



Biblioteka PCJ do naukowych obliczeń równoległych

Marek Nowicki

Zakład Obliczeń Równoległych i Rozproszonych
Wydział Matematyki i Informatyki
Uniwersytet Mikołaja Kopernika
Chopina 12/18, 87-100 Toruń
`faramir@mat.umk.pl`

29 kwietnia 2015

12. spotkanie Toruń JUG



Plan prezentacji

1 Programowanie równoległe

- MPI
- OpenMP
- PGAS
- Java

2 Zastosowanie

- Przybliżanie wartości liczby

π

- RayTracer
- MapReduce

3 Podsumowanie

MPI

MPI – Message-Passing Interface

- Historia: MPI-1.0 (1992), MPI-2.0 (1997), MPI-3.0 (2012)
- C, C++, Fortran, Java (wrappers, JNI), Python, ...
- zwykle dwa procesy – nadawca i odbiorca
- wiele parametrów

```
MPI_Comm_rank(MPI_Comm comm, int *rank)
MPI_Comm_size(MPI_Comm comm, int *nrank)
MPI_Barrier(MPI_Comm comm)
MPI_Send(void *buf, int count, MPI_Datatype datatype,
         int dest, int tag, MPI_Comm comm)
MPI_Recv(void *buf, int count, MPI_Datatype datatype,
         int source, int tag, MPI_Comm comm,
         MPI_Status *status)
```



OpenMP

OpenMP – Open Multi-Processing

- Historia: 1.0 (1997), 2.5 (2005), 4.0 (2013)
- rozszerzenia do: C, C++, Fortran
- wykorzystywanie dyrektyw kompilatora

`#pragma omp <directive> [clause]`

```
int omp_get_num_threads();
int omp_get_thread_num();

#pragma omp parallel for private(i) \
                        shared(a, b, c) \
                        reduction(+:sum)

#pragma omp critical
#pragma omp single nowait
#pragma omp master
#pragma omp barrier
```



PGAS

PGAS – Partitioned Global Address Space
(*Podzielona globalna przestrzeń adresowa*)

Założenia:

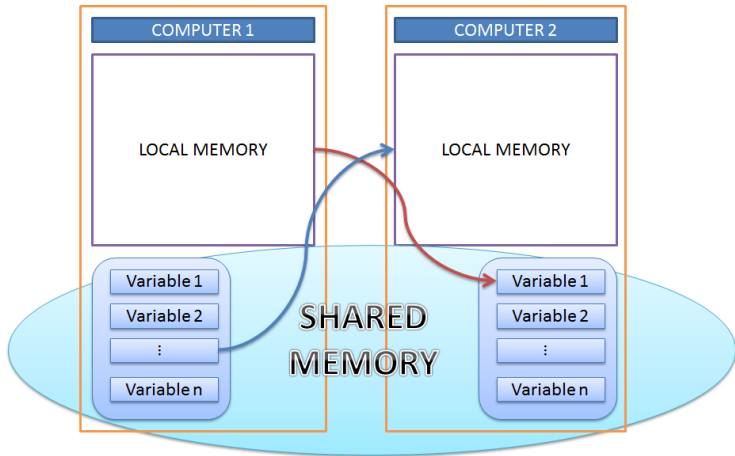
- rozróżnialne dane lokalne i zdalne
- globalna przestrzeń adresowa – dostępna z wszystkich węzłów
- ukrywanie komunikacji przed użytkownikiem
- komunikacja jednostronna

<http://www.pgas.org>



Partitioned Global Address Space

PGAS





Java

Programowanie równoległe na jednym węźle

- `volatile`, `synchronized`
- `java.lang.Thread`, `java.lang.Runnable`
- `java.util.concurrent.*` (*concurrent Collections, Executors, ThreadPool*, ForkJoin*, ...*)
- `java.util.concurrent.atomic.*` (*AtomicCounter, AtomicInteger, AtomicReference, ...*)
- `java.util.concurrent.locks.*`
- `Collection.parallelStream()`
- ...



Java

Programowanie równoległe i rozproszone na wielu węzłach

- dJVM, JESSICA2, Terracotta
- RMI
- ProActive, Akka, ...
- CORBA, SOAP, ...
- MPJ



Java

PCJ – Parallel Computations in Java

Paradygmat programowania:

- PGAS

Podstawowe funkcje:

- synchronizowanie wątków
- pobieranie wartości zmiennych
- wysyłanie wartości

Zaawansowane funkcje:

- rozgłaszanie wartości
- monitorowanie zmiennych
- tworzenie grup wątków
- ...



Java

PCJ – Parallel Computations in Java

- Nie wymaga modyfikacji JVM
- Działa na systemach operacyjnych zawierających JVM
(np. IBM Java 1.7 na klastrach o architekturze Power7, systemy AIX)
- Wykorzystuje funkcje wprowadzone w standardzie Java SE 7
(NIO, SDP, ...)
- Działa z wykorzystaniem Java SE 8
(prace nad wykorzystaniem wyrażeń lambda)
- Nie wymaga dodatkowych bibliotek
(brak problemu z zależnościami)

Dostępna na stronie: <http://pcj.icm.edu.pl>



Java

PCJ – Prosta aplikacja

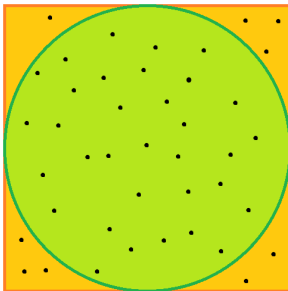
```
1 import org.pcj.*;
2 public class MyApp extends Storage implements StartPoint {
3     @Shared("array")
4     double[] tablica;
5
6     @Override
7     public void main() {
8         PCJ.log("Hello from " + PCJ.myId()
9             + " of " + PCJ.threadCount());
10    }
11    public static void main(String[] args) {
12        String[] nodes = new String[]{"host0", "host0",
13            "host1", "host1", "host2", "host2"};
14    };
15    PCJ.deploy(MyApp.class, // StartPoint
16        MyApp.class, // Storage
17        nodes);
18    }
19 }
```

Przybliżanie wartości liczby π

Metoda Monte Carlo

Rzucamy punkty na kwadrat i zliczamy liczbę punktów w kole wpisanym w kwadrat.

$$\pi \approx \frac{4 \times \text{inCirclePoints}}{\text{totalPoints}}$$





Przybliżanie wartości liczby π (cont.)

Metoda Monte Carlo

```
1 Random random = new Random();
2 long nAll = 1_280_000_000;
3 long n = nAll / PCJ.threadCount();
4
5 long myCircleCount = 0;
6
7 for (long i = 0; i < n; ++i) {
8     double x = 2.0 * random.nextDouble() - 1.0;
9     double y = 2.0 * random.nextDouble() - 1.0;
10    if ((x * x + y * y) <= 1.0) {
11        myCircleCount++;
12    }
13 }
14 PCJ.putLocal("count", myCircleCount);
15 PCJ.barrier();
16
```



Przybliżanie wartości liczby π (cont.)

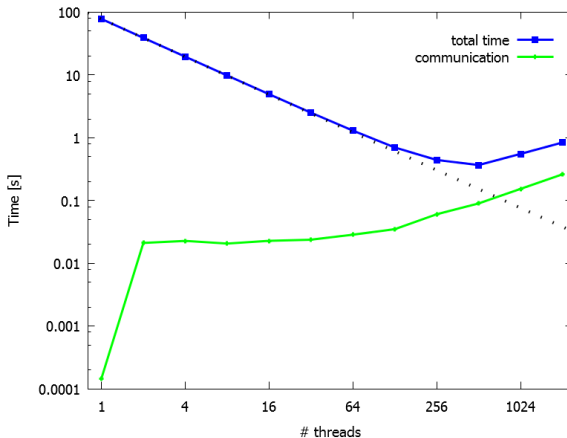
Metoda Monte Carlo

```
17  /* reduce -- get calculated data */
18  if (PCJ.myId() == 0) {
19      FutureObject cL[] =
20          new FutureObject[PCJ.threadCount()];
21      for (int p = 0; p < PCJ.threadCount(); p++) {
22          cL[p] = PCJ.getFutureObject(p, "count");
23      }
24      long globalCircleCount = 0;
25      for (FutureObject fo : cL) {
26          globalCircleCount = globalCircleCount
27              + (long) fo.get();
28      }
29      return 4.0 * (double) globalCircleCount
30          / (double) (n * PCJ.threadCount());
31  }
32
33  return Double.NaN;
```



Przybliżanie wartości liczby π

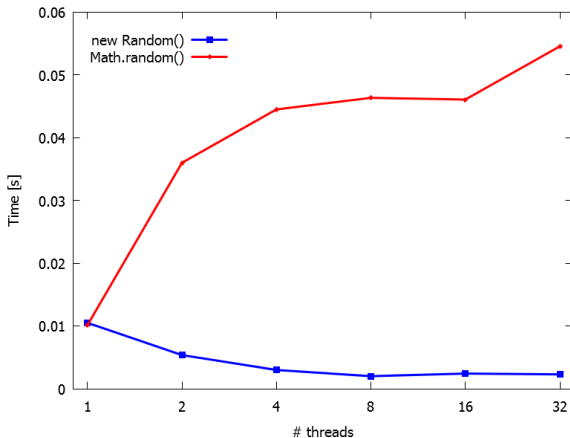
Metoda Monte Carlo – halo2 (ICM): 1 280 000 000 punktów





Przybliżanie wartości liczby π

Metoda Monte Carlo – hydra (1 węzeł, PL-GRID, ICM): 200 000 punktów





Przybliżanie wartości liczby π

Metoda prostokątów

Przybliżanie wartości liczby π za pomocą metody prostokątów,
czyli przybliżenie wartość poniższej całki:

$$\pi = \int_0^1 \frac{4}{1+x^2} dx \approx \sum_{i=1}^N \frac{4}{1 + \left(\frac{i - \frac{1}{2}}{N}\right)^2}$$



Przybliżanie wartości liczby π (cont.)

Metoda prostokątów

```
1 private double f(double x) {  
2     return (4.0 / (1.0 + x * x));  
3 }  
4  
5 private double calculateIntegralPi() {  
6     long n = 10_000;  
7     double w = 1.0 / (double) n;  
8  
9     double mySum = 0.0;  
10    for (int i = PCJ.myId() + 1; i <= n;  
11         i += PCJ.threadCount()) {  
12        mySum = mySum + f(((double) i - 0.5) * w);  
13    }  
14    mySum = mySum * w;  
15  
16    PCJ.putLocal("sum", mySum);  
17    PCJ.barrier();  
18
```



Przybliżanie wartości liczby π (cont.)

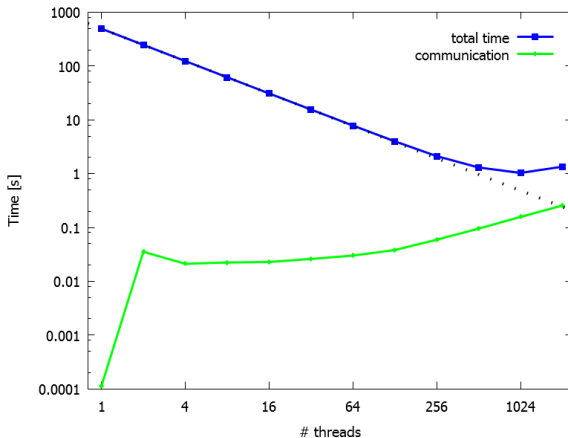
Metoda prostokątów

```
19  /* reduce -- get calculated data */
20  double gSum = 0.0;
21  if (PCJ.myId() == 0) {
22      FutureObject[] sL =
23          new FutureObject[PCJ.threadCount()];
24      for (int i = 0; i < PCJ.threadCount(); ++i) {
25          sL[i] = PCJ.getFutureObject(i, "sum");
26      }
27      for (FutureObject fo : sL) {
28          gSum = gSum + (double) fo.get();
29      }
30  }
31
32  return gSum;
33 }
```



Przybliżanie wartości liczby π

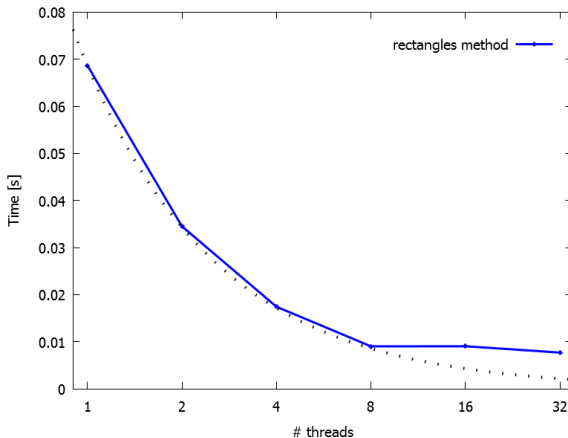
Metoda prostokątów – halo2: 1 280 000 000 prostokątów





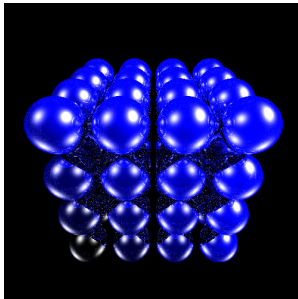
Przybliżanie wartości liczby π

Metoda Monte Carlo – hydra (1 węzeł, PL-GRID, ICM): 10 000 000 prostokątów



RayTracer

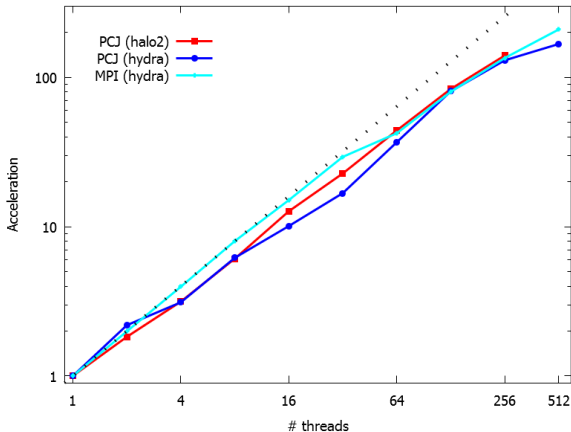
- część zbioru testów: Java Grande Forum Benchmark
- renderowanie sceny 3D używając mechanizmu *ray tracing*
- scena zawiera 64 kule (krata: $4 \times 4 \times 4$) i 5 źródeł światła
- generowany jest kwadratowy obraz rozmiaru $N \times N$ pikseli





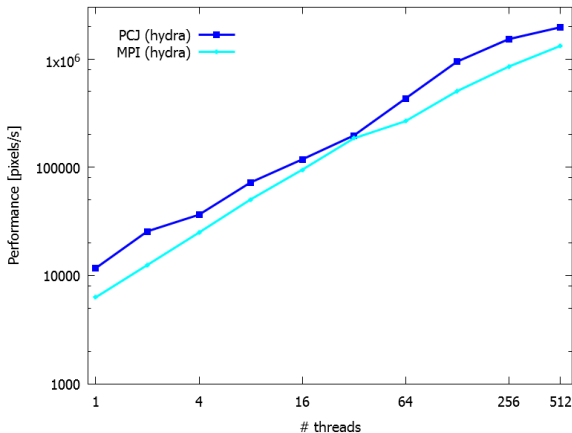
RayTracer

Przyspieszenie (obraz rozmiaru 2500×2500 pikseli)



RayTracer

Wydajność (obraz rozmiaru 2500×2500 pikseli)





MapReduce

for-each (Java 5 style):

```
1    long sum = 0;
2    for (User user : users) {
3        sum += user.getAge();
4    }
5    double average = (double) sum / users.size();
```

map.reduce.get (Java 8 style):

```
1    long sum = users.parallelStream()
2        .map(u -> (long) u.getAge())
3        .reduce(Long::sum)
4        .get();
5    double average = (double) sum / users.size();
```



MapReduce

fork/join (Java 7 style):

```
1 class ForkMapReduce extends RecursiveTask<Long> {
2     final private static int threshold = 16_384;
3     final private List<User> list;
4     protected ForkMapReduce(List<User> list) { this.list = list; }
5
6     @Override
7     protected Long compute() {
8         int length = list.size();
9         if (length < threshold) {
10             long sum = 0; for (User u : list) { sum += u.getAge(); } return sum;
11         }
12
13         int split = length / 2;
14         ForkMapReduce left = new ForkMapReduce(list.subList(0, split));
15         ForkMapReduce right = new ForkMapReduce(list.subList(split, length));
16
17         invokeAll(left, right);
18         return left.getRawResult() + right.getRawResult();
19     }
20 }
21 ...
22 ForkMapReduce fmr = new ForkMapReduce(users);
23 ForkJoinPool.commonPool().invoke(fmr);
24 long result = fmr.getRawResult();
25 double average = (double) result / users.size();
```



MapReduce

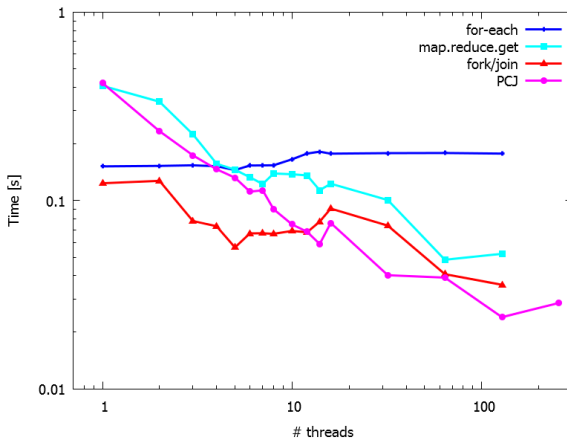
PCJ style

```
1    @Shared    long sum;
2    @Shared    int usersCount;
3    ...
4    myUsers = loadUsers(PCJ.myId());
5    // kazdy styl dla Java...
6    long s = 0;
7    for (User u : myUsers) {
8        s += u.getAge();
9    }
10
11    PCJ.putLocal("sum", s);
12    PCJ.putLocal("usersCount", myUsers.size());
13    PCJ.barrier();
14
15    s = pcj_reduce("sum");
16    int count = pcj_reduce("usersCount");
17    if (PCJ.myId() == 0) {
18        double average = (double) s / count;
19    }
```



MapReduce

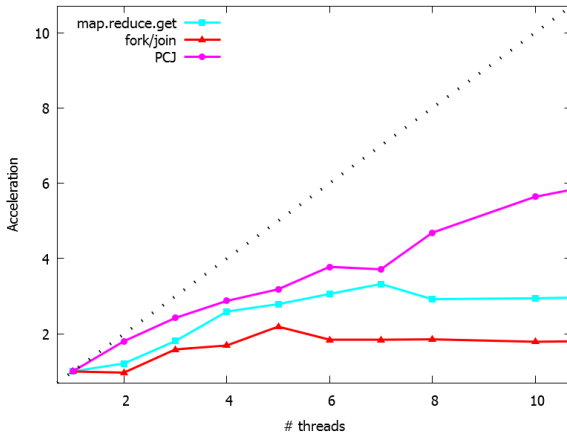
Time: 12 000 000 users





MapReduce

Acceleration: 12 000 000 users





Podsumowanie

- biblioteka ma potencjał, by być wykorzystywana w naukowych obliczeniach równoległych
- dobre rezultaty i bardzo dobra skalowalność uzyskiwane są szczególnie dla dużych danych, co otwiera możliwość wykorzystania biblioteki w analizie tzw. *Dużych Danych*.
- rozwiązania oparte o język Java mogą być tak samo szybkie, a nawet szybsze, od rozwiązań bazujących na językach niższego poziomu jak C czy C++



Podsumowanie

Biblioteka PCJ zdobyła nagrodę¹:

HPC Challenge Class 2 Best Productivity Award

na międzynarodowej konferencji:

SC14

*the International Conference for High Performance Computing,
Networking, Storage and Analysis*

za zaprezentowanie bardzo efektywnego sposobu programowania aplikacji równoległych.

¹Nagroda przyznana na podstawie decyzji ekspertów oceniających implementację podzbioru testów HPC Challenge z wykorzystaniem PCJ



Plany na przyszłość

Aplikacje

- Przeprowadzenie aplikacji **SinusMed** na PCJ
- Zmierzenie się z pozostałymi testami na **HPC Challenge**
- Zbudowanie biblioteki opartej o PCJ do **operowania na grafach**
- Analiza danych genetycznych
- Zrównoleglanie **algorytmów genetycznych** w PCJ
- Analiza dużych danych – *BigData*



HPDCJ Project (CHIST-ERA)

Heterogenous parallel and distributed computing with Java

- Partners
 - ICM University of Warsaw (Warsaw, Poland)
 - IBM Research Lab (Zurich, Switzerland)
 - Queen's University of Belfast (Belfast, UK)
 - Bilkent Üniversitesi (Ankara, Turkey)
- Focus
 - ease of use and programmability of Java for distributed heterogeneous computing
 - heterogeneous systems including GPU and mobile devices
 - dependability and resilience by adding fault tolerance mechanisms
 - key applications including data-intensive Big Data applications
- 1st October 2014 – 31st September 2017



Dziękuję za uwagę

`http://pcj.icm.edu.pl`

`e-mail: faramir@mat.umk.pl`