contenedor: contenedorA Contenido: contenidoA  
Contenedor: contenedorB Contenido: contenidoB  
Contenedor: contenedorC Contenido: contenidoC
```

En este ejemplo tan sencillo ya se está utilizando 2/3 menos de memoria, lo cual de cara a una aplicación grande con muchas reglas y hechos podría traducirse a algo más grande.

En cuanto a las *queries* [3] se trata de un tipo de estructura integrado en *Drools* que se puede especificar en el fichero `.drl`. Es una manera más sencilla de buscar en la memoria de trabajo hechos que coincidan con unas condiciones dadas. Por lo tanto, sólo contiene la parte derecha de una regla o en este caso la parte que se especifica en el *when* obviando poner el *then* y la parte que le sigue. En una *query* también se tiene una serie de parámetros que son opcionales; por ejemplo si no se pone el tipo del objeto, se asume que es el tipo *object* y el motor intentará asociarle el valor que considere que es. Además los nombres de las *queries* son globales para

toda la *KieBase* por lo que no se pueden añadir *queries* del mismo nombre a diferentes paquetes para una misma *RuleBase*.

Si se quiere hacer una consulta, únicamente se escribirá `kSession.getQueryResults("nombre")` donde `nombre` es el nombre de la *query*. Esto devolverá la lista de resultados de la *query* lo que permite recuperar los objetos que coinciden con la misma. Por ejemplo, si se tiene una BC de personas con un atributo `edad`, y se quieren recuperar todas las personas con una edad mayor de 30, se escribiría la siguiente *query*:

```
query "personas mayores de 30"  
  persona: Persona ( edad > 30 )  
end
```

Aplicando el método anteriormente explicado, tendremos una lista de personas que cumpla esa *query*. También se puede parametrizar la *query* para que cumplan ciertas condiciones. Por ejemplo si se quiere obtener la lista de personas de una edad superior a `x` que vivan en `y` se escribirá:

```
query "mayores de x que viven en y" (int x, String y)  
  persona: Persona ( edad > x, localidad == y )  
end
```

Esta lista que se obtiene al consultar la *query* se puede recorrer usando un iterador *for*. Cada elemento de la lista es un `QueryResultsRow` y se puede acceder a los datos de la misma que estará en forma de columnas (cada fila es un resultado y cada columna de la misma los datos). El acceso a las columnas se puede hacer por índice o por nombre.

El código *Java* equivalente a realizar una consulta sobre las personas mayores de 30 años sería el siguiente:

```
QueryResults resultados = kSession.getQueryResults("personas mayores  
de 30");  
System.out.println("Tenemos " + resultados.size() + " personas mayores  
de 30 años");  
System.out.println("Estas son las personas mayores de 30:");  
for (QueryResultsRow fila : resultados){  
    Persona persona = (Persona)fila.get("persona");  
    System.out.println("persona.getNombre());  
}
```

Además para hacer el código más compacto, se añade una sintaxis posicional. Por defecto, cuando se declara un tipo de objeto con varios atributos, la posición de cada uno será en función al orden de declaración. No obstante podemos modificarla usando la anotación `@position`. En un ejemplo se puede ver más claro:

```
declare Queso  
  nombre: String @position(1)  
  tienda: String @position(2)  
  precio: int @position(0)  
end
```

Si no se hubiera usado la anotación `@position` entonces nombre sería la 0, tienda la 1 y precio la 2. De esta manera la *query* `isContainedIn` que sirve para comprobar si un objeto está contenido en una localización pasará de tener el patrón `Location(x, y;)` en vez de `Location(objeto == x, localización == y)`.

De esta manera ahora se puede llamar desde una *query* a otra *query* que combinado con algunos argumentos opcionales nos permite una realizar *queries* como una derivación del mecanismo de encadenamiento hacia atrás. Un ejemplo con una *query* que se llama a si misma sería el siguiente:

```
query isContainedIn(String x, String y)
    Location(x, y;)
or
    (Location (z, y;) and isContainedIn(x, z;))
end
```

De esta manera se devolverían aquellas `Location` que cumplen que tienen un objeto `x` y una localización `y` o bien que tienen una localización `y`, pero el objeto que tiene, es una localización de otro `Location` que tiene como objeto la `x` pasada como argumento.

3.1.1.3. COMPARATIVA EN CONSULTA DE *FACTS*

Para este apartado se va a crear estructuras de datos nuevas acerca de individuos y haremos *queries* para consultar los datos de los mismos y calcular el tiempo que tarda *Drools* 5 y *Drools* 6 en resolver la consulta.

Se va a hacer uso de una clase `Persona` que tiene como atributos un entero que será la `edad` y un atributo que será una cadena que represente el `nombre`. En el fichero de *Drools* tendremos una *query* que permitirá buscar en la BH aquellas personas que cumplan una condición de edad y de nombre. En la BH inicial se introducirán una serie de personas, y sólo 1/3 de ellas cumplirán esas condiciones (de esta manera también se puede ver qué versión de *Drools* es más eficiente a la hora de comparar y descartar hechos).

Se medirá la RAM máxima que usa en la ejecución (tanto física como virtual) y el tiempo que tarda en devolver la consulta. Estas mediciones se harán con las mismas herramientas que se usó para evaluar el tiempo de inferencia dado un determinado número de reglas y hechos que se analizó en [el apartado anterior](#). Los datos que se obtienen son los siguientes:

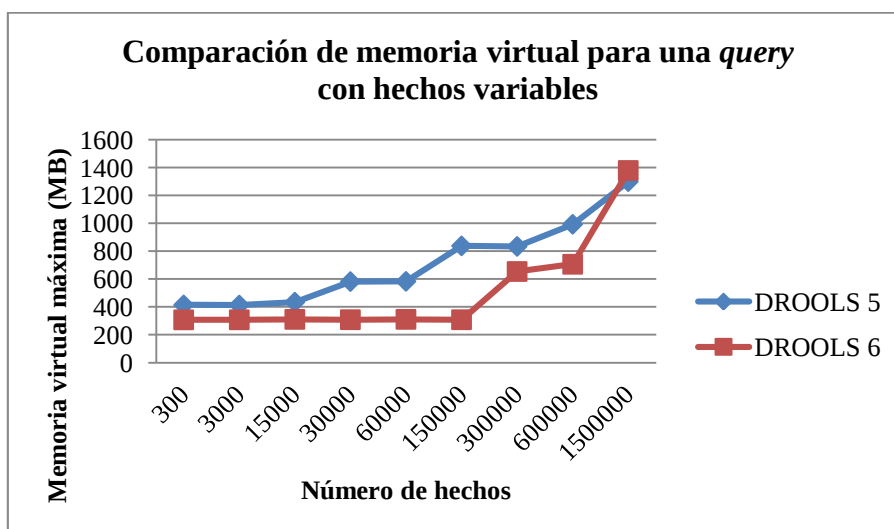


GRÁFICO 21: COMPARATIVA DE MEMORIA VIRTUAL MÁXIMA USADA PARA UNA QUERY CON HECHOS VARIABLES

Se ve como curiosidad que *Drools 6* reserva mucha menos memoria virtual cuando son pocos hechos, pero al final a medida que el sistema tiene más hechos crece mucho más rápido, y puede ser debido a que el sistema tiene un máximo de memoria virtual permitido y en esos casos ambos se sitúan al límite. De media *Drools 5* tiene un pico de memoria virtual de 710.36 MB mientras que *Drools 6* tiene 510.55 MB por lo que **ocupa un 39% menos**.

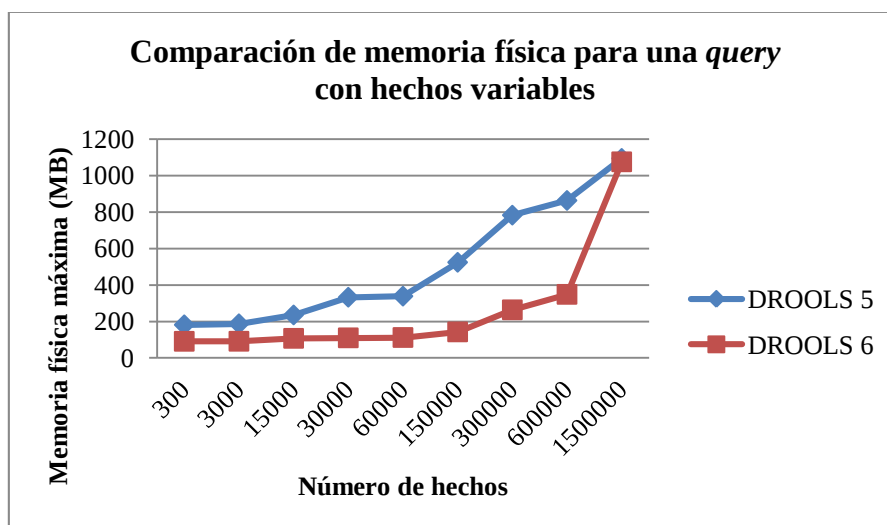


FIGURA 1: COMPARATIVA DE MEMORIA FÍSICA MÁXIMA USADA PARA UNA QUERY CON HECHOS VARIABLES

En cuanto a memoria física, parte que se considera más importante porque es la parte limitada de un ordenador se ve que *Drools 6* está bastante más optimizado, aunque al igual que con la memoria virtual, llega a punto en el que ambos convergen por no disponer de más memoria disponible para la aplicación. De media *Drools 5* ocupa un pico de 503.77 MB y *Drools 6* tan sólo 259.54 MB por lo que **ocupa un 94% menos**, que es casi la mitad.

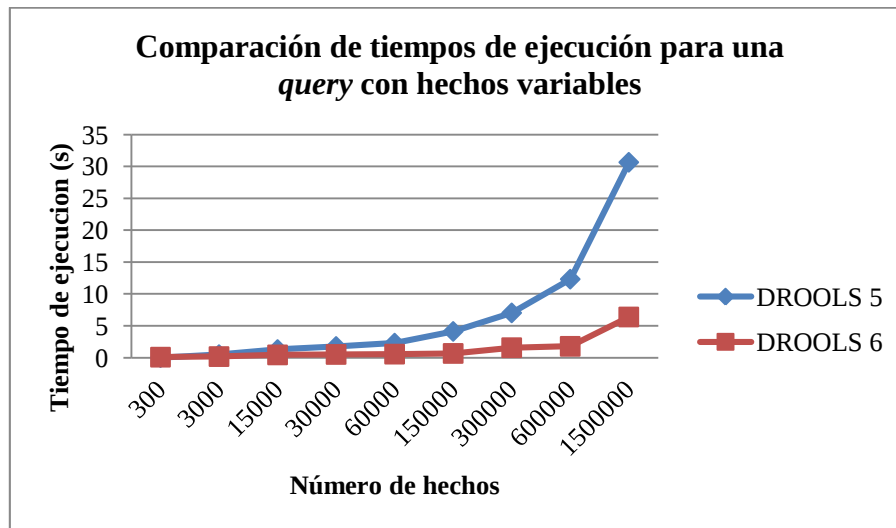


GRÁFICO 22: COMPARATIVA DE TIEMPOS DE EJECUCIÓN PARA UNA QUERY CON HECHOS VARIABLES

Al igual que con el motor de inferencias, donde más ventaja saca la última versión de *Drools* es en cuanto a tiempo. Se ve claramente que es mucho más eficiente en cuanto a tiempo las *queries* en *Drools* 6. El tiempo promedio de ejecución en estas pruebas en *Drools* 5 es de 6.67s y el de *Drools* 6 es de 1.36s por lo que es un **390%** más rápido.

3.1.2. DIAGRAMA DE CLASES

3.1.3. DIAGRAMA DE PAQUETES

3.1.4. EJEMPLO DE APLICACIÓN

3.2. LA APLICACIÓN EN *OPENCDS*

Antes de comenzar con el desarrollo del proyecto, es conveniente explicar cada uno de los paquetes de los que se compone la plataforma. Estos paquetes están disponibles una vez que se haya instalado la misma siguiendo las instrucciones del [Anexo I](#). Cada uno de ellos tiene un propósito distinto y son los siguientes:

- `dss-java-stub`:
 - Implementación *Java* de OMG para servicios Web SOAP (protocolo mediante el cual dos objetos en diferentes procesos pueden comunicarse mediante intercambio de datos XML).
 - Código auxiliar auto generado usando *Apache CXF*.
- `opencds-apelon`:
 - Contiene la clase `ApelonDtsUtiliy` que proporciona los métodos convenientes para interactuar con *Apelon DTS*.
 - **Este paquete no es necesario** para usar *OpenCDS*. No obstante con esta arquitectura se permite cualquier número de servidor de terminologías.
- `opencds-common`:
 - Incluye los componentes comunes que se usan a lo largo de *OpenCDS*. Por tanto son las utilidades generales, elementos estructurales del núcleo (los datos de HL7) y clases de ayuda a la manipulación de XML.

- La clase `AbsoluteTimeDifference` es particularmente útil a la hora de realizar inferencias temporales de manera intuitiva.
- Componentes DSS (`opencds-decision-support-service`, `opencds-dss-drools-adapter` y `opencds-dss-evaluation`):
 - En estos sub-proyectos se hallará una instancia de un DSS usando **OpenCDS** vMR y los módulos de conocimiento. Por defecto el conocimiento se crea usando *Drools Guvnor* pero el código de la plataforma está diseñado para permitir usar otros motores de conocimiento (por tanto este proyecto final de carrera se centra en gran parte en estos componentes).
 - La plataforma lo único que implementa es la interfaz de evaluación. Las consultas y el manejo de metadatos se deben de implementar también para adaptarlo a nuestras necesidades.
 - La clase principal es un adaptador de *Drools* a la plataforma. Esta clase recoge una petición, convierte un vMR externo en un vMR interno (conversión de los datos a unos que interprete la plataforma) y ejecuta una base de conocimiento con esos datos. Los resultados finales se envían al usuario que realizó la petición.
 1. La primera vez que se usa una base de conocimiento tardará más porque habrá que cargarla. Si se vuelve a usar será mucho más rápido ya que estará previamente cargada en memoria.
 2. Actualmente las bases de conocimiento se crean con *Drools Guvnor* y se guardan en un fichero de formato `.drl` (fichero de *Drools*). En el caso de este proyecto las reglas se diseñarán directamente en el fichero. De cara al futuro la plataforma intentará crear bases de conocimiento dinámicas.
- `opencds-knowledge-repository`:
 - Este modulo contiene los repositorios para los módulos de conocimiento (en este caso las reglas), el mapeo de los conceptos y terminologías de **OpenCDS** y otra información asociada que se necesite en tiempo de ejecución.
 - Contiene los métodos necesarios para guardar y recuperar la información actualizable de la base de datos.
- `opencds-terminology-service`:
 - Esta parte tampoco es necesaria. Este sub-proyecto se intentará convertir en un servicio Web en el futuro.
 - Contiene de manera abstracta un gestor de terminologías de manera que otros sub-proyectos de **OpenCDS** puedan interactuar con él para obtener capacidad de inferir terminologías a través de una interfaz común.
- `opencds-simple-terminology-service`:
 - Es una implementación concreta del sub-proyecto abstracto anterior. Proporciona una implementación basada en ficheros XML (por ejemplo, especifica los mapeos que existen entre el código de las terminologías estándar y los conceptos en **OpenCDS**).
 - Se intenta obtener una base de datos que maneje el contenido terminológico contenido en los ficheros XML.
- Los módulos vMR (`opencds-vmr-v1_0-internal`, `opencds-vmr-1_0-mappings` y `opencds-vmr-1_0-schema`):
 - `internal` como su nombre bien indica, corresponde a la representación interna vMR. Se hace de tal manera que los datos sean compatibles con *Drools*

Guvnor ya que será el núcleo de la plataforma. Conceptualmente es equivalente al vMR externo (como es lógico). Se emplea una notación llamada *OpenCDSConcept* lo que permite una separación entre el mapeo de terminologías y la lógica de la aplicación (de esta manera se puede actualizar las clases que realizan el mapeo sin tener que modificar los módulos de conocimiento).

- *schema* contiene el esqueleto XML para representar el estándar vMR y corresponde al vMR externo.
- *mappers* como bien se puede imaginar, contiene las clases para poder transformar de vMR externo a vMR interno. Por tanto convierte de XML a formato *Java Beans* y de este a XML.

Antes de empezar a programar, se necesitan una serie de ficheros XML con una determinada estructura, los cuales serán como la configuración del sistema.

[TODO] Terminarlo

3.2.1. ETAPAS DE DESARROLLO

Para abordar este proyecto, se dividirá en tres fases distintas y con un propósito muy claro cada una de ellas. En orden, serían las siguientes:

1. Entender la plataforma ***OpenCDS***. Estudiar los estándares de los que se compone y el funcionamiento del mismo. Realizar un proyecto pequeño en el que intervenga algún paciente sencillo y una base de conocimiento sencilla. Comprobar que funcione correctamente.
2. Modelar la guía clínica en forma de reglas (no toda, sino la parte del proyecto que corresponde a enfermedades infecciosas en la sangre). Se hará con la herramienta *Drools*. Estudiar cuáles son los conceptos de los estándares son necesarios para esta aplicación (datos de paciente, tipos de síntomas, etc...). Generar por tanto, la base de conocimiento.
3. Incorporar la base de conocimiento obtenida en el paso anterior, a la aplicación que se programó en el paso primero. Crear pacientes con datos reales y hacer las pruebas para comprobar que los resultados sean los esperados.

Esto es un resumen general. Todas estas fases irán debidamente explicadas en cada uno de los apartados siguientes.

3.2.2. DIAGRAMA DE CLASES

3.2.3. DIAGRAMA DE PAQUETES

3.2.4. REQUISITOS

3.2.5. CASOS DE USO

3.2.6. IMPLEMENTACIÓN Y DESARROLLO

3.2.7. INSTRUCCIONES DE USO

3.2.8. SCREENSHOTS

4. CONCLUSIONES Y VÍAS FUTURAS

[TODO] Comentar las conclusiones del framework así como las dificultades que se han encontrado.

Añadir entre otras cosas, que el framework al estar en continua mejora, cada vez sacan nuevas versiones lo que causa que tengamos que adaptarnos y volver a entenderlo.

Otra contra es que al ser novedoso apenas hay información en Internet.

El código apenas viene comentado y cuesta entenderlo.

La curva de aprendizaje es muy grande, y al principio suele desanimar

Hay que tener nociones de estándares médicos

Técnicamente hablando es muy difícil para una persona que no sepa de informática (usa muchas tecnologías y estándares)

Las actualizaciones ahora mismo son muy lentas (por ejemplo usa DROOLS 5)

No hay manuales de uso

Las limitaciones de OpenCDS (Comparándolo con las limitaciones de los CDS).

ANEXO I: INSTALACIÓN Y CONFIGURACIÓN DE *OPENCDS*

En este apartado se va a explicar cómo se instala **OpenCDS** [5] para poder desarrollar tu propio sistema de soporte a la decisión médica usando el estándar. Este manual de instalación se realiza sobre Windows 7 de 64 bits. Para el correcto funcionamiento es recomendable desactivar la función de Control de Cuentas de Usuario⁹. Si ya dispone de todo el software necesario para trabajar con **OpenCDS** puede pasar directamente al paso 8.

1. Instalación de *Java*. La versión que se usará será JDK 6.
 - a. Se accede al Panel de control → Sistema → Configuración avanzada del sistema → Variables de entorno
 - b. Se crea una nueva variable del sistema llamada `JAVA_HOME` y con el valor de la variable, la ruta de instalación de JDK 6.
 - c. Una vez creada esa variable, se añade a la variable que existe ya `Path` al principio de todo lo que llevase anteriormente, introduciendo `%JAVA_HOME%\bin;`.
2. Instalación de *Maven*.
 - a. Descargar la versión 3.0.3 de *Maven* de <http://archive.apache.org/dist/maven/binaries/> (Es la versión que se usa para este proyecto aunque existen versiones más nuevas).
 - b. Extraer el contenido de apache en: `C:\Program Files\Apache Software Foundation`, lo cual tendríamos el directorio `C:\Program Files\Apache Software Foundation\apache-maven-3.0.3`.
 - c. De la misma forma que en el apartado 1, añadimos una variable `MAVEN_HOME` con el valor `C:\Program Files\Apache Software Foundation\apache-maven-3.0.3` y añadimos a la variable `Path`, delante de todo `%MAVEN_HOME%\bin;`.
3. Instalación de *Apache CXF*.
 - a. Descargar los binarios de la versión 2.7.11 de <http://cxf.apache.org/download.html>.
 - b. Descomprimir en `C:\Program Files\Apache Software Foundation`, lo cual tendríamos el directorio `C:\Program Files\Apache Software Foundation\apache-cxf-2.7.11`.
4. Instalación de *Tortoise SVN*.
 - a. Instalar la última versión de <http://tortoisesvn.net/downloads.html>
 - b. Usar la configuración por defecto en la instalación, y una vez terminada reiniciar el ordenador.
5. Instalación de *Tomcat*.
 - a. Instalar la versión 6 o 7 de <http://tomcat.apache.org/> (está probado y funciona con ambas).
 - b. En la instalación, dejar las configuraciones por defecto y poner unas credenciales seguras cuando lo solicite.

⁹ Manual para desactivar UAC: <http://windows.microsoft.com/es-es/windows/turn-user-account-control-on-off#1TC=windows-7>

- c. Una vez instalado, y de igual manera que el paso 1 y 2, se añaden a las variables de entorno una nueva variable CATALINA_HOME con la ruta C:\Program Files\Apache Software Foundation\Tomcat X.0.
- d. Una vez hecho esto, también a la variable Path se la añade al principio %CATALINA_HOME%\bin; al principio del todo.
6. Instalación de la última versión estable de *Eclipse*.
 - a. Se usará *Eclipse Helios* 3.6.2 descargado de <http://www.eclipse.org/downloads/packages/eclipse-ide-java-ee-developers/heliossr2>
 - b. Se descomprime el contenido en C:\Program Files\ siempre que no haya ya una versión descomprimida en dicho directorio. Se tendría un directorio ahora llamado C:\Program Files\eclipse.
 - c. Creamos un acceso directo en el escritorio y en las propiedades del icono, en el campo destino, se cambia por "C:\Program Files\eclipse\eclipse.exe" -vm "C:\Program Files\Java\jdk1.6.0_45\bin" -vmargs -Xmx900m poniendo las correspondientes rutas que se hayan elegido de instalación.
 - d. Cuando se inicie *Eclipse* por primera vez, se pone (en caso de no tener ya una versión de **OpenCDS**) C:\OpenCDS como ruta de trabajo.
7. Instalación de los *plugins* de *Eclipse*.
 - a. Instalación de *M2Eclipse*.
 - i. Con *Eclipse* abierto, se pincha en Help → Install New Software.
 - ii. Se pulsa sobre *add* y en el campo de *name* se escribe m2eclipse y en el campo de *location* se pone <http://download.eclipse.org/technology/m2e/releases/1.3> (una versión posterior de *Maven* no funciona bien con *Eclipse Helios*).
 - iii. Se selecciona todo para instalar, y aceptamos los términos. A continuación se instalará y cuando lo pida, reiniciamos *Eclipse*.
 - b. Asegurarse que estemos usando JDK 6. Para ello se pulsa en Windows → Preferences → Java → Installed JREs → Execution Enviroments. Se selecciona JAVASE-1.6 y se marca la versión 6 de JDK.
 - c. Instalación de *Subclipse*.
 - i. Se vuelve a pinchar en Help → Install New Software.
 - ii. En este caso, en *name* se pone Subclipse y en *location* se pone http://subclipse.tigris.org/update_1.8.x/.
 - iii. Se selecciona el paquete *Subclipse*, se aceptan los términos y se instala. En caso de salga algún mensaje de advertencia, se acepta.
 - d. Configuración de *Eclipse* para *Subversion*.
 - i. Se selecciona Window → Preferences → Team → SVN → Menu Icons y se selecciona *TortoiseSVN*.
 - e. Configuración de *Tomcat* en *Eclipse*.
 - i. Se selecciona File → New → Other → Server → Server.
 - ii. Se elige la versión de *Tomcat* que se instaló.
 - iii. Cuando pida el directorio de instalación, se pone el directorio donde se instaló en el paso 5.
 - f. Configuración de *Eclipse* para *Maven*.

- i. Se selecciona Window → Preferences → Maven → Installations → Add y se añade la ruta donde se escogió descomprimir *Maven* en el paso 2.
- ii. Se crea un archivo `settings.xml` con el siguiente contenido:

```
<?xml version="1.0" encoding="UTF-8"?>
<settings
xmlns="http://maven.apache.org/SETTINGS/1.0.0"
xmlns:xsi="http://www.w3.org/2001/XMLSchema-
instance"
xsi:schemaLocation="http://maven.apache.org/SETTINGS
/1.0.0 http://maven.apache.org/xsd/settings-
1.0.0.xsd">
<pluginGroups>
</pluginGroups>
<proxies>
</proxies>
<servers>
</servers>
<mirrors>
</mirrors>
<profiles>
</profiles>
</settings>
```

Poniendo la ruta de dicho archivo al que esté especificado en Window → Preferentes → Maven → User Settings.

- iii. Se reinicia *Eclipse*.
- iv. Actualizar el repositorio central de *Maven*. Para ello se selecciona Windows → Show View → Other → Maven → Maven Repositories. Se hace click en Global Repositories → Click derecho en “central” y Update Index.
- g. Instalar el espacio de trabajo de *JBoss Drools* para *Eclipse*.
 - i. Se selecciona Help → Install New Software.
 - ii. En este caso se pone en *name* *Drools* y en *location* <http://download.jboss.org/jbosstools/updates/stable/helios/>.
 - iii. Se instalan los paquetes *JBoss Drools Core*, *JBoss Drools Guvnor* y *JBoss Drools Task* de *All JBoss Tools 3.2.x*.
 - iv. Se descarga *Drools Runtime version 5.5.0.Final* de <http://download.jboss.org/drools/release/5.5.0.Final/drools-distribution-5.5.0.Final.zip>.
 - v. Se descomprime el contenido de la carpeta *binaries*, por ejemplo en C:\Data\Drools\Drools5.0.0.Final
 - vi. Configuramos *Drools* en *Eclipse*. Para ello seleccionamos Windows → Preferences → Drools → Installed Drools Runtime → Add y se selecciona la ruta donde anteriormente se descomprimieron los binarios. Se le pone un nombre, por ejemplo, *Drools 5* y una vez hecho esto, se selecciona esa versión de *Drools* como la que se va a usar.

8. Configuración de **OpenCDS** en *Eclipse*.

- a. Llegados a este paso, se han configurado ya todos los componentes necesarios para poder trabajar con **OpenCDS**. Todos los subproyectos están contenidos en un proyecto padre llamado *opencds-parent* y se explica cómo se instala en los siguientes pasos. Importar proyectos a *Eclipse*.
 - i. Se selecciona Window → Show View → Other → SVN → SVN Repositories.
 - ii. Se hace click derecho sobre la nueva pestaña que se abre, se selecciona *new* y luego *new repository*. El link que se introduce es http://develop.opencds.org/svn_v1.0/trunk/opencds-parent.
- b. Ahora se deben establecer los proyectos *Maven*. Para ello cerramos *Eclipse* y se abre la carpeta que anteriormente se seleccionó como *workspace*. Se hace click derecho y se selecciona SVN Checkout. Se abrirá una ventana con el enlace que anteriormente se puso en *Eclipse*. Aceptamos para que descargue la última versión de **OpenCDS**.
- c. Se abre un terminal de Windows, y dentro de la carpeta donde se ha descargado *opencds-parent* se teclean los siguientes comandos:


```
> mvn clean
> mvn install
> mvn eclipse:eclipse
```
- d. Una vez termine de realizar la consola de realizar las operaciones, se vuelve a abrir *Eclipse* y se le da a File → Import → Maven → Existing Maven Projects → Next. En Root Directory → Browser se escoge la localización del proyecto descargado. Nos listará todos los proyectos, se le da a *finish* y terminamos.
- e. Ya se podrán ver los proyectos descargados en nuestro espacio de trabajo y estará listo para trabajar con ello. Se recomienda usarlo como copia local y no hacer *update* del repositorio, pues borrará todas las modificaciones que se hagan. Lo más sencillo sería desconectarlo del repositorio de *subversion*.

GLOSARIO DE TÉRMINOS

- **BC:** Base de Conocimiento
- **BH:** Base de Hechos
- **CDS:** Clinical Decision Support (Soporte a las Decisiones Clínicas)
- **CDSS:** Clinical Decision Support System (Sistemas de Soporte a la Decisión Clínica)
- **DSL:** Domain Specific Language
- **DTS:** Distributed Terminology System
- **GPC:** Guías de Práctica Clínica
- **HL7:** Health Level 7
- **OMG:** Object Management Group
- **SBR:** Sistema Basado en Reglas
- **SNS:** Servicio Nacional de Salud
- **SOAP:** Simple Object Access Protocol
- **vMR:** Virtual Medical Record
- **XML:** eXtensible Markup Language

BIBLIOGRAFÍA Y REFERENCIAS

- [1] Proctor, M. (2013, 11). R.I.P. RETE time to get PHREAKY. *Drools & jBPM*. Recuperado 02, 2014, de <http://blog.athico.com/2013/11/rip-rete-time-to-get-phreaky.html>
- [2] The JBoss Drools Team, (2013). *Drools Documentation* (Version 6.0.1.Final, pp. 144-145).
- [3] The JBoss Drools Team, (2013). *Drools Documentation* (Version 6.0.1.Final, pp. 283-286).
- [4] José T. Palma (2010). *Sistemas Basados en Reglas: Técnicas de Equiparación*. Desarrollo de Sistemas Inteligentes, DIIC, UMU.
- [5] Shields, D. (2013, 01). OpenCDS Developer Workstation Configuration Instructions for OpenCDS 1.1 Release. *OpenCDS*. Recuperado 03, 2014, de <http://develop.opencds.org/OpenCDSProjectDocs/latest/OpenCDSDeveloperWorkstationConfigurationInstructionsfor11Release.doc>
- [6] (2014, 03). OpenCDS. *Open Clinical Decision Support, Tools and Resources!*. Recuperado 05, 2014, de <http://www.opencds.org/FeaturedCollaborators.aspx>
- [7] (2013, 08). OpenCDS. *Featured Collaborators*. Recuperado 05, 2014, de <http://www.opencds.org/FeaturedCollaborators.aspx>
- [8] (n.d.). OpenCDS. *Architecture*. Recuperado 05, 2014, de <http://www.opencds.org/TheSolution/Architecture.aspx>
- [9] (n.d.). OpenCDS. *Key Components*. Recuperado 05, 2014, de <http://www.opencds.org/TheSolution/KeyComponents.aspx>
- [10] June Eichner, M.S., Maya Das, M.D., Maya Das, J.D., NORC at the University of Chicago, (2010, 03). *Challenges and Barriers to Clinical Decision Support (CDS) Design and Implementation Experienced in the Agency for Healthcare Research and Quality CDS Demonstrations*. Recuperado 06, 2014, de http://healthit.ahrq.gov/sites/default/files/docs/page/CDS_challenges_and_barriers.pdf
- [11] (n.d.). U.S. Department of Health and Human Services. *Clinical Decision Support (CDS)*. Recuperado 06, 2014, de <http://www.healthit.gov/policy-researchers-implementers/clinical-decision-support-cds>
- [12] Maguiña-Vargas, C., Ugarte-Gil, C.A., Montiel, M., (2006, 01). *Uso adecuado y racional de los antibióticos*. Recuperado 06, 2014, de <http://www.scielo.org.pe/pdf/amp/v23n1/a04v23n1>
- [13] Goñi Ruiz, R. (n.d.). *Informática Médica*. Recuperado 06, 2014, de http://www.fm.unt.edu.ar/ds/Dependencias/InformaticaMedica1/manuales/informatica_medica.pdf
- [14] González Salamea, C. (2004, 05). *La Informática Médica y los Sistemas de Información*. Recuperado 06, 2014, de <http://www.medicinadefamiliares.cl/Trabajos/infosiscgs.pdf>
- [15] (2014, 03). GuiaSalud. *Guías de Práctica Clínica*. Recuperado 06, 2014, de <http://portal.guiasalud.es/web/guest/guias-practica-clinica>

- [16] Espinosa, A.D., Del Sol, L.G., Espinosa, A.A., Garriga, J.L., Viera, B., (2010, 09). *Guías de práctica clínica. Ventajas y desventajas. Una propuesta de indicadores*. Medisur [online], vol. 7, pp. 44-47.
- [17] The JBoss Drools Team, (2014). *Drools Introduction and General User Guide* (Version 5.6.0.Final).
- [18] (2014, 01). *Knowledge API (Drools, jBPM). Javadoc*. Recuperado 06, 2014, de <http://docs.jboss.org/drools/release/5.6.0.Final/knowledge-api-javadoc/index.html>