

王倩雯

出生年月: 1992.03 | 电话: +852 54042329 | 电邮: treywea@gmail.com | 个人网站: www.treywea.top

教育背景

博士 | 香港中文大学 | 2015.08-2021.02

- 专业: 分子生物技术

学士 | 东北大学 | 2010.09-2014.06

- 专业: 计算机科学与技术

研究经历

副研究员 | 香港中文大学 | 2021.04 – 现在

- 生物信息数据分析
- 在大豆中研究 DNA 甲基化与小 RNA 在低盐预处理并提高盐耐性过程中的作用
- 分析并在网页展示大豆相关表观遗传数据

博士 | 香港中文大学 | 2015.08 - 2021.02

- 在拟南芥中研究去乙酰化酶(HDA6)在 DNA 甲基化与组蛋白修饰中的作用
- 在大豆中研究基因表达和组蛋白修饰在低盐预处理并提高盐耐性过程中的作用
- 在大豆中探索组蛋白 H3K4me3 在共生结瘤后标记的基因
- 协助完成基本的分子生物学实验

研究助理 | 香港中文大学(深圳研究院) | 2014.10 - 2015.05

- 协助生物信息数据分析

教学经历

助教 | 香港中文大学 | 2015.08 – 2019.08

- 协助讲师准备本科生实验课所需的材料并在实验课上协助教学
- 监考并协助批改本科生考试试卷

研究生顾问 | 香港中文大学(联合书院) | 2016.08 – 2017.08

- 协助教授与本科生讨论其研究课题
- 提供小组辅导

技能特长

编程技能

- Bash/Shell, R, Python, MySQL, C, C++, HTML5, Java

统计模型

- Support Vector Machines, K-means Clustering, Decision Trees

多组学生物信息分析

- 全基因组甲基化测序, 染色质免疫沉淀测序, 小 RNA 测序, 染色质开放性测序, 纳米孔可直接 RNA 链测序和转录组测序

语言

- 流利的使用中文与英文

获奖

学术报告 | 2020-2021 Science Faculty Postgraduate Research Day, 香港中文大学 | 2021.01

最佳报告演讲奖 | 2020 SKLA/ IPMBAB Seminar Series, 香港中文大学 | 2020.11

青年学者竞赛优胜奖 | WUN Symposium cum Research Summit on Impacts of Grain Legume Research and Development in Developing Countries, 香港中文大学 | 2017.06

论文

Liu A, Xiao Z, Li M-W, Wong F-L, Yung W-S, Ku Y-S, Wang Q, Wang X, Xie M, Yim AK-Y, *et al.* 2019. Transcriptomic reprogramming in soybean seedlings under salt stress. *Plant, Cell & Environment* 42: 98–114.

Wang Q[#], Yung W[#], Wang Z, Lam H. 2020. The histone modification H3K4me3 marks functional genes in soybean nodules. *Genomics* 112: 5282–5294.

Huang M, Zhang L, Zhou L, Wang M, Yung WS, Wang Z, Duan S, Xiao Z, Wang Q, Wang X, *et al.* 2021. An expedient survey and characterization of the soybean JAGGED 1 (GmJAG1) transcription factor binding preference in the soybean genome by modified ChIPmentation on soybean protoplasts. *Genomics* 113: 344–355.

Yung W, Li M, Sze C, Wang Q, Lam H. 2021. Histone modifications and chromatin remodelling in plants in response to salt stress. *Physiologia Plantarum*: ppl.13467.

Wang Q[#], Bao X[#], Chen S[#], Zhong H[#], Liu Y, Zhang L, Xia Y, Kragler F, Luo M, Li XD, *et al.* 2021. AtHDA6 functions as an H3K18ac eraser to maintain pericentromeric CHG methylation in Arabidopsis thaliana. *Nucleic Acids Research*: 1–13.