	Gene Dependency (Achilles)			
C3 -		IC(Δ)	p-value	FDR
CTNNB1		-0.742(0.010)	1.17e-06	2.00e-03
ADSL -		-0.594(0.018)	1.17e-06	2.00e-03
KRAS -		-0.594(0.014)	1.17e-06	2.00e-03
HNF1B		-0.563(0.014)	1.17e-06	2.00e-03
KLF5		-0.557(0.021)	1.17e-06	2.00e-03
FERMT1		-0.557(0.018)	1.17e-06	2.00e-03
HNF4A		-0.552(0.016)	1.17e-06	2.00e-03
PFAS -		-0.550(0.023)	1.17e-06	2.00e-03
MTCH2		-0.549(0.018)	1.17e-06	2.00e-03
ISCA2		-0.531(0.058)	1.17e-06	2.00e-03
JUP -		-0.530(0.022)	2.34e-06	3.08e-03
RAB6A		-0.530(0.020)	2.34e-06	3.08e-03
RAB10 -		-0.529(0.018)	2.34e-06	3.08e-03
GATS -		-0.523(0.018)	4.68e-06	4.71e-03
BCL9L -		-0.521(0.019)	4.68e-06	4.71e-03
ZC4H2 -		-0.519(0.017)	4.68e-06	4.71e-03
RBM47 -		-0.518(0.022)	4.68e-06	4.71e-03
РІКЗСА -		-0.511(0.019)	8.19e-06	7.78e-03
BIRC5		-0.501(0.022)	1.99e-05	1.62e-02
IGF1R -		-0.500(0.018)	1.99e-05	1.62e-02
RANBP9		0.476(0.017)	1.95e-04	1.67e-01
CFAP20		0.476(0.015)	1.95e-04	1.67e-01
IRF2 -		0.476(0.014)	1.86e-04	1.67e-01
FBXL20		0.477(0.018)	1.80e-04	1.67e-01
PITPNB -		0.479(0.025)	1.53e-04	1.64e-01
MRFAP1		0.482(0.021)	1.16e-04	1.32e-01
RNF144A		0.483(0.013)	1.10e-04	1.32e-01
POLDIP3		0.483(0.073)	1.09e-04	1.32e-01
RBFOX1		0.484(0.016)	1.08e-04	1.32e-01
ACP1		0.485(0.017)	9.47e-05	1.32e-01
KIAA1377		0.491(0.023)	6.67e-05	1.14e-01
FXN -		0.491(0.018)	6.32e-05	1.14e-01
FAM26E		0.494(0.019)	5.73e-05	1.14e-01
FGL1		0.495(0.020)	5.61e-05	1.14e-01
FGD1 -		0.496(0.018) 0.497(0.049)	5.38e-05 5.03e-05	1.14e-01 1.14e-01
KIAA0226L - DTL -		0.497(0.049)	4.91e-05	1.14e-01
TTPAL -		0.497(0.024)	4.80e-05	1.14e-01
CCL28		0.498(0.018)	2.11e-05	1.14e-01
		0.511(0.016)	1.64e-05	1.14e-01
LANCL3		0.310(0.020)	1.046-03	1.146-01