

# Instituto Superior Técnico

## MEEC

Computação Paralela e Distribuída

# Projeto, Serial & OpenMP

Estudantes: Número:
João Almeida 78799
Daniel Guerra 78885
Lino Pereira 87751

7 de Abril de 2017

#### 1 Versão Serial

O primeiro desafio para o trabalho foi decidir quais as estruturas de dados a utilizar para armazenar as células vivas e mortas.

Inicialmente todas as células vivas são guardadas numa hashtable indexada por h(x, y, z) = x. Esta função de indexamento foi escolhida para facilitar a procura na parte a seguir descrita.

Para calcular que células ficam vivas e que células ficam mortas, guardar todas as posições do cubo torna-se impossível para sizes muito grandes, decidiu-se por adaptar a ideia de guardar apenas uma pequena parte do cubo em cada instante. Assim guarda-se apenas 3 slices (sendo que uma slice corresponde a todas as posições do cubo com um idêntico x): a slice correspondente ao valor de x a analisar e as 2 slices adjacentes, para podermos ter disponíveis os vizinhos das células da slice a ser analisada que se situam em x+1 e em x-1 (devido ao wrap, é necessário também guardar as duas primeiras slices do cubo, uma vez que a última slice vai influenciar a primeira, esta só é avaliada na última iteração). Com esta abordagem evita-se fazer procuras em listas pelos vizinhos, aumentando a performance do programa. Depois de analisadas todas as células vivas desliza-se o conjunto de slices uma posição para a direita.

Cada posição das slices corresponde a uma célula e a cada célula é atribuído um número que simboliza o seu estado. Inicialmente todas as células vivas são inicializadas com o valor -1 e todas as células mortas com 0. Ao analisar uma célula viva é incrementado o valor presente na posição de todos os vizinhos mortos e quando este se torna maior que 2 a sua posição é guardada numa lista para sinalizar que tal célula é candidata a ficar viva. Quando o valor de uma célula morta se torna maior do que 4, a sua posição é retirada da lista de candidatas a ficar vivas. Para verificar se uma célula viva permanece viva ou se morre é utilizado um contador que conta o número de células vivas na vizinhança. Se o número for entre 2 e 4 a célula permanece na hashtable, caso contrário esta é retirada da mesma. Quando uma slice sai da "janela deslizante" a lista com as células candidatas a se tornarem vivas é concatenada na lista da respetiva posição da hashtable. No fim de cada geração (correspondente à passagem da janela por todo o cubo) a hashtable contém todas as células vivas.

#### 2 Versão OMP

Para paralelizar o nosso programa decidimos seguir a abordagem de usar mais "janelas deslizantes". Para tal, decidiu-se que cada thread iria controlar a sua própria janela. Assim, dividindo a dimensão x do cubo pelo número de threads, criam-se vários segmentos de cubo aproximadamente iguais, em cada um é tratado por um diferente thread. Para reduzir a criação e destruição de equipas de threads, estes são criados apenas no início do programa e destruídos no fim, em vez de cria-los e destruí-los em cada geração.

Como em cada segmento do cubo as células são independentes das células de outro segmento, exceto nas extremidades do mesmo, a atenção foi focada nestas mesmas extremidades, uma vez que o resto de cada segmento se comportaria como um cubo que pode ser analisado como explicado em 1. Para contornar este facto são guardadas as 2 primeiras slices do segmento de cada thread, uma vez que estas vão influenciar ou ser influenciadas

pelas última slice do thread anterior. Para tal, todos os threads têm de saber se o thread seguinte já acabou de processar as 2 primeiras slices, uma vez que não pode existir data races. Além disso, antes de avançar para a próxima geração é necessário garantir que todos os threads acabaram de processar completamente a geração corrente.

### 3 Resultados

Células vivas Gerações Serial OMP 1 OMP 2 OMP 4 OMP 8 sizethreadthreadsthreadsthreads5 50 0,0060.008 0.008 0.009 0.007 10 20 400 500 1,023 1,130 0,715 0,697 0.723 25,797 50 5k300 25,605 14,690 8,560 5,502 150 10k 1k 0,467 0,450 0,512 0,415 0,333 200 50k1k 1.470 1,449 1.365 1.033 0.777 300k500 2k25,212 24,986 13,780 7,324 6,205

Tabela 1: Tempos de execução (s)

Tabela 2: Speedups

size	Células vivas	Gerações	Speedup 1	Speedup 2	Speedup 4	Speedup 8
			thread	threads	threads	threads
5	50	10	0,75	0,75	0,67	0,86
20	400	500	0,91	1,43	1,47	1,41
50	5k	300	0,99	1,74	2,99	4,65
150	10k	1k	1,04	0,91	1,13	1,40
200	50k	1k	1,01	1,08	1,42	1,89
500	300k	2k	1,01	1,83	3,44	4,06

#### 4 Conclusão

Sendo o principal objetivo da programação paralela a diminuição do tempo de execução de um programa conclui-se que os resultados foram bastante satisfatórios. Como seria de esperar para um mapa de jogo com dimensões reduzidas, paralelizar o programa trás despesas computacionais que levam com que o speed up deste seja bastante distante do ideal. Porém, para sizes de moderada a elevada dimensão, a despesa da criação das regiões paralelas tornava-se insignificante para o tempo de execução total, sendo o código em paralelo o mais apto para o trabalho, reduzindo significativamente o tempo de execução do programa. Como se pode observar este método de paralelização é escalável para estes sizes, com a excepção de 8 threads, mas desconfia-se do facto de os computadores do sigma não dedicarem os 8 cores a este programa. Os speed ups diferem do ideal principalmente pelo facto de os threads terem slices de diferentes densidades. Foi feita uma outra abordagem para tentar combater o referido, pondo esses threads ajudarem outros nas suas tarefas, mas o overhead de criar essas tasks e a quantidade de código em critical pioravam a performance do programa.