10 20 30 40 50 60 70 80 90 100 110 120 130
T GG GGGTTTGTTT GGATTTCCTT T G TAATC GGT T CATA GAT AC G GG AAAAGTATTT GT TTCTAAAT TAT T TGTCAGTGATGATAT TGCAGTTCCATAAGATCCG TATGTAT TTTGCCC TC TCT TCAGGTT

140 150 160 170 180 190 200 210 220 230 240 250 260
TAAGAACACA TC TG TGGGGTATACAAAC TC T T T TCAGCTTGACATACATCAGTATGCATTCACACATCATGTTGATCTC TCC TG TGGTCAGTACTGGGTTCATTAGAACAGCCAATATGTACTTGTATGTCA

270 280 290 300 310 320 330 340 350 360 370 380 390
AATCAGATGCTGAC CAC TTTGATTGATCTGCAGAGAGAAAAGCCATTTTGCATTCCAAACCTTTCTGCAGAGATGTGTTGTAATTGGTTATTGTATCATAAGATAGTGATGCTAGTGTTTTTATTTTATAATC

400 410 420 430 440 450 460 470 480 490 500 510 520
ACCAGATATAGATATTGCTTCAGATGGATTGTGCAC TCCGATGAACTTCTCTTTTGTTTCTTTCTTGCTCCCTCTCATTTTTTATATT TTGT TT TT T T AT GTTT TGT GC CCTC TCA GAAA AACTCT TTT

530 540 550 560 570 580 590 600
C TT TTTT TTTTTT CTTTCTTT CTT TTTCCTTT TTTCT TT TT T TTT C G TTTT TGTTTT CCCGTTC CT CCTTT GTCTATTT AT