

métodos

modelar

\sim 4 P lacksquare.

bioinformáticos

eventos

subcelular

I

poblacionales,

.

ocurren

variedad

ice. n en

nast

aplicaciones

fenómenos



















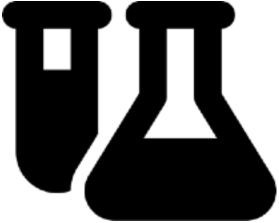






FARMACOLOGÍA

GENÉTICA



BIOTECNOLOGÍA

Quizás

organismos

distintos

interesantes

Análisis

v . .

decodificadas.

siguientes

secuencias

ayuda

analizar

bioinformática

VIVOS

estos

datos

r d 4

secuencias

codifican

comparar

secuencias

genes

proteínas.



sirve

ciertas

anotación

También

poder

entre $oldsymbol{\triangle}$

especies



determinar

especies

genomas

proceso

Anotación

determinar

entre Ω

similitudes

marcado

genes

características

secuencia

biológicas



1 ~ $C_{\mathcal{I}}$

L

dichas

como

permite

determinan



genoma

entender

análisis

realizar

seres

diferentes



características

VIVOS.













